

目 次

I 総括研究報告	
ヒトがんにおけるエピジェネティックな異常の 解明と応用に関する研究 1
牛島俊和 国立がん研究センター研究所エピゲノム解析分野	
II 分担研究報告	
1. DNAメチル化異常のゲノム網羅的な解析と リスク診断・性質診断への応用 12
牛島俊和 国立がん研究センター研究所エピゲノム解析分野	
2. 諸臓器の前がん状態ならびにがんの臨床病理学的特性の 基盤となるDNAメチル化異常の網羅的解析 17
金井弥栄 国立がん研究センター研究所分子病理分野	
3. DNAメチル化の分子機構の解析およびがんにおいて 不活化される新規遺伝子の同定 22
鈴木 拓 札幌医科大学分子生物学講座	
4. 胃癌におけるエピジェネティック異常に基づいた 高精度がん化予測診断 25
伊東文生 聖マリアンナ医科大学消化器・肝臓内科	
5. がん細胞におけるDNAメチル化異常の起源解明 27
山田泰広 京都大学iPS細胞研究所	
III 研究成果の刊行に関する一覧表 30