

| | | | | |
|--|---|--------------------------------|------------|-----------|
| <p>H2 genotypes of G4P[6], G5P[7], and G9[23] porcine rotaviruses show super-short RNA electropherotypes</p> | <p>Makoto Nagai, Saya Shimada, Yoshiki Fujii, Hiromitsu Moriyama, Mami Oba, Yukie Katayama, Shinobu Tsuchiaka, Sachiko Okazaki, Tsutomu Omatsu, Tetsuya Furuya, Satoshi Koyama, Junsuke Shirai, Kazuhiko Katayama, Tetsuya Mizutani</p> | <p>Veterinary Microbiology</p> | <p>印刷中</p> | <p>国外</p> |
| <p>Whole genome sequence analysis of G3 and G14 equine group A rotaviruses isolated in the late 1990s</p> | <p>Manabu Nemoto, Makoto Nagai, Hiroshi Tsunemitsu, Tsutomu Omatsu, Tetsuya Furuya, Junsuke Shirai, Takashi Kondo, Yoshiki Fujii, Reiko Todaka, Kazuhiko Katayama, Tetsuya Mizutani</p> | <p>Archives of Virology</p> | <p>印刷中</p> | <p>国外</p> |

学 会 等 発 表 実 績

委託業務題目「下痢症ウイルスの分子疫学と感染制御に関する研究」

機関名 自然科学研究機構生理学研究所

1. 学会等における口頭・ポスター発表

| 発表した成果（発表題目、口頭・ポスター発表の別） | 発表者氏名 | 発表した場所（学会等名） | 発表した時期 | 国内・外の別 |
|---|---|-------------------------------|---------|--------|
| Sapovirus capsid structure at 8 Å resolution by single particle cryo-electron microscopy, and homology modeling | Naoyuki Miyazaki, Taylor David, Hansman Grant, Kousuke Murakami, Kazuhiko Katayama, Kazuyoshi Murata | 札幌（第52回日本生物物理学会年会） | 2014年9月 | 国内 |
| THE PRE-RELEASED STRUCTURE OF ROTAVIRUS VISUALIZED BY ELECTRON TOMOGRAPHY | Naoyuki Miyazaki, Satoshi Komoto, Koki Taniguchi, Kazuhiko Katayama, Kazuyoshi Murata | 志摩（新学術領域「動的秩序と機能」第3回国際シンポジウム） | 2015年1月 | 国内 |

2. 学会誌・雑誌等における論文掲載

本年度無し

学 会 等 発 表 実 績

委託業務題目「下痢症ウイルスの分子疫学と感染制御に関する研究」

機関名 国立長寿医療研究センター

1. 学会等における口頭・ポスター発表

| 発表した成果（発表題目、口頭・ポスター発表の別） | 発表者氏名 | 発表した場所（学会等名） | 発表した時期 | 国内・外の別 |
|--|--|--|-----------|--------|
| Association of autophagic process during human astroviral infection（口頭） | Nakanishi A, Tange S, Tasaki H, Zhou Y. | Fort Collins, Colorado, United States(American Society for Virology) | 6月22日14年 | 国外 |
| ポリオーマウイルスの細胞感染効率はVp2/3が関与する細胞内移行ステップに影響される（口頭） | 中西 章、山本真由子 | 横浜（第62回日本ウイルス学会学術集会） | 11月22日14年 | 国内 |
| レポーター遺伝子を内包したノロウイルス感染性粒子作製の試み（口頭） | 戸高玲子、村上耕介、岡智一郎、朴英斌、中西 章、脇田隆字、片山和彦 | 横浜（第62回日本ウイルス学会学術集会） | 11月21日14年 | 国内 |
| Examination of intracellular processes that associate with formation of astroviral replication complexes（ポスター発表） | Zhou Y, Tasaki H, Nakanishi A | 横浜(第37回日本分子生物学会) | 11月27日14年 | 国内 |
| Functional complementation of VP2 in murine norovirus（口頭） | Yoshida K, Zhou Y, Takai-Todaka R, Katayama K, and Nakanishi A | 台北、台湾(17th International Conference on Emerging Infectious Diseases) | 1月29日15年 | 国外 |

2. 学会誌・雑誌等における論文掲載

| 掲載した論文（発表題目） | 発表者氏名 | 発表した場所（学会誌・雑誌等名） | 発表した時期 | 国内・外の別 |
|--|--|-------------------------|--------|--------|
| Plasmid-based human norovirus reverse genetics system produces reporter-tagged progeny virus containing infectious genomic RNA | Katayama K, Murakami K, Sharp TM, Guix S, Oka T, Takai-Todaka R, Nakanishi A, Crawford SE, Atmar RL, Estes MK. | Proc.Natl.Acad.Sci.U SA | 2014年 | 国外 |

学 会 等 発 表 実 績

委託業務題目「下痢症ウイルスの分子疫学と感染制御に関する研究」

機関名 藤田保健衛生大学

1. 学会等における口頭・ポスター発表

| 発表した成果（発表題目、口頭・ポスター発表の別） | 発表者氏名 | 発表した場所（学会等名） | 発表した時期 | 国内・外の別 |
|--|--|---------------------|--------|--------|
| タイで検出されたG10P[5]ブタロタウイルスP343株ゲノムの全塩基配列解析、ポスター | 河本聡志、井手富彦、和久田光毅、Dennis Francis Ekow、芳賀慧、藤井克樹、片山和彦、谷口孝喜 | 第62回日本ウイルス学会学術集会、横浜 | 14年11月 | 国内 |
| ミャンマーにおけるG12P[6]およびG12P[8]ヒトロタウイルスの全塩基配列に基づく遺伝子解析、ポスター | 井手富彦、河本聡志、守口匡子、Dennis Francis Ekow、芳賀慧、藤井克樹、片山和彦、Shofiqur Rahman、梅田浩二、Sa Van Nguyen、辻孝雄、谷口孝喜 | 第62回日本ウイルス学会学術集会、横浜 | 14年11月 | 国内 |

2. 学会誌・雑誌等における論文掲載

| 掲載した論文（発表題目） | 発表者氏名 | 発表した場所（学会誌・雑誌等名） | 発表した時期 | 国内・外の別 |
|--|---|-------------------------------|--------|--------|
| Whole genomic analysis of porcine G10P[5] rotavirus strain P343 provides evidence for bovine-to-porcine interspecies transmission. | Komoto S, Pongsuwanna Y, Ide T, Wakuda M, Guntapong R, Dennis FE, Haga K, Fujii Y, Katayama K, Taniguchi K. | Vet Microbiol 174:577-583. | 2014年 | 国外 |
| Whole genomic analysis of human G12P[6] and G12P[8] rotavirus strains that have emerged in Kenya: identification of porcine-like NSP4 genes. | Komoto S, Wandera Apondi E, Shah M, Odoyo E, Nyangao J, Tomita M, Wakuda M, Maeno Y, Shirato H, Tsuji T, Ichinose Y, Taniguchi K. | Infect Genet Evol 27:277-293. | 2014年 | 国外 |

| | | | | |
|--|---|------------------------------------|--------------|-----------|
| <p>Identification of novel bovine group A rotavirus G15P[14] strain from epizootic diarrhea of adult cows by de novo sequencing using a next-generation sequencer.</p> | <p>Masuda T, Nagai M, Yamasato H, Tsuchiaka S, Okazaki S, Katayama Y, Oba M, Nishiura N, Sassa Y, Omatsu T, Furuya T, Koyama S, Shirai J, Taniguchi K, Fujii Y, Todaka R, Katayama K, Mizutani T.</p> | <p>Vet Microbiol 171:66-73</p> | <p>2014年</p> | <p>国外</p> |
|--|---|------------------------------------|--------------|-----------|

