

研究成果の刊行に関する一覧表 (平成 29 年度)

雑誌

発表者氏名	論文タイトル名	発表誌名	巻号	ページ	出版年
Shinichiro Hirai, Eiji Yokoyama, Taku Wakui, Taichiro Ishige, Masaki Nakamura	<i>Escherichia coli</i> 0157 subclade 8b strains in Chiba Prefecture, Japan, produced larger amounts of Shiga toxin 2 than strains in subclade 8a and other clades.	PLOS ONE.	13	e0191834	2018
Ogura Y, Gotoh Y, Itoh T, Sato MP, Seto K, Yoshino S, Isobe J, Etoh Y, Kurogi M, Kimata K, Maeda E, Piérard D, Kusumoto M, Akiba M, Tominaga K, Kirino Y, Kato Y, Shirahige K, Ooka T, Ishijima N, Lee KI, Iyoda S, Mainil JG, Hayashi T	Population structure of <i>Escherichia coli</i> 026 : H11 with recent and repeated <i>stx2</i> acquisition in multiple lineages.	Microbial Genomics.	3		2017
Nagasawa K, Matsushima Y, Motoya T, Mizukoshi F, Ueki Y, Sakon N, Murakami K, Shimizu T, Okabe N, Nagata N, Shirabe K, Shinomiya H, Suzuki W, Kuroda M, Sekizuka T, Suzuki Y, Ryo A, Fujita K, Onishi K, Katayama K, Kimura H.	Genetic Analysis of Human Norovirus Strains in Japan in 2016-2017.	Front. Microbiol.	9	1	2018

Motoya T, Nagasawa K, Matsushima Y, Nagata N, Ryo A, Sekizuka T, Yamashita A, Kuroda M, Morita Y, Suzuki Y, Sasaki N, Katayama K, Kimura H.	Molecular Evolution of the VP1 Gene in Human Norovirus GII.4 Variants in 1974-2015.	Front Microbiol.	8	2399	2017
Nagasawa K, Matsushima Y, Motoya T, Mizukoshi F, Ueki Y, Sakon N, Murakami K, Shimizu T, Okabe N, Nagata N, Shirabe K, Shinomiya H, Suzuki W, Kuroda M, Sekizuka T, Ryo A, Fujita K, Oishi K, Katayama K, Kimura H.	Phylogeny and Immunoreactivity of Norovirus GII.P16-GII.2, Japan, Winter 2016-17.	Emerg Infect Dis.	24	144-148	2018
Kuroda M, Masuda T, Ito M, Naoi Y, Doan YH, Haga K, Tsuchiaka S, Kishimoto M, Sano K, Omatsu T, Katayama Y, Oba M, Aoki H, Ichimaru T, Sunaga F, Mukono I, Yamasato H, Shirai J, Katayama K, Mizutani T, Oka T, Nagai M.	Genetic diversity and intergenogroup recombination events of sapoviruses detected from feces of pigs in Japan.	Infect Genet Evol.	55	209-217	2017

Utsumi T, Lusida MI, Dinana Z, Wahyuni RM, Yamani LN, Juniastuti, Soetjipto, Matsui C, Deng L, Abe T, Doan YH, Fujii Y, Kimura H, Katayama K, Shoji I.	Occurrence of norovirus infection in an asymptomatic population in Indonesia.	Infect Genet Evol.	55	1-7	2017
Doan YH, Suzuki Y, Fujii Y, Haga K, Fujimoto A, Takai-Todaka R, Someya Y, Nayak MK, Mukherjee A, Imamura D, Shinoda S, Chawla-Sarkar M, Katayama K.	Complex reassortment events of unusual G9P[4] rotavirus strains in India between 2011 and 2013.	Infect Genet Evol.	54	417-428	2017
Kitamoto T, Takai-Todaka R, Kato A, Kanamori K, Takagi H, Yoshida K, Katayama K, Nakanishi A.	Viral population changes during murine norovirus propagation in RAW 264.7 cells	Front Microbiol.	8	1091	2017
Kondo K, Tsugawa T, Ono M, Ohara T, Fujibayashi S, Tahara Y, Kubo N, Nakata S, Higashidate Y, Fujii Y, Katayama K, Yoto Y, Tsutsumi H.	Clinical and Molecular Characteristics of Human Rotavirus G8P[8] Outbreak Strain, Japan, 2014.	Emerg Infect Dis.	23	968-972	2017

Mizukoshi F, Nagasawa K, Doan YH, Haga K, Yoshizumi S, Ueki Y, Shinohara M, Ishikawa M, Sakon N, Shigemoto N, Okamoto-Nakagawa R, Ochi A, Murakami K, Ryo A, Suzuki Y, Katayama K, Kimura H.	Molecular Evolution of the RNA-Dependent RNA Polymerase and Capsid Genes of Human Norovirus Genotype GII.2 in Japan during 2004-2015.	Front Microbiol.	8	705	2017
泉谷秀昌、石原朋子、 李謙一、伊豫田淳、 大西真	2016年に分離された腸管出血性大 腸菌 0157、026 および 0111 株の MLVA 法による解析	IASR	38	100-101	2017
石原朋子、伊豫田淳、 泉谷秀昌、大西真	腸管出血性大腸菌 non-0157/026/0111 広域感染事例 の分子疫学解析	IASR	38	101-102	2017
李謙一、石原朋子、 泉谷秀昌、伊豫田淳、 大西真	全ゲノム配列解析を用いた腸管出 血性大腸菌の分子疫学解析	化学療法の領域	33	1467-1471	2017
上野詩歩子、黒岩祥 子、若松倫子、熊本 サチ子、永岡貴美子、 長岡章次、寺松孝二、 畔野征子、梅崎みど り、吉田まり子、松 尾美智代、濱崎光宏、 中山志幸、世良暢之	保育所で発生した腸管出血性大腸 菌 026 : H11 による集団感染事例- 福岡県	IASR	38	148-149	2017
吉田弘、高橋雅輝、 濱崎光宏、山下育孝、 四宮博人、山下照夫、 皆川洋子、岸本剛、 調恒明	エンテロウイルス検査の信頼性確 保について	IASR	38	199-200	2017