

別紙4

研究成果の刊行に関する一覧表

書籍

著者氏名	論文タイトル名	書籍全体の編集者名	書籍名	出版社名	出版地	出版年	ページ
尾崎浩一	メディカルゲノムと認知症		認知症の最新医療	フジメディカル出版	大阪	2019	32-37
尾崎浩一	虚血性心疾患感受性遺伝子とプレシジョンメディシン	神 佳之 松原 謙一 佐藤 孝明	プレシジョン(株) メディシン ～ビッグデータの構築・分析から臨床応用・課題まで～	(株) エヌ・ティ・エス	東京	2018	第4章第1節
尾崎浩一	冠動脈疾患の遺伝学	櫻井晃洋	遺伝医学MOOK別冊 シリーズ3 最新多因子遺伝性疾患研究と遺伝カウンセリング	メディカルドウ	大阪	2018	第3章9

雑誌

発表者氏名	論文タイトル名	発表誌名	巻号	ページ	出版年
Shigemizu D, Akiyama S, Asanuma Y, Boroevic h KA, Sharma A, Tsunoda T, Matsukuma K, Ichikawa M, Sudoh H, Takizawa S, Sakurai T, Ochiya T, Ozaki K, Niida S.	Risk prediction models for dementia constructed by supervised principal component analysis using miRNA expression data.	Communications biology	2	77	2019
Saji N, Niida S, Murotani K, Hisamatsu T, Tsuduki T, Sugimoto T, Kimura A, Toba K, Sakurai T.	Analysis of the relationship between the gut microbiome and dementia: a cross-sectional study conducted in Japan.	Scientific Reports.	9	1008	2019

<u>Shigemizu D</u> , Miya F, Akiyae ma S, Okuda S, Boroevich K, F ujimoto A, Nak agawa H, <u>Ozaki K</u> , <u>Niida S</u> , Kant nemura Y, Okamoto N, Saitoh S, Kato M, Yamasaki M, Matsunaga T, Mutai H, Kosaki K, Tsunoda T.	IMSindel: An accurate intermediate-size indel detection tool incorporating de novo assembly and gapped global-local alignment with split read analysis.	Scientific Reports	8 (1)	5608	2018
Nagata Y, Hirayama A, Ikeda S, Shirahata A, Shoji F, Maruyama M, Kayano M, Bundo M, Hattori K, Yossida S, Goto Y, Urakami K, Soga T, <u>Ozaki K</u> , <u>Niida S</u> .	Comparative analysis of cerebrospinal fluid metabolites in Alzheimer's disease and idiopathic normal pressure hydrocephalus in a Japanese cohort.	Biomarker Research	6	5	2018
<u>Yamaguchi-Kabata Y</u> , Moriharafuji T, Ohara T, Nomiyama T, Takahashi A, Akatsu H, Hashizume Y, Hayashi N, <u>Shigemizu D</u> , Boroevich K, Ikeda M, Kubo M, Takeda M, Tsunoda T.	Integrated analysis of human genetic association study and mouse transcriptome suggests LBH and SHF genes as novel susceptible genes for Alzheimer's disease.	<i>Hum Genet.</i>	137	521-533.	2018
Nishino J, Kochi Y, <u>Shigemizu D</u> , Kato M, Ikarashi K, Ochi H, Nomura H, Matsui K, Morizono T, Boroevich K, Tsunoda T, and Matsui S:	Empirical Bayes estimation of semi-parametric hierarchical mixture models for unbiased characterization of polygenic disease architectures.	<i>Frontiers in Genetics</i>	9	115	2018