厚生労働科学研究費補助金(B型肝炎創薬実用化等研究事業)

分担研究報告書(平成25年度)

B型肝癌における自然免疫の機能解明とその制御による発癌抑止法開発

分担研究者:松田浩一 東京大学医科学研究所 准教授

分担研究課題:B型肝癌の発癌感受性遺伝子の探索

研究要旨:発癌リスク感受性遺伝子であるMICAのプロモータ領域の解析の結果、SP1の結合に影響を与える機能的SNPを同定した。このSNPのGアレル特異的に転写因子SP1が結合し、遺伝子の発現を活性化することが明らかとなった。またこの遺伝子多型と血中MICA濃度が有意な関連を示した。これらの結果より、MICAが肝癌の感受性領域の責任遺伝子であることが示された。これまでに、HBV陽性肝癌約200例、慢性B型肝炎約2000例のゲノムワイドのタイピングが終了した。これらの結果を元に、新規のHBV陽性肝癌の感受性遺伝子の探索を進めている。

A. 研究目的

MICA 多型及び分泌型 MICA の HBV 陽性肝癌の発症リスクや予後に及ぼす影響を検討することによって、B型肝癌における自然免疫の機能解明目指す。

B. 研究方法

ゲノム創薬に向けた取り組みとして、MICA の活性化による肝癌予防法の開発を目指している。そこで実際に MICA が疾患感受性領域の原因遺伝子であるかを検証するために、MICA 遺伝子のプロモーター領域について機能的な SNP の探索を行なった。

また新規の発癌関連遺伝子の同定を目的として、HBV 陽性肝癌症例約 200 例、慢性 B型肝炎症約 2000 例を用いてゲノムワイドのタイピングを進めている。これらの結果を元に、新規の B型肝癌感受性遺伝子のスクリーニングを行う。

(倫理面への配慮)

本解析に用いた症例は全て、インフォームドコンセントを取得済みで、また各医療機関、研究機関の倫理委員会の承認済みである。

C. 研究結果

MICA のプロモーター領域にある 12 の SNP について、網羅的に EMSA を行ったところ、rs2596538 の G アレル特異的に

転写因子が結合することが同定された。イ ンシリコの解析および抗体などを用いた競 合阻害実験によって、SP-1 が結合する可能 性が示された。この結果は、レポーターア ッセイヤ、CHIP assay, SP1 の過剰発現が MICA の遺伝子発現量を増加させることな どから証明された(**参考文献1**)。C型の肝 癌患者では、SP-1 に対して親和性が高い G アレルを持つ人では、血清MICA値が高く、 肝癌の発症リスクが低くなることから、 MICA が肝癌発症に対して予防的に働くこ とが示された。MICA の活性化が肝癌の治 療に有用となりうることが示された。 またこれまで収集を行った肝癌症例の内、 発症原因不明な504例について血中 HBs-Ag 及び抗 HCV 抗体の測定を行った。 その結果、B型肝癌 11 名、C型肝癌 83 名 について発症原因を特定した。これらの結

HBs-Ag 及び抗 HCV 抗体の測定を行った。 その結果、B 型肝癌 11 名、C 型肝癌 83 名 について発症原因を特定した。これらの結 果を元に、HBV 陽性肝癌症例約 200 例、 慢性 B 型肝炎症例約 2000 例を用いた全ゲ ノムタイピングを施行中である。

D. 考察

rs2596542 アレルと sMICA の相関については HCV 陽性肝癌と同様の相関を示しており、HBV 陽性肝癌にいおいても遺伝子多型がMICAの発現制御に重要であることが示された。 GWAS で同定されたrs2596542 は今回アレル特異的なSP1の結

合が示されたrs2596538 と強い連鎖にあることから、rs2596538 が機能的な SNP である事、また MICA の発現量の違いが予後に影響を与えることが示された。

一方、B型肝癌とC型肝癌ではリスクアレルが逆転しているため、MICAの腫瘍発生、腫瘍免疫に対する機能も異なる可能性があるので、今後さらなる機能解析が必要となると考えられる。

また新規の疾患感受性遺伝子の同定が必須 となる。現在我々は症例数を増やした解析 を勧めている。

E. 結論

本解析の結果、MICA 多型が慢性 B 型肝炎 患者の予後因子として有用であることが明 らかとなった。現在新規の疾患感受性遺伝 子の同定及びゲノム創薬に向けた研究を進 めている。

F. 研究発表

1. 論文発表

- 1. Identification of a functional variant in the MICA promoter which regulates MICA expression and increases HCV-related hepatocellular carcinoma risk. Lo PH, Urabe Y, Kumar V, Tanikawa C, Koike K, Kato N, Miki D, Chayama K, Kubo M, Nakamura Y, Matsuda K. PLoS One. 2013 Apr 11;8(4):e61279.
- 2. A genome-wide association study of HCV induced liver cirrhosis in the Japanese population identifies novel susceptibility loci at MHC region.
- Urabe Y, Ochi H, Kato N, Kumar V, Takahashi A, Muroyama R, Hosono N, Otsuka M, Tateishi R, Lo PH, Tanikawa C, Omata M, Koike K, Miki D, Abe H, Kamatani N, Toyota J, Kumada H, Kubo M, Chayama K, Nakamura Y, Matsuda K. J Hepatol. 2013 May;58(5):875-82.
- 3. Impact of PSCA variation on gastric ulcer susceptibility. Tanikawa C, Matsuo K, Kubo M, Takahashi A, Ito H, Tanaka H, Yatabe Y, Yamao K, Kamatani N, Tajima K, Nakamura Y, Matsuda K. PLoS One. 2013 May 21;8(5):e63698.

- 4. Germline variants and advanced colorectal adenomas: adenoma prevention with celecoxib trial genome-wide association study. Wang J, Carvajal-Carmona LG, Chu JH, Zauber AG; APC Trial Collaborators, Kubo M, Matsuda K, Dunlop M, Houlston RS, Sieber O, Lipton L, Gibbs P, Martin NG, Montgomery GW, Young J, Baird PN, Ratain MJ, Nakamura Y, Weiss ST, Tomlinson I, Bert gnolli MM. Clin Cancer Res. 2013 Dec 1;19(23):6430-7.
- 5. Genome-wide association study identifies a new SMAD7 risk variant associated with colorectal cancer risk in East Asians. Zhang B, Jia WH, Matsuo K, Shin A, Xiang YB, Matsuda K, Jee SH, Kim DH, Cheah PY, Ren Z, Cai Q, Long J, Shi J, Wen W, Yang G, Ji BT, Pan ZZ, Matsuda F, Gao YT, Oh JH, Ahn YO, Kubo M, Thean LF, Park EJ, Li HL, Park JW, Jo J, Jeong JY, Hosono S, Nakamura Y, Shu XO, Zeng YX, Zheng W. Int J 2014 21. Cancer. Jan doi: 10.1002/ijc.28733.

2. 学会発表

- 1. 発癌関連遺伝子解析 10 年のあゆみ バイオバンクシンポジウム 2013.1.28 品川、東京 (Invited speaker).
- 2. GWAS revealed the roles of gene-environmental interaction in carcinogenesis. JCA -AACR joint symposium. 2013.2.25 Maui, Hawaii, U.S.A. (Invited speaker).
- 3. 遺伝子、生活習慣と癌について 平成 25 年 3 月 9 日 第 15 回泌尿器疾患ゲノム 解析研究会 高知 (Invited speaker).
- 4. MICA variation and soluble MICA are possible prognostic biomarkers for HBV-induced hepatocellular carcinoma 102th AACR meeting 2nd Apr 2012
- 5. 個別化医療へ向けた遺伝子多型研究 第 13 回 東京大学生命科学シンポジウム 2013.6.8 (Invited speaker).
- 6. The roles of gene-environmental interaction in human carcinogenesis. 日本癌学会シンポジウム 2013.10.2. 横浜

- 7. 「聞いて納得!遺 伝子と病気の関係 ~ がん・糖尿病・アレルギーなど~」 市民公開講座 ひとりひとりに合った医療 2. 実用新案登録 なし をめざして」 2013.12.8. 盛岡(Invited speaker).
- G. 知的所得権の出願・登録状況
 - 1. 特許取得 なし
 - 3. その他