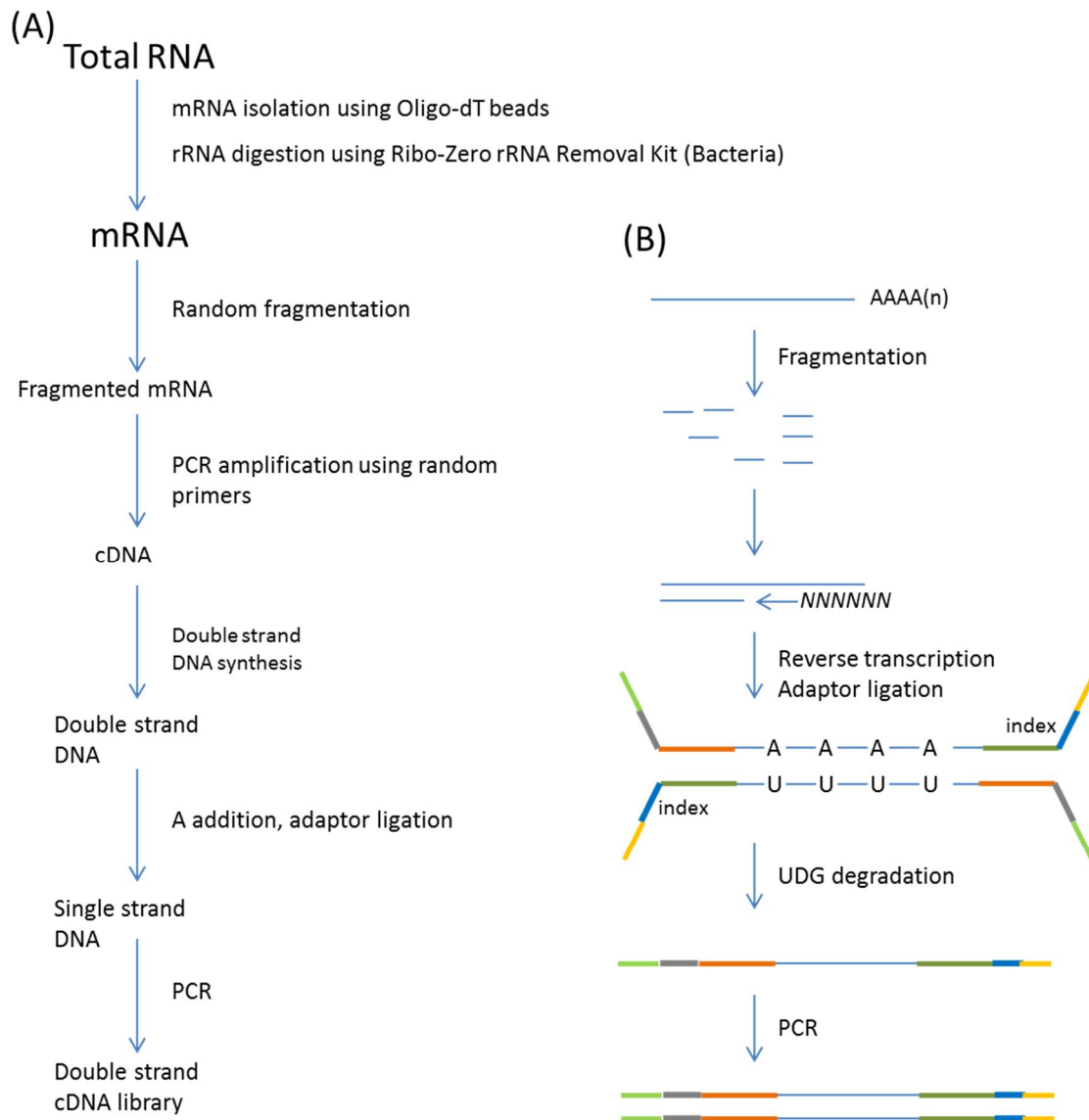


Scheme1. Purification scheme for the total RNAs



Scheme 2. RNA-Seq sample preparation

(A) Experimental steps for double strand cDNA library preparation

(B) Schematic diagram for the double strand DNA preparation

- ・野生型品種、及び、種子粒間の発現差解析を行う
- ↓
- ・得られる最大上限fold値を閾値に設定する
- ↓
- ・閾値を超えた遺伝子については、RNA-Seq(リファレンスゲノムへのマッピング)データを参照し、差を定性的に確認する
- ↓
- ・検出エラーでないものは、RT-PCRにて、定性的・定量的に確認する

Scheme 3. The flow of the gene expression analysis using RNA-Seq data for germinated non-GM and GM soybeans