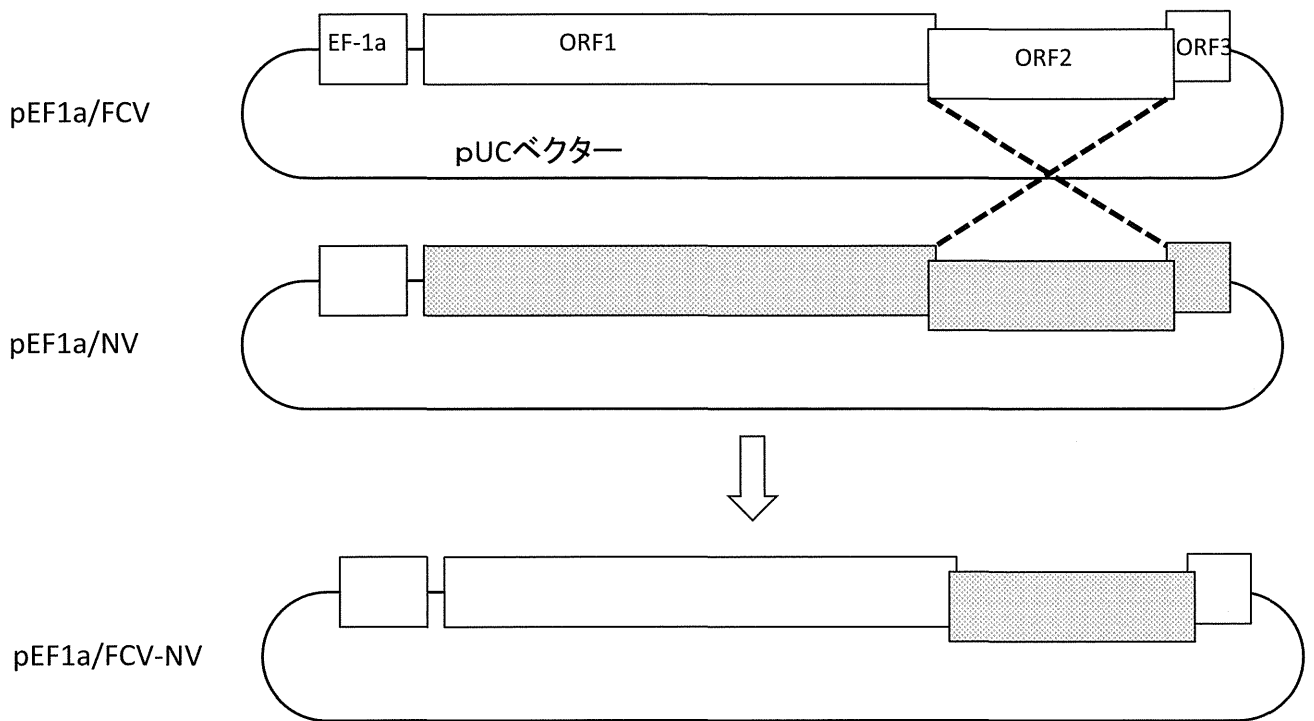


NV様組換えFCVゲノムプラスミドの作成



NV様組換えFCVの作出

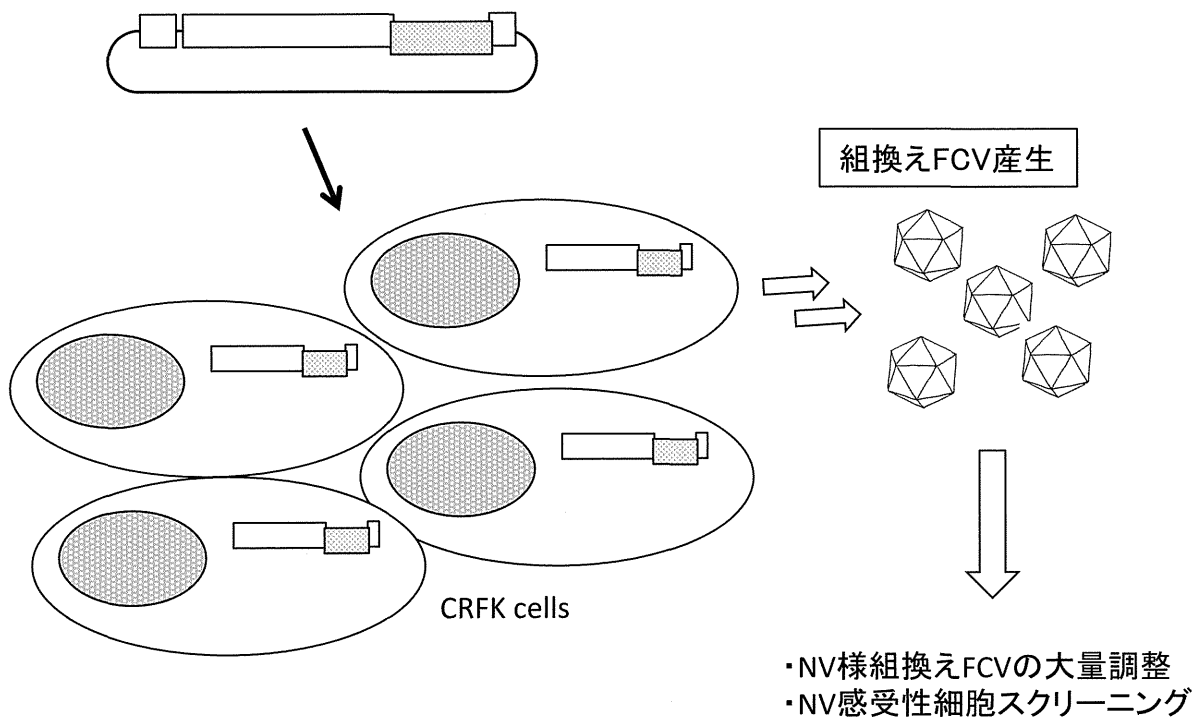


図2：研究の流れ

表 1 : ウイルスゲノム増幅用プライマー

プライマー	配列	長さ
F9+1	gtaaaagaaatttgagacaatgtctc	26
F9-7690	ccctggggtaggcgcaggtgcggca	26
F9+1-40	gtaaaagaaatttgagacaatgtctcaaactctgagcttc	39
F9-7690-	ttttccctggggtaggcgcaggtgcggcagcccaaagg	40
NVGII4+1	gtgaatgaag atggcctcta acgacgcttc cgctgccg	39
NVGII4-7537	gataatcaattttgtctttcacattatgcccgtagctc	39

表 2 : 比較に用いたPCR酵素と増幅結果

	PCR酵素	メーカー	FCV F4 *1	FCV F9	NV GII/4
1	EX Taq	TAKARA	○	○	△
2	LA Taq	TAKARA	○	○	△
3	KOD Plus Neo	TOYOBO	○	○	○
4	KOD FX Neo	TOYOBO	○	○	○
5	Platinum PCR SuperMix High Fidelity	Invitrogen	○	○	○
6	KAPA HiFi Hot Start Ready mix(2x)	KAPA BIOSYSTEMS	○	×	○
7	KAPA Taq Extra	KAPA BIOSYSTEMS	○	○	○
8	Phusion High fidelity	Finnzymes	×	×	×
9	Taq standard	Greiner	△	×	×
10	Taq High yield	Greiner	○	×	×
11	Pfu-X	Greiner	○	×	×

*1: 陽性コントロールとしてPCRのテンプレートにクローニングしたpFCV-F4を用いた。

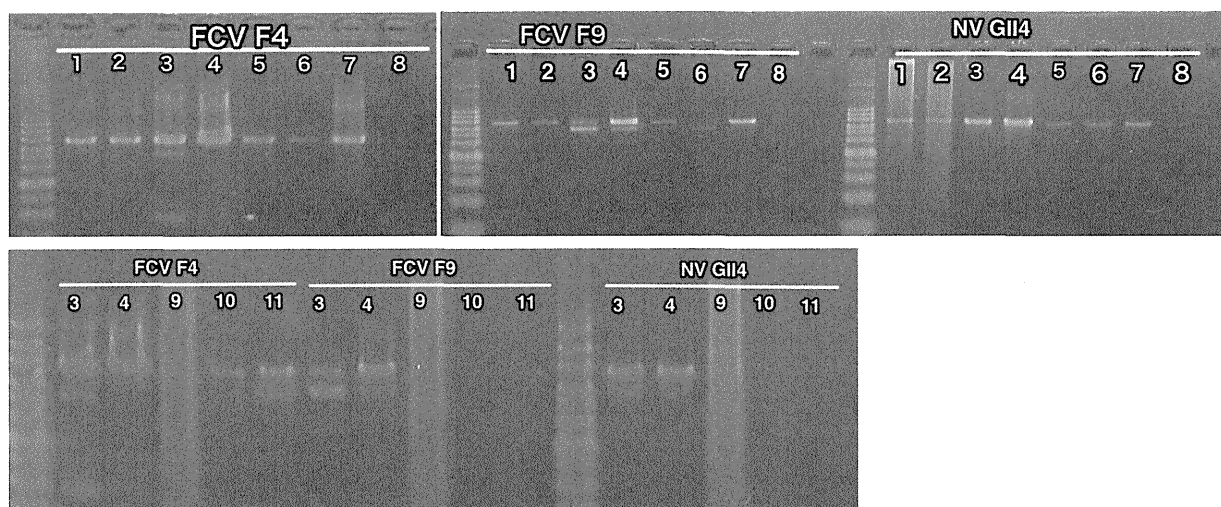


図 3 : 表 2 に上げた酵素によるPCR増幅結果 レーン番号は表 2 の番号に一致
 TOYOBO社の酵素が非特異的なバンドが少なく, 効率よく増幅された。
 FCV F4は陽性コントロールとしてテンプレートにpFCV-F4を用いた。

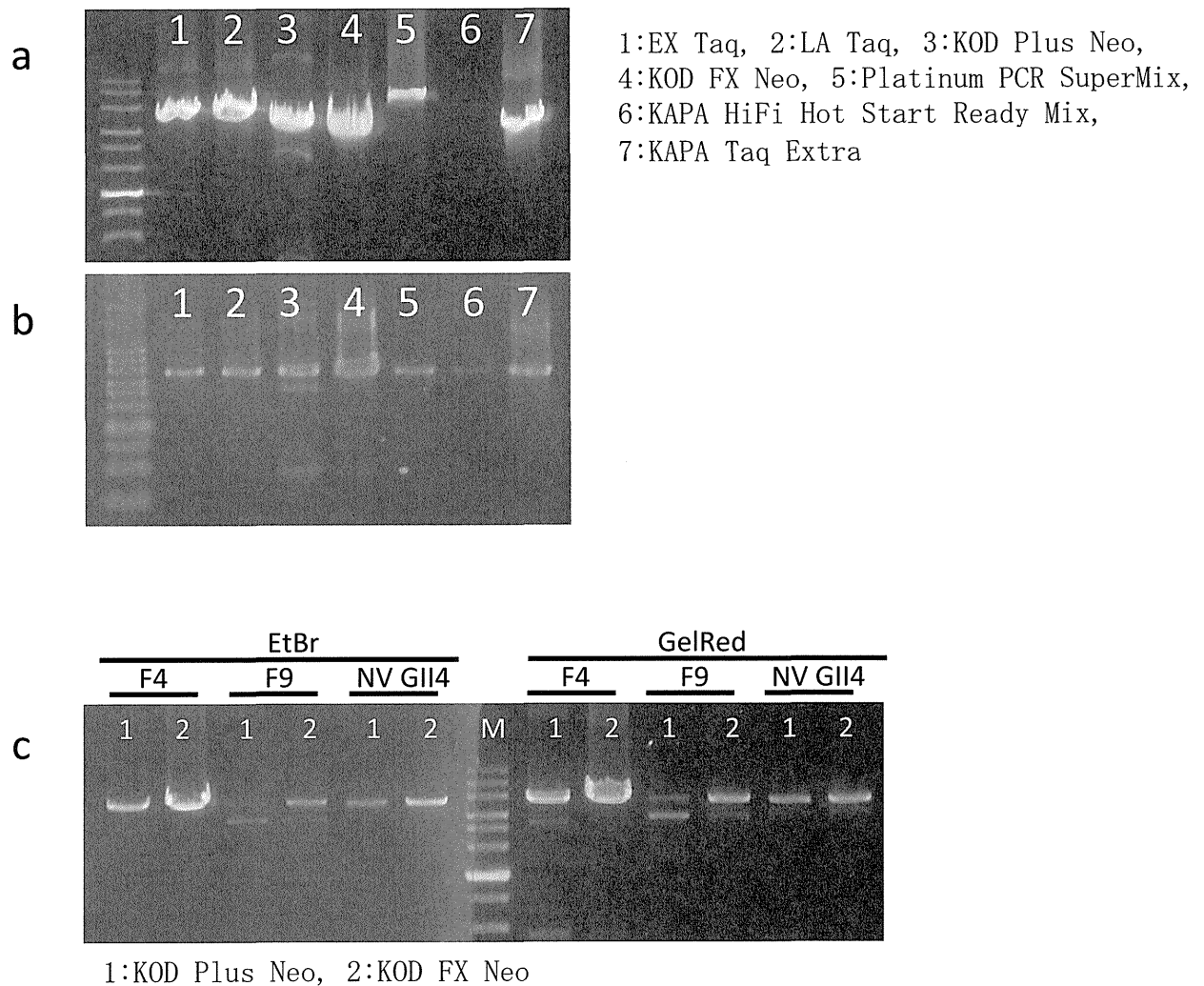


図4：染色試薬の比較。

- a: PCRサンプルにGelRedを混合して泳動を行った。
- b: aと同じサンプルを泳動後にGelRedにてゲルを染色した。
- a, bはPCRテンプレートにpFCV-F4を用いた。
- c: 泳動後にEtBrまたはGelRedにてゲル染色を行った。

平成 25 年度 厚生労働化学研究費補助金

食品の安全確保推進研究事業

「ヒトノロウイルス培養細胞の探索と食品からのノロウイルス検出に関する研究」

組換えヒトノロウイルス，組換えネコカリシウイルス，
およびカプシドタンパク発現組換えネコカリシウイルス再構築
のためのゲノムプラスミドの作成

研究代表者 上間 匡 国立医薬品食品衛生研究所・食品衛生管理部 主任研究官

研究要旨

ヒトノロウイルスには、現在有効な培養系が存在しないため、環境中や食品における感染性ノロウイルスの評価が出来ない。確実なノロウイルス殺菌方法の確立や、感染性胃腸炎・および大規模な食中毒の防止・制御のためにもヒトノロウイルスの感受性細胞の探索と培養系の開発は世界的にも重要な課題である。

本研究では、NV の代替ウイルスで培養可能、かつリバーシジェネティクス系の報告されているネコカリシウイルスを用いて、NV カプシドをもつ組換えネコカリシウイルスを作製するために、ネコカリシウイルス及び、近年の大流行において主要な原因となっている NV GII4 遺伝子型株のゲノム全長をクローニングし、組換えヒトノロウイルス、組換えネコカリシウイルス作出のための組換えゲノムプラスミドの作成を行った。

NV GII4 遺伝子型株については、EF1a プロモータ下流にゲノム全長をクローニングしたゲノムプラスミドの作製に成功した。一方、ネコカリシウイルスについては、PCR によりゲノム全長の増幅は可能であったが、組換えゲノムプラスミドの作製は成功せず、大腸菌を用いたゲノムプラスミドの作製は困難であることが示唆された。

また、NV カプシドタンパク発現組換え FCV については、ORF1 にフレームシフト変異が入るものの、EF1a プロモータ下流にゲノムをクローニングすることに成功した。

A. 研究目的

ノロウイルス (NV) は、最も重要な食中毒原因物質の一つであり、2006/07 および2012/13シーズンはGII/4遺伝子型のノロウイルスが大流行を記録した。

NVには培養細胞や実験動物を利用した感染・増殖系が無いために、環境中のウイルス動態や、食品・環境からのウイルス検出や感染性ウイルスの不活化処理についての研究は代替のネコカリシウイルス (FCV) やマウスノロウイルス (MNV) やバキュロウイルス発現系を用いた、感染性の無いウイル

ス様分子VLP等で行われており、実際の感染性NVの検出や不活化、制御等に関する詳細は不明であり、NV制御に向けた、感染・増殖系の確立が世界的に望まれている。

FCVのリバースジェネティクス系を応用しNVのカプシド蛋白を持つ組換えFCVの作製に向けて、図1に示す3種類の組換えゲノムプラスミド

(pEF1a/FCV, pEF1a/NV, pEF1a/FCV-NV)の作製を試みた。

B. 研究方法

1) 組換え FCV 作成のための対象ウイルス

組換え FCV 再構築系の確立に向け、NV 検出法や、不活化処理のコントロールとして国際的にも広く利用されているネコカリシウイルス F9 株と、国内分離株の F4 株を選定した。CRFK 細胞でウイルスを増殖させた培養上清より抽出した RNA を用いた。

また、ヒトノロウイルスとして、GII/4 遺伝子型のヒトノロウイルスを選定し、ヒトノロウイルス GII/4 遺伝子型が検出された糞便検体より抽出した RNA を用いた。

RNA 抽出には、QIAamp viral mini kit (QIAGEN)を用いた。

2) 逆転写反応

抽出した RNA の逆転写反応は、SuperScript II (Invitrogen)により行った。キット添付のプロトコールに従い、dT プライマーを用いて cDNA の作成を行った。

3) ウイルスのゲノム全長増幅 PCR とクローニング

KOD Plus Neo (TOYOBO) を用いてゲノム全長の増幅し、クローニングを行った。

4) 組換え FCV ゲノムプラスミドの作成

3) で作成した FCV および NV ゲノムプラスミドのウイルスゲノム上流へ EF-1a プロモータを導入した、pEF1a/NV, pEF1a/FCV-NV を作成した。

C. 研究結果

1) FCV ゲノムプラスミドの作成
PCR でゲノム全長を増幅できるものの、完全長のゲノムプラスミド pEF1a/FCV の作成に至らなかった。但し、ゲノムプラスミド作成段階に置いて、ORF1-ORF2 ジャンクション領域を含むウイルスゲノム後半約 3.7kb の断片のクローニングは成功した。これを食品等からのウイルス検査法でのリアル・タイム PCR の標準プラスミドとして使用できることを確認した。

この標準プラスミドを利用して、感染性ウイルス粒子推定法の開発を行った。

2) NV ゲノムプラスミドの作成

EF1a プロモータ下流に NV GII/4 遺伝子型のゲノム全長をクローニングしたゲノムプラスミド pEF1a/NV の作成に成功した。

3) NV カプシド発現 FCV ゲノムプラスミドの作成

プロモーターに EF-1a を導入した組換えウイルスのゲノムプラスミドを作成した。

図 2 に示すように pEF1aNV-FCV は ORF1 領域に点変異が必発し、そのままではフレームシフトが起きると考えられた。

また、ORF2 領域にも、塩基の欠損が生じていた。

さらに、フレームシフトのないプラスミドは大腸菌を用いたクローニング法では作成出来なかった。

D. 考察

NV カプシド発現組換え FCV のリバースジェネティクス系の確立に向けて、FCV および NV GII4 遺伝子型のウイルスゲノム全長のクローニング及び、組換えウイルスゲノムプラスミドの構築を進め、組換えウイルスゲノムプラスミドの構築法、および遺伝子組み換え方法については、TOYOBO 社の KOD ポリメラーゼや TAKARA 社の In-Fusion 法の導入により、組換えゲノムプラスミドの構築法が確立出来た。

ウイルスゲノムのクローニングの過程において、FCV および NV GII4 のウイルスゲノム全長の効率的な増幅条件を見出すことが出来た。

厚生労働省よりすでに公開されている食品からのノロウイルスの検査法（平成 15 年 11 月 5 日付け食安監発第 1105001 号 「ノーウォーク様ウイ

ルス (NLV) の RT-PCR 法について」)の中で RT-PCR で用いられていることから、Ex Taq(TAKARA 社)を用いたウイルスゲノム全長の増幅条件を検討し、FCV については Ex Taq でも良好な結果を得たが、NV GII4 では PCR 産物の電気泳動像でスメアが確認され、特異性の低さが懸念された。同様に TAKARA 社から 3kb 以上の長鎖 PCR 増幅に適しているとされている LA Taq でも NV GII4 では非特異反応が確認された。これを解決する目的で各社から販売されている PCR 酵素の比較を行った。各酵素の中で、FCV および NV GII4 で特異性が高く、PCR での増幅効率も優れていたのは TOYOBO 社の KOD ポリメラーゼであった。

NV GII4 のウイルスゲノムプラスミド作成に比較し、FCV ゲノムは EF1a プロモータ、CMV プロモータなど、プロモータ変更及び、形質転換に用いる大腸菌を変更しても作成することが出来なかった。FCV ゲノムプラスミドの作成は困難であることが考えられ、今後 NV カプシドを発現する組換えウイルスを再構築する上では、同じウイルス科のネコカリシウイルスやマウスノロウイルス等を利用するのか、またはウイルス科は異なるがウイルス構造が似通っているエンテロウイルスなどのウイルス再構築系を応用するのか検討していく必要がある。

E. 結論

・FCV および NV GII4 のウイルスゲノムのクローニングを行った。

・pEF1a/NV 及び、変異はあるものの、pEF1a/FCV-NV を作製した。

・FCV のゲノムプラスミド作製は非常に困難であることが明らかになった。

・FCV ORF1 (ポリメラーゼ) -ORF2 (カプシド) 領域を含む約 3.7kb のプラスミドを食品等からのウイルス遺伝子検出リアル・タイム PCR 法の標準プラスミドとして作成し、感染性推定遺伝子検査法の開発等を行った。

・FCV および NV GII4 についてはワンステップ RT-PCR によるウイルスゲノム全長の増幅条件を見出した。

F. 健康危険情報

特になし

G. 研究発表

学会発表

溝口嘉範, 磯田美穂子, 木田浩司, 濱野雅子, 藤井理津志, 岸本壽男, 安原広己, 上間 匡, 野田 衛 (2013)感染性推定遺

伝子検査法の下水中のノロウイルス検出への応用, 第 106 回日本食品衛生学会学術講演会, 宜野湾市, 11/22

上間 匡, 三元昌美, 青沼えり, 野田 衛 (2013)ノロウイルスのリスク評価のための感染性推定遺伝子検査法の開発, 第 106 回日本食品衛生学会学術講演会, 宜野湾市, 11/22

上間 匡, 三元昌美, 青沼えり, 榎原慶隆, 野田 衛 (2013)ノロウイルスの感染性推定遺伝子検査の開発と応用, 第 34 回日本食品微生物学会学術総会, 江戸川区, 10/3

三元昌美, 上間 匡, 榎原慶隆, 野田 衛 (2013)感染性推定遺伝子検査法を用いたノロウイルスの乾燥状態および液体中の生存性の推定, 第 106 回日本食品衛生学会学術講演会, 宜野湾市, 11/22

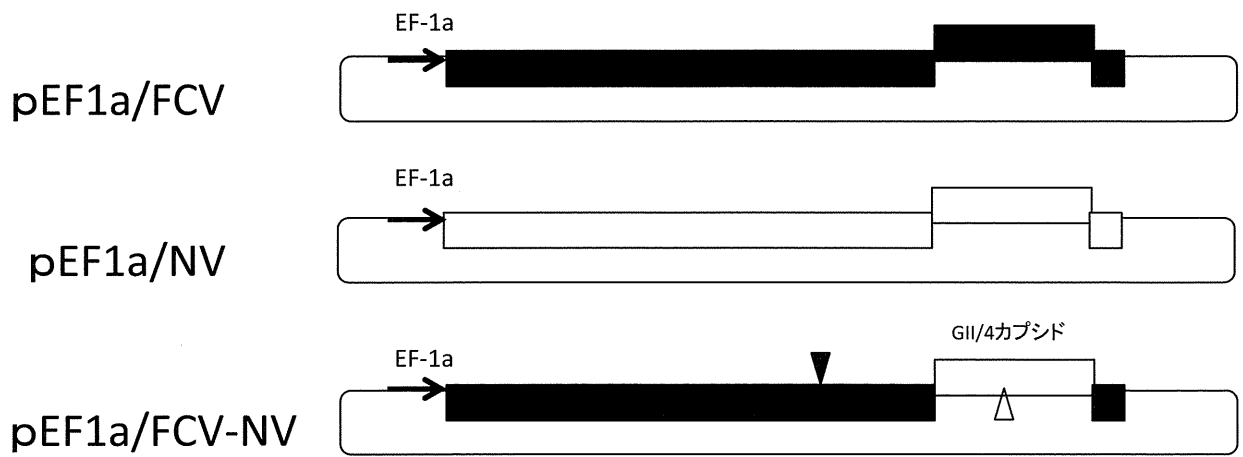


図. 1 組換えゲノムプラスミド模式図

a

F9-GII4	1621	CAAGGTAGACTATGCAAATTTTGTGATTGGGATGGTAAACTCTGCTCCTATGGTGTTAAA	1680
F9	1621	CAAGGTAGACTATGCAAATTTTGTGATTGGGATGGTAAACTCTGCTCCTATGGTGTTAAA	1680
F9-GII4	1681	TTGTGACATGCTTGAAAAAAGGGAAAGCTCTTACCTCAAAGTATATAATTATGACTTC	1740
F9	1681	TTGTGACATGCTTGAGAACAAAGGGAAAGCTCTTACCTCAAAGTATATAATTATGACTTC	1740
F9-GII4	1741	CAACTCTGAAACTCCAGTGAAACCTCTTCCAAGCGCGCAGGTGCATTCTACCGAAGGGT	1800
F9	1741	CAACTCTGAAACTCCAGTGAAACCTCTTCCAAGCGCGCAGGTGCATTCTACCGAAGGGT	1800
F9-GII4	1801	TACTATCATCGATGTAACCTAACCTTTTGGTGGAGTCGCACAAGCGTGCAAGGCCTGGGAC	1860
F9	1801	TACTATCATCGATGTAACCTAACCTTTTGGTGGAGTCGCACAAGCGTGCAAGGCCTGGGAC	1860
F9-GII4	1861	GTCTGTTCTCGTAGCTGCTATAAGAAAAAACTTCTCCCATCTCTCACTTGCTAAACGAG	1920
F9	1861	GTCTGTTCTCGTAGCTGCTATAAG-AAAAAACTTCTCCCATCTCTCACTTGCTAAACGAG	1919
F9-GII4	1921	GGCCGAGTCTGGTGAAGGAATACGTTCTTACCCTAAGGGCTTCAACACCAAAGCA	1980
F9	1920	GGCCGAGTCTGGTGAAGGAATACGTTCTTACCCTAAGGGCTTCAACACCAAAGCA	1979
F9-GII4	1981	TGAAGGCTCCCCCTCTACCTTTCTTAACATTGACTCTTTAGCTCAGACGATGAAGCAAG	2040
F9	1980	TGAAGGCTCCCCCTCTACCTTTCTTAACATTGACTCTTTAGCTCAGACGATGAAGCAAG	2039
F9-GII4	2041	ACTTCTTGCTCAAGAACATGGCTTTTGGGCTGAAGATGGGTGCGCAGAACATCGATATG	2100
F9	2040	ACTTCTTGCTCAAGAACATGGCTTTTGGGCTGAAGATGGGTGCGCAGAACATCGATATG	2099

b

F9-GII4	6825	GTCACCAGTTCTACACACTTGCCCCATGGGAAATGGGACGGGGCGTAGACGTGCATTA	6884
F9	6645	GTCACCAGTTCTACACACTTGCCCCATGGGAAATGGGACGGGGCGTAGACGTGCACTA	6704
F9-GII4	6885	TAATGGCTGGAGCTTCTTTGCTGGATTGGCATCTGACGTCCTTGGCTCTGGACTTGGTT	6944
F9	6705	TAATGGCTGGAGCTTCTTTGCTGGATTGGCATCTGACGTCCTTGGCTCTGGACTTGGTT	6764
F9-GII4	6945	CCCTAATCAATGCTGGGGCTGGGGCCATCAACCAAAAAGTTG---TGAATAACAGAA	7000
F9	6765	CCCTAATCAATGCTGGGGCTGGGGCCATCAACCAAAAAGTTGAATTTGAATAACAGAA	6824
F9-GII4	7001	AATTGCAACAAGCTTCTTCCAATTTAGTAGCAATCTACAACAGGCTTCTTTCAACATG	7060
F9	6825	AATTGCAACAAGCTTCTTCCAATTTAGTAGCAATCTACAACAGGCTTCTTTCAACATG	6884
F9-GII4	7061	ACAAAGAGATGCTCCAAGCACAAAGTTGAGGCCACCAAAAAGTTGCAACAGGAAATGATGA	7120
F9	6885	ACAAAGAGATGCTCCAAGCACAAATTTGAGGCCACCAAAAAGTTGCAACAGGAAATGATGA	6944
F9-GII4	7121	GAGTTAAACAAGCAATGCTCCTAGAGGGTGGATTCTCTGAGACAGATGCAGCCCGTGGGG	7180
F9	6945	GAGTTAAACAAGCAATGCTCCTAGAGGGTGGATTCTCTGAGACAGATGCAGCCCGTGGGG	7004

図. 2 NVカプシド発現組換えFCVゲノムプラスミドのORF1のフレームシフト (a) および , ORF2の塩基欠損 (b)

平成 25 年度 厚生労働化学研究費補助金

食品の安全確保推進研究事業

「ヒトノロウイルス培養細胞の探索と食品からのノロウイルス検出に関する研究」

組換えヒトノロウイルス再構築の検討

研究代表者 上間 匡 国立医薬品食品衛生研究所・食品衛生管理部 主任研究官

研究要旨

ヒトノロウイルスには、現在有効な培養系が存在しないため、環境中や食品における感染性ノロウイルスの評価が出来ない。確実なノロウイルス殺菌方法の確立や、感染性胃腸炎・および大規模な食中毒の防止・制御のためにもヒトノロウイルスの感受性細胞の探索と培養系の開発は世界的にも重要な課題である。

本研究では、作製した組換え NV ゲノムプラスミドを細胞へ遺伝子導入を行って、組換え NV の再構築を試みた。

細胞にはヒト由来細胞である CaCo-2, HEp-2, HeLa, 293, 293T 細胞の他、ネコカリシウイルスの培養細胞である CRFK 細胞を用いた。遺伝子導入試薬には、各社から販売されている試薬を用いて検討を行ったが、組換え NV の再構築には至らなかった。

今後組換え NV を再構築していく上で、ゲノム RNA のテンプレートとなるゲノムプラスミドのみを導入する方法に加えて、麻疹ウイルス等の再構築系で用いられているようなウイルス因子を同時に細胞へ導入するなどの検討が必要であると考えられた。

A. 研究目的

ノロウイルス (NV) は、最も重要な食中毒原因物質の一つであり、2006/07 および 2012/13 シーズンは GII/4 遺伝子型のノロウイルスが大流行を記録した。

NV には培養細胞や実験動物を利用した感染・増殖系が無いために、環境中のウイルス動態や、食品・環境からのウイルス検出や感染性ウイルスの不活化処理についての研究は代替のネコカリシウイルス (FCV) やマウスノロウイルス (MNV) やバキュロウイルス

発現系を用いた、感染性の無いウイルス様分子 VLP 等で行われており、実際の感染性 NV の検出や不活化、制御等に関する詳細は不明であり、NV 制御に向けた、感染・増殖系の確立が世界的に望まれている。

NV のリバーシジェネティクス系確立を目的として、作製した組換え NV ゲノムプラスミドを培養細胞へ遺伝子トランスフェクションで導入し、組換えウイルスの再構築を試みた。

B. 研究方法

1) ヒトノロウイルスとして、GII/4

遺伝子型のヒトノロウイルスを選定し、EF1a プロモータ下流に NV ゲノム全長をクローニングした組換えゲノムプラスミド pEF1a/NV を用いた。

2) トランスフェクション法

トランスフェクション試薬として以下のものを用いた。

- ・ TransIT LT1(TAKARA)
- ・ Fugene 6 (Promega)
- ・ Lipofectamine 2000 (Invitrogen)

プラスミド濃度、試薬濃度等は試薬説明書に従った。

また、試薬を用いない遺伝子導入法として電荷帯電水滴を用いるエレクトロスプレー法^{1, 2}を用いた。

3) 細胞

293, 293T, HeLa, HEP-2, CRFK 細胞を用いた。

C. 研究結果

表に示すように、細胞と試薬の組み合わせを全て試したが、ウイルスのゲノム RNA の検出、ウイルス再構築は確認できなかった。

陽性コントロールとして GFP 発現プラスミドをトランスフェクションした場合は GFP が確認できた。

但し、エレクトロスプレー法では、GFP の発現は HeLa 細胞で確認できたが、効率が非常に悪かったため (10⁶ 細胞あたり 3-5 個程度) HeLa および 293T 以外の細胞ではテストしなかった。また、GFP 発現細胞もエレクトロスプレーによって、ダメージを受けて

正常細胞 (接着状態) とは異なる形態を示した。

D. 考察

組換え NV の再構築を組換えゲノムプラスミドの遺伝子導入により試みたが、入手した細胞、試薬の組み合わせではゲノム RNA の検出、ウイルス再構築は確認出来なかった。

陽性コントロールの GFP については発現確認出来ているので、試薬の使用条件は問題ないと思われる。

ウイルスの再構築の際に、すでに研究が進んでいる麻疹やインフルエンザなどでは、ゲノムプラスミドに加えて、幾つかのウイルスタンパクを補助因子として発現させている。これを考慮すると、組換え NV および組換え FCV の再構築にも、補助となるウイルス因子が必要である可能性は否定出来ない。

今回テストしたエレクトロスプレー法は、単三乾電池 2 本を用いる、ハンディタイプの装置を用いて実施したが、スプレー時に細胞がかなりのダメージを追うことが考えられ、遺伝子導入にはあまり適さないことが考えられた。

E. 結論

・組換え NV の再構築を試みたが、現在のところ成功していない。

・ウイルス再構築のためには、ゲノムプラスミドに加えてウイルス因子の導入が必要である可能性がある。

T. Sakai, *Angew. Chem. Int. Ed.* 47,
1429-1431 (2008).

F. 健康危険情報

なし

G. 研究発表

なし

参考文献

1. 池本一人, 小池加奈子, 坂井貴文,
エレクトロスプレーによる帯電液滴を利用した細胞への遺伝子導入 埼玉大学
地域オープンイノベーションセンター
一紀要 1, 15-16, (2008)
2. Y. Okubo, K. ikemoto, K. Koike, C.
Tsutsui, I. Sakata, O. Takei, A. Adachi,

表.遺伝子導入による遺伝子発現（上段：GFP，下段：pEF1a/NV)

	293	293T	HeLa	HEp-2	CRFK
TranIT	○ ×	○ ×	○ ×	○ ×	○ ×
FuGene6	○ ×	○ ×	○ ×	○ ×	○ ×
Lipo2000	○ ×	○ ×	○ ×	○ ×	○ ×
ElectroSpray	実施せ ず	×	○ ×	実施せず	実施せず

平成 25 年度 厚生労働化学研究費補助金

食品の安全確保推進研究事業

「ヒトノロウイルス培養細胞の探索と食品からのノロウイルス検出に関する研究」

タンパク質トランスフェクション法による

非感受性細胞へのウイルス導入の検討

研究代表者 上間 匡 国立医薬品食品衛生研究所・食品衛生管理部 主任研究官

研究要旨

ヒトノロウイルスには、現在有効な培養系が存在しないため、環境中や食品における感染性ノロウイルスの評価が出来ない。確実なノロウイルス殺菌方法の確立や、感染性胃腸炎・および大規模な食中毒の防止・制御のためにもヒトノロウイルスの感受性細胞の探索と培養系の開発は世界的にも重要な課題である。

本研究では、組換え NV の再構築系において、ゲノムプラスミドに加えて、ウイルス因子を細胞へ導入する手段として、タンパク質トランスフェクション法の検討を行った。

ネコカリシウイルス (FCV) を非感受性細胞である 293T, HeLa 細胞へタンパク質トランスフェクション法を用いて導入し、ゲノム RNA の増加、ウイルス感染価を評価したところ、293T 細胞において、導入後 24 時間でゲノム RNA の増加と、感染価上昇が確認できた。

ウイルス因子の導入方法としてタンパク質トランスフェクション法が利用できることが示唆された。

A. 研究目的

ノロウイルス (NV) は、最も重要な食中毒原因物質の一つであり、2006/07 および 2012/13 シーズンは GII/4 遺伝子型のノロウイルスが大流行を記録した。

NV には培養細胞や実験動物を利用した感染・増殖系が無いために、環境中のウイルス動態や、食品・環境からのウイルス検出や感染性ウイルスの不活化処理についての研究は代替の

ネコカリシウイルス (FCV) やマウスノロウイルス (MNV) やバキュロウイルス発現系を用いた、感染性の無いウイルス様分子 VLP 等で行われており、実際の感染性 NV の検出や不活化、制御等に関する詳細は不明であり、NV 制御に向けた、感染・増殖系の確立が世界的に望まれている。

FCV のリバーズジェネティクス系を応用し組換え NV の再構築の際に、ゲノムプラスミドに加えて、ウイルス因子

を導入する手段としてタンパク質トランスフェクション法を検討した。

B. 研究方法

1) NV の代替ウイルスとして利用されるネコカリシウイルスを用いた。

2) FCV 非感受性細胞である HeLa 細胞, 293T 細胞を用いた。

3) タンパク質トランスフェクション試薬

ViroMag (OZ Biosciences)

Xfect Protein Transfection Reagent (TAKARA)

Profect P2 (Targeting Systems)

Pro-Ject Protein Transfection Reagent (Thermo Scientific, Pierce)

について、使用説明書に従い、FCV とタンパク質トランスフェクション試薬の混合液を培養細胞に加えて、導入後 24 時間あるいは 48 時間のウイルス RNA の増加, FCV 感染価を評価した。

C. 研究結果

1) タンパク質トランスフェクション試薬の比較

HeLa 細胞, 293T 細胞を用いて、FCV のトランスフェクション効率をもとに、各試薬の比較を行った。

導入効率の比較は、FCV 導入後のウイルス RNA の増加をリアル・タイム PCR の検出サイクル数で判定した。その結果、HeLa 細胞, 293T 細胞共に Pro-Ject Protein Transfection Reagent と Profect P2 を用いた場合に導入後 24 時

間で RNA の増加が確認できた(図 1)。

特に、293T 細胞へ Pro-Ject Protein Transfection Reagent を用いた場合にもっとも RNA の増加が大きかった。

2) トランスフェクション条件の検討
293T 細胞へ Pro-Ject Protein Transfection Reagent を用いた場合に最も効率がよいと考えられたので、トランスフェクション条件を検討した。

その結果、Pro-Ject 試薬を 2.5 μ l または 5 μ l と FCV を混合し、導入後 24 時間で RNA の増加が確認できた。

3) トランスフェクション後のウイルス力価

トランスフェクション後 24 時間における FCV の力価を TCID₅₀ 法で測定したところ、トランスフェクション試薬を用いない場合には 24 時間で力価が低下するのに対して、Pro-Ject 試薬を混合した場合に、FCV の力価上昇が確認できた(図 1)。

4) トランスフェクション後の細胞変性効果

図 2 に示すように、FCV F9, F4 株ともに FCV のみを HeLa 細胞へ感染させた時は細胞変性効果は認められないのに対して、トランスフェクション試薬である ProFect を持ちいた場合に、細胞変性効果が確認できた。

図 3 に示すように 293T 細胞に Pro-Ject を用いて FCV-F9 を導入後 24 時間では、RNA, ウイルス力価共に増加しているにもかかわらず、HeLa 細

胞で見られたような明らかな細胞変性効果は確認出来なかった。

D. 考察

タンパク質トランスフェクション試薬を用いることで、HeLa 細胞や 293T 細胞といった FCV 非感受性細胞で FCV ゲノム RNA の増加と感染性ウイルスの増殖を確認できた。タンパク質トランスフェクション法は、ウイルス因子の導入法として利用できることが示唆された。

更に、タンパク質トランスフェクション法によって、非感受性細胞でウイルスが増殖することから、NV の感染性を検討する方法としても応用できる可能性を見出した。また、これを用いたウイルス増殖系開発の可能性が示唆された。

導入する際の FCV の最小力価や、検出限界についてはさらに検討する必要があるが、培養方法がなくても、ゲノムの増殖の有無を判定することで、感染性ウイルスについて判定出来ることが期待出来る。

糞便由来の精製 NV 粒子や、FCV 以外のウイルスについても同様の効果が認められるかはさらに検討する必要がある。

タンパク質トランスフェクション試薬は遺伝子トランスフェクション試薬に比べて、販売会社や試薬の種類

が少ないために、国内では入手しにくい欠点があるが、今後抗体医薬等の発達にともない状況が改善する可能性が高く、今後さらに効率のよいウイルス導入法としての開発が期待出来る。また、医薬品デリバリーシステム (DDS) として研究が進む、膜透過性ペプチド等を用いたタンパク質修飾についても、これをウイルスに応用できる可能性があり、今後 DDS 分野との研究開発について検討を行っていくことで、新たなウイルス増殖系の開発につながることを期待できる。

E. 結論

・タンパク質トランスフェクション法により、非感受性細胞へ FCV の導入を試みた。

・HeLa 細胞, 293T 細胞において FCV の RNA 増幅とウイルス力価の上昇を確認した。

・リバーシジェネティクスによるウイルス再構築に置いて、細胞へのウイルス因子導入法としてタンパク質トランスフェクション法が利用できる可能性が示唆された。

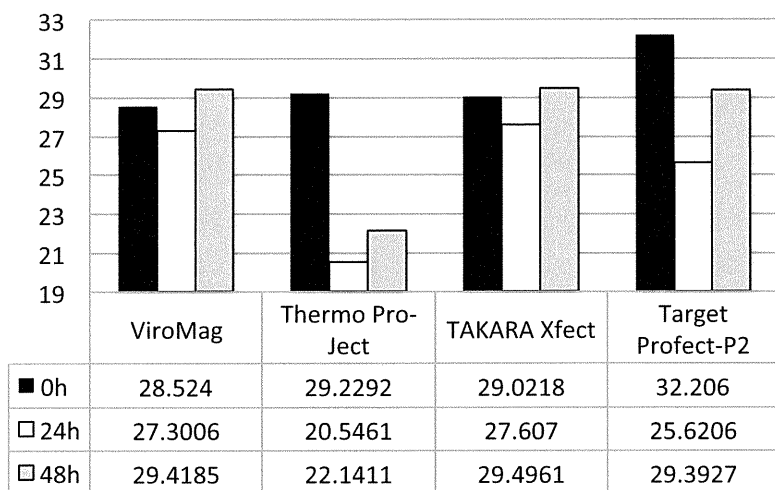
F. 健康危険情報

特になし

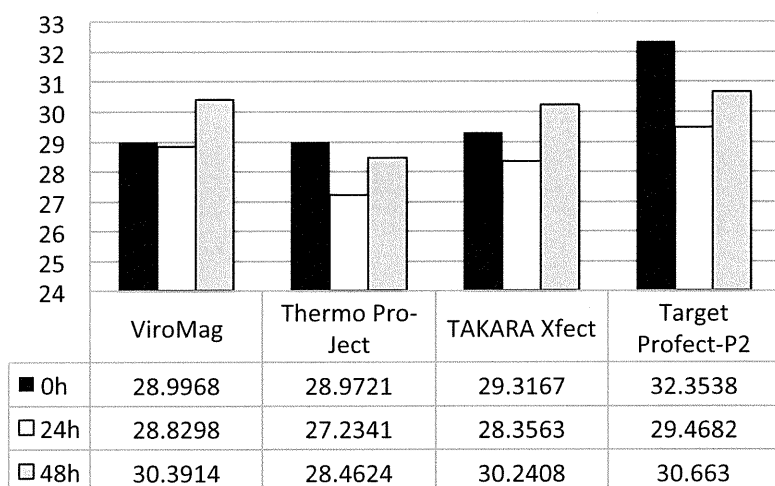
G. 研究発表

なし

F9 RNA replication cycle in 293T



F9 RNA replication cycle in HeLa



FCV titer in 293T(Pro-Ject)

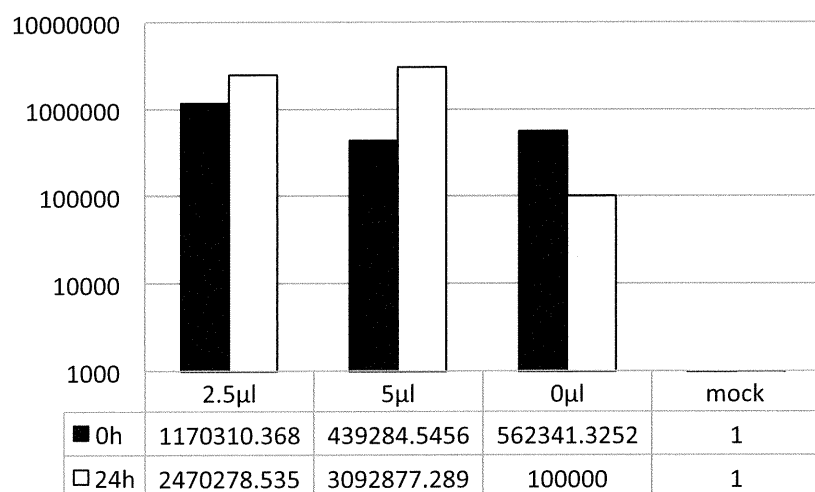


図1. タンパク質トランスフェクション試薬の比較と293T細胞へ導入後のウイルス力価の上昇

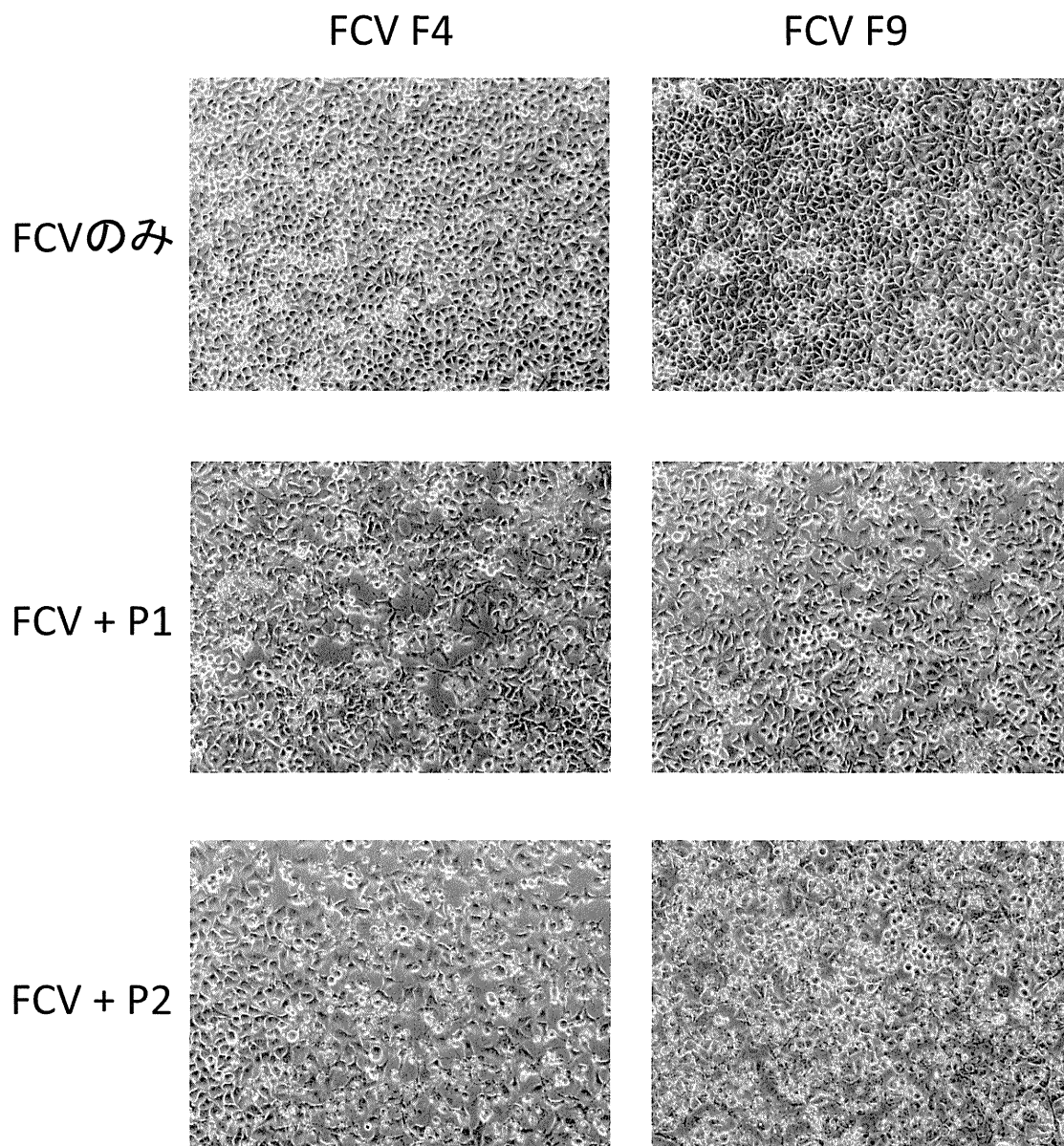


図2. HeLa細胞へProFectを用いてFCVを導入後24時間の細胞変性効果

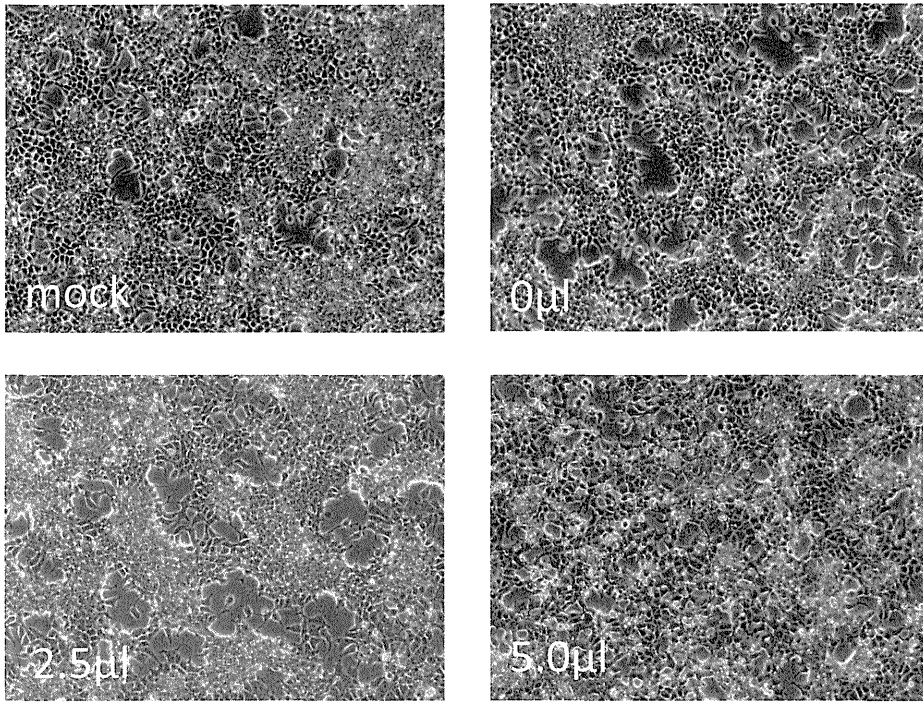


図3. 293T細胞へPro-Jectを用いてFCV F9を導入した際の細胞変性効果