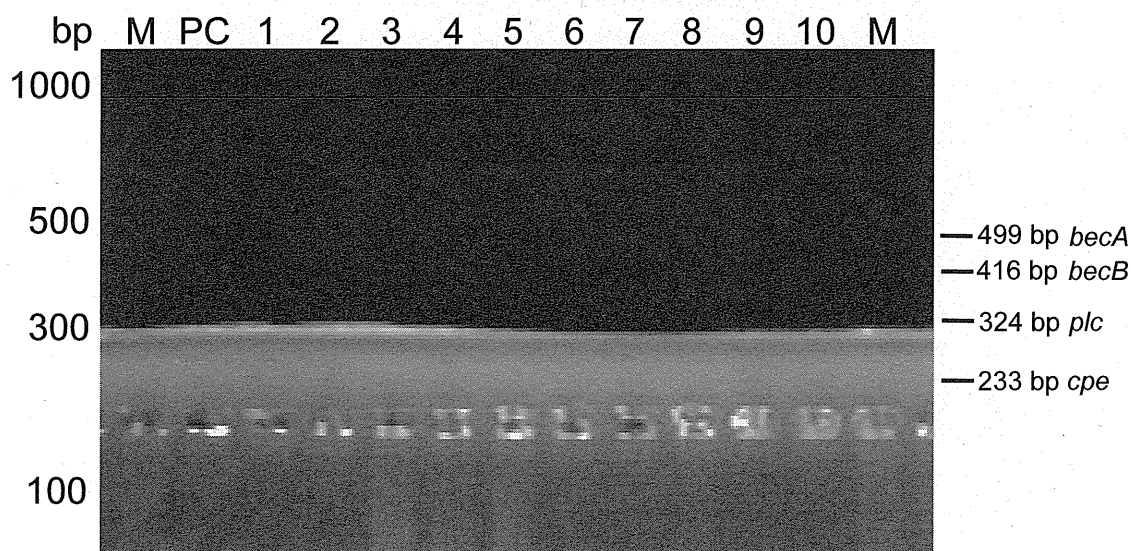


図4 マルチプレックスPCR法の特異性の検討結果



M, molecular weight marker; Lane 1, multiplex PCR; Lane 2, *C. perfringens* OS1; *C. perfringens* NCTC8239; Lane 4, *P. aeruginosa* ATCC9027; Lane 5, *P. aeruginosa* ATCC10145; Lane 6, *P. aeruginosa* ATCC27853; Lane 7, *P. aeruginosa* IAM1514; Lane 8, *C. difficile* JCM1296; Lane 9, *C. septicum* JCM8146; Lane 10, *C. spiroforme* JCM1432; Lane 11, *C. sporogenes* JCM1416.

表2 ヒトとウシの糞便中のウェルシュ菌保菌調査

検体	分離菌株数/検体数	陽性菌株数 (Multiplex PCRの結果)		
		<i>plc</i>	<i>cpe</i>	<i>becAB</i>
ヒト糞便	129 / 437	129	10	1
ウシ直腸スワブ	40 / 90	40	0	0*

\*増菌培養液のスクリーニングPCRを行った50検体のうち1検体で *BECab* 遺伝子を確認した。この検体から100株分離したが、毒素産生株は検出できなかった。

研究成果の刊行に関する一覧表

特になし

