

研究成果の刊行に関する一覧表
(令和5年度)

書籍

著者氏名	論文タイトル名	書籍全体の編集者名	書籍名	出版社名	出版地	出版年	ページ
小泉 望	リスクコミュニケーションのために求められること		ゲノム編集技術～実験上のポイント／産業利用に向けた研究開発動向と安全性周知	情報機構	東京	2023	p295-p301

雑誌

発表者氏名	論文タイトル名	発表誌名	巻号	ページ	出版年
小泉望	ゲノム編集食品をどう伝えるか	生活協同組合研究	577	34-41	2024
小泉望、四方雅人	ゲノム編集技術 ～実験上のポイント／産業利用に向けた研究開発動向と安全性周知	技術情報協会		565	2023
Shneha R., Takeda K.F., Yamaguchi Y., <u>Koizumi N.</u>	A comparative analysis of attitudes towards genome-edited food among Japanese public and scientific community	PLOS ONE	In press		2024
Goto K, <u>Tamehiro N.</u> , Yoshida T, Hanada H, Sakuma T, <u>Adachi R.</u> , <u>Kondo K.</u> , Takeuchi I.	Novel machine learning method allerStat identifies statistically significant allergen-specific patterns in protein sequences	<i>J Biol Chem.</i>	296	104733	2023
Soga K, Taguchi C, Sugino M, Egi T, Narushima J, Yoshiba S, Takabatake R, Kondo K, Shibata N	Investigation of genetically modified maize imported into Japan in 2021/2022 and the applicability of Japanese official methods.	<i>Food Hyg. Saf. Sci.</i>	64	218-225	2023

研究成果の刊行に関する一覧表
(令和4年度)

書籍

著者氏名	論文タイトル名	書籍全体の編集者名	書籍名	出版社名	出版地	出版年	ページ
小泉 望	リスクコミュニケーションのために求められること		ゲノム編集技術～実験上のポイント／産業利用に向けた研究開発動向と安全性周知	情報機構	東京	2023	p295 -p301
小泉 望、 山口 夕、 標葉隆馬			OECD 加盟国におけるゲノム編集作物に関するパブリック・エンゲージメント事例集	科学コミュニケーション研究所	神奈川	2022	

雑誌

発表者氏名	論文タイトル名	発表誌名	巻号	ページ	出版年
Takeda, K.F., Yazawa, A., Yamaguchi, Y., Koizumi, N., & Shineha, R.	Comparison of public attitudes toward five alternative proteins in Japan.	<i>Food Quality and Preference.</i>	105	104787	2023
Takabatake R, Egi T, Soga K, Narushima J, Yoshihara S, Shibata N, Nakamura K, Kondo K, Kishine M, Mano J, Kitta K	Development and interlaboratory validation of a novel reproducible qualitative method for GM soybeans using comparative Cq-based analysis for the revised non-GMO labeling system in Japan.	<i>Anal. Chem.</i>	94	13447-13454	2022

Soga K, Nakamura K, Egi T, Narushima J, Yoshiba S, Kishine M, Mano J, Kitta K, Takabatake R, Shibata N, Kondo K	Development and validation of a new robust detection method for low-content DNA using DDCq-based real-time PCR with optimized standard plasmids as a control sample.	<i>Anal. Chem.</i>	94	14475-14483	2022
Shibata N, Soga K, Sugino M, Nakamura K, Narushima J, Yoshiba S, Egi T, Takabatake R, Kondo K	Evaluation of conversion factor for rapid quantification of authorized genetically modified maize and soybean in Japan.	<i>BPB Reports.</i>	5	115-120	2022
Narushima J, Kimata S, Shiwa Y, Gondo T, Akimoto S, Soga K, Yoshiba S, Nakamura K, Shibata N, Kondo K	Unbiased prediction of off-target sites in genome-edited rice using SITE-Seq analysis on a web-based platform.	<i>Genes to Cells.</i>	27	706-718	2022
Goto K, Tamehiro N, Yoshida T, Hanada H, Sakuma T, Adachi R, Kondo K, Takeuchi I	AllerStat: Finding Statistically Significant Allergen-Specific Patterns in Protein Sequences by Machine Learning.	<i>J Biol Chem.</i>	submitted.		

研究成果の刊行に関する一覧表
(令和3年度)

書籍

なし

雑誌

発表者氏名	論文タイトル名	発表誌名	巻号	ページ	出版年
小泉望、四方雅人	ゲノム編集食品の取り扱いに関するルール	化学と生物	60	150-153	2022
Masato Nakamura, Mamoru Nozaki, Yuji Iwata, Nozomu Koizumi, Yasushi Sato	THESEUS1 is involved in tunicamycin-induced root growth inhibition, ectopic lignin deposition, and cell wall damage-induced unfolded protein response.	Plant Biotechnology	印刷中	DOI: 10.5511/plantbiotechnology.21.1224a	2022
Rikako Hirata, Tomoya Makabe, Kei-ichiro Mishiba, Nozomu Koizumi, Samir M. Hamdan, Yuji Iwata	Unpaired nucleotides on the stem of microRNA precursor are important for precise cleavage by Dicer-Like1 in Arabidopsis.	Genes to Cells	印刷中	doi: 10.1111/gtc.12927	2022
小泉望	遺伝子組換え食品とゲノム編集食品	食の安全安心通信	41	1	2021
Okazaki F, Momma K, Hirakawa Y, Kawai N, Yamaguchi-Murakami Y, Adachi R, Mori Y, Kondo Y, Narita H.	Determination of severe peach allergens, gibberellin-regulated protein, and lipid transfer protein, using monoclonal antibodies.	J Nutr Sci Vitaminol	in press.		2022