

目 次

I . 総括研究報告

- 次世代シーケンシング・ゲノムワイド関連解析を用いた C 型肝炎治療に伴う
肝病態進展軽快、肝発癌に関わる宿主因子の解析 ----- 1
坂本直哉

II . 分担研究報告

- 1 . 全ゲノム配列解析による肝がんリスク因子探索 ----- 6
今西 規
- 2 . HCVタンパク質NS5Aの分子動力学的手法による
構造・機能解析 ----- 9
遠藤俊徳
- 3 . 宿主DNAの高速シーケンス解析 ----- 11
杉山真也
- 4 . C型肝炎を発生母地とする HCC 肝切除後の再発に関わる次世代
シーケンシング・ゲノムワイド関連解析を用いた宿主因子の解析 --- 14
武富紹信
- 5 . ウィルス感染が肝細胞癌がん幹細胞に与える影響 ----- 17
夏井坂光輝
- 6 . C型慢性肝炎における免疫遺伝子多型とNK細胞解析 ----- 19
巽 智秀

7 . C 型慢性肝炎の病態進展に対する MICA、DEPDC5、IL28B 遺伝子 多型の意義の検討 -----	23
前川伸哉	
8 . 次世代シーケンサーを用いた肝細胞癌の病態に関連する 遺伝子変異の解析 -----	26
朝比奈靖浩	
9 . Yamagata Study(住民検診基盤でのコホート研究)を用いた 病変進展・肝発癌の分子機構の解析 -----	32
上野義之	
10 . Peg-IFN + RBV + TVR 三剤療法治療とコレステロール代謝 に関する研究 -----	37
中牟田誠	
11 . エクソームシーケンシングによる肝癌由来細胞株の鉄代謝 関連遺伝子の網羅的変異解析 鉄負荷マウスにおける肝組織糖・脂質代謝変化に関する トラスクリプトーム解析 -----	40
高後 裕	
12 . 酸化ストレスによる肝発癌に関わるゲノム情報の解析 -----	50
宮西浩嗣	
III . 研究成果の刊行に関する一覧表 -----	53
IV . 研究成果の刊行物・別刷 -----	65