

に保護され慎重に取り扱われるべきものと認識し、「JCOG プライバシーポリシー」を定め、万全な管理対策を講じ、プライバシー保護に努める。詳細については、JCOG ホームページ(<http://www.JCOG.jp/>)参照。

なお、本研究では、患者識別として JCOG0911 の患者登録番号と患者イニシャルのみを使用する。よって、匿名化の作業は行わないものの、個人の特定は出来ず、試料提供者に対する個人情報が流出する危険や不利益は極めて少ない。

7.3.1. JCOG が従うポリシー、法令、規範

JCOG は JCOG 研究を行うにあたり原則として、「JCOG プライバシーポリシー」、その他、以下の法令、規範に従う。下記以外の法令、規範、ポリシーが適応となる場合は、加えて従うこととする。

- ・個人情報の保護に関する法律(平成 15 年 5 月 30 日法律第 57 号、最終改正:平成 15 年 7 月 16 日法律第 119 号)
- ・ヘルシンキ宣言(日本医師会訳)
- ・疫学研究に関する倫理指針(平成 14 年 6 月 17 日制定、平成 16 年 12 月 28 日全部改正、平成 17 年 6 月 29 日一部改正、平成 19 年 8 月 16 日全部改正、平成 20 年 12 月 1 日一部改正)

7.3.2. 患者情報の開示等に対する対応

患者本人より JCOG が保有するプライバシーに関する情報の開示などを求められた場合の対応者は、原則として当該患者の医療機関の研究者(施設研究責任者、施設コーディネーター、担当医)とする。

7.3.3. 一般的な問い合わせおよび苦情の受付

プライバシーポリシーに関する一般的な問い合わせや苦情は、下記にて、郵便、電子メール、FAX のいずれかの方法で受け付ける。

問い合わせ窓口: JCOG データセンター プライバシー保護担当

郵送先 :〒104-0045 東京都中央区築地 5-1-1 国立がん研究センター

E-mail :JCOG_privacy@ml.JCOG.jp

FAX :03-3542-3374

7.3.4. プロトコールの遵守

本研究に参加する研究者は、患者の安全と人権を損なわない限り、本プロトコールを遵守する。

7.3.5. 検体・試料の保存、破棄

余剰検体は、JCOG0911 患者登録番号、イニシャルなども削除し全ての試料を破棄する。

7.4. 医療機関の倫理審査委員会の承認

7.4.1. 研究参加開始時の承認

本附隨研究への参加に際しては、本プロトコールおよび患者への説明文書を用いて研究を実施することが、各医療機関の承認を得なければならない。

承認が得られた場合、各医療機関の施設コーディネーターは各医療機関の承認文書のコピーを試料解析研究事務局へ送付する(郵送または FAX: 052-744-2361)。承認文書原本は施設コーディネーターが保管、コピーは試料解析研究事務局が保管する。

なお、患者への説明文書は、臨床研究についての諸要件から逸脱しない範囲において医療機関毎に改変を加えたものを当該医療機関の承認を得て用いることができるが、プロトコールについては医療機関毎の内容変更は許容されない。全施設共通のプロトコールを用いる。内容の変更が必要な場合は、全施設で用いるプロトコールとして改正もしくは改訂を行うため、医療機関からプロトコール本文の修正依頼があった場合は、施設コーディネーターは試料解析研究事務局に相談すること。説明文書を医療機関の指示等により改変した場合は、改変した説明文書を試料解析研究事務局に送付する。試料解析研究代表者/試料解析研究事務局は、施設での改変(削除や内容変更)が不適切と判断した場合、施設研究責任者/施設コーディネーターを通じて医療機関に再検討を依頼することができる。

7.4.2. 各医療機関の承認の年次更新

各医療機関における、本プロトコールおよび患者説明文書に対する審査承認の年次更新の要否については各医療機関の規定に従う。審査承認の年次更新が行われた場合であっても、JCOG としては各医療機関の

年次更新承認書の提出は求めない。

7.5. JCOG 研究に関わる者の利益相反(COI)の管理について

JCOG の研究に関わる研究者や JCOG 研究を支援する者の COI は以下のように管理する。

- 1) 施設研究責任者や施設コーディネーターなど参加施設での診療において JCOG 研究に関わる者の COI については、参加施設の医療機関の規定に従う。
- 2) 研究代表者や研究事務局、グループ代表者やグループ事務局など、JCOG 研究に中心的な役割をもつて関わる者の COI については、JCOG 利益相反委員会が管理する。この他、JCOG の効果・安全性評価委員会などの委員や、個々の JCOG 研究に関わる JCOG データセンター/運営事務局スタッフの COI についても同様に管理する。

8. 研究資金

- 厚生労働科学研究費補助金 がん臨床研究事業(H20-がん臨床-一般-019)
「悪性神経膠腫に対するTemozolomide の治療効果を増強した標準的治療確立に関する研究」班
- 国立がん研究センターがん研究開発費指定研究 20 指-4
「希少悪性腫瘍に対する標準的治療確立のための多施設共同研究」班

9. 予定検体数と研究期間

JCOG0911 の予定登録数が 120 例であることから、本附随研究の登録数は 80-120 例と見込んでいる。いずれかの参加施設において初めて IRB の承認が得られた日をもって研究開始日とし、順次、承認が得られた参加施設からの試料の収集を行う。本体研究(JCOG0911)は 2010 年 4 月より登録が開始され、予定登録期間は 1.5 年、追跡期間は 2 年の総研究期間が 3.5 年の研究である。本附隨研究は JCOG0911 の生存期間を用いるため、本附隨研究の研究期間は本体研究(JCOG0911)の総研究期間を考慮して 5 年間とする。

10. 研究組織

10.1. グループ代表者

渋井壮一郎

国立がん研究センター中央病院脳神経外科
〒104-0045 東京都中央区築地 5-1-1
TEL: 03-3542-2511(代表)
FAX: 03-3545-3567
E-mail: sshibui@ncc.go.jp

10.2. 研究代表者

若林俊彦

名古屋大学大学院医学系研究科 脳神経外科
〒466-8550 愛知県名古屋市昭和区鶴舞町 65
TEL: 052-744-2355 (ダイアルイン)
FAX: 052-744-2361
E-mail: wakabat@med.nagoya-u.ac.jp

10.3. 試料解析研究事務局

夏目敦至

名古屋大学大学院医学系研究科 脳神経外科
〒466-8550 愛知県名古屋市昭和区鶴舞町 65
TEL: 052-744-2355 (ダイアルイン)
FAX: 052-744-2361
E-mail: anatsume@med.nagoya-u.ac.jp

成田善孝

国立がん研究センター中央病院 脳神経外科

〒104-0045 東京都中央区築地 5-1-1
 TEL:03-3542-2511(代表)
 FAX:03-3545-3567
 E-mail:yonarita@ncc.go.jp

10.4. 試料解析実施施設及び責任者

夏目敦至
 名古屋大学大学院医学系研究科脳神経外科
 〒466-8550 愛知県名古屋市昭和区鶴舞町 65
 TEL:052-744-2355 (ダイアルイン)
 FAX:052-744-2361
 E-mail:anatsume@med.nagoya-u.ac.jp

渡邊麗子
 静岡県立静岡がんセンター病理診断科
 〒411-8777 静岡県駿東郡長泉町下長窪 1007
 TEL:055-989-5222
 FAX:055-989-5714
 E-mail:r.watanabe@scchr.jp

東央晋
 株式会社ファルコバイオシステムズ
 〒604-0911 京都市中京区河原町通二条上る清水町 346
 TEL:075-257-8541
 FAX:075-257-8544
 E-mail:h-higashi@mail.falco.co.jp

小川誠司
 東京大学医学部附属病院 Cancer board 研究室
 〒108-8639 東京都港区白金台 4-6-1
 TEL: 03-5449-5331
 FAX: 03-5449-5451
 E-mail: todaiips@ims.u-tokyo.ac.jp

10.5. 参加施設

JCOG0911「初発膠芽腫に対するインターフェロン- β + テモゾロミド併用化学放射線療法のランダム化第Ⅱ相試験」の参加施設のうち、試料の外部提供に関する IRB の承認が得られた施設。

10.6. 統計解析責任者

JCOG データセンター

福田治彦

柴田大朗

水澤純基

試料解析研究事務局

夏目敦至

竹内一郎

11. 委託研究契約

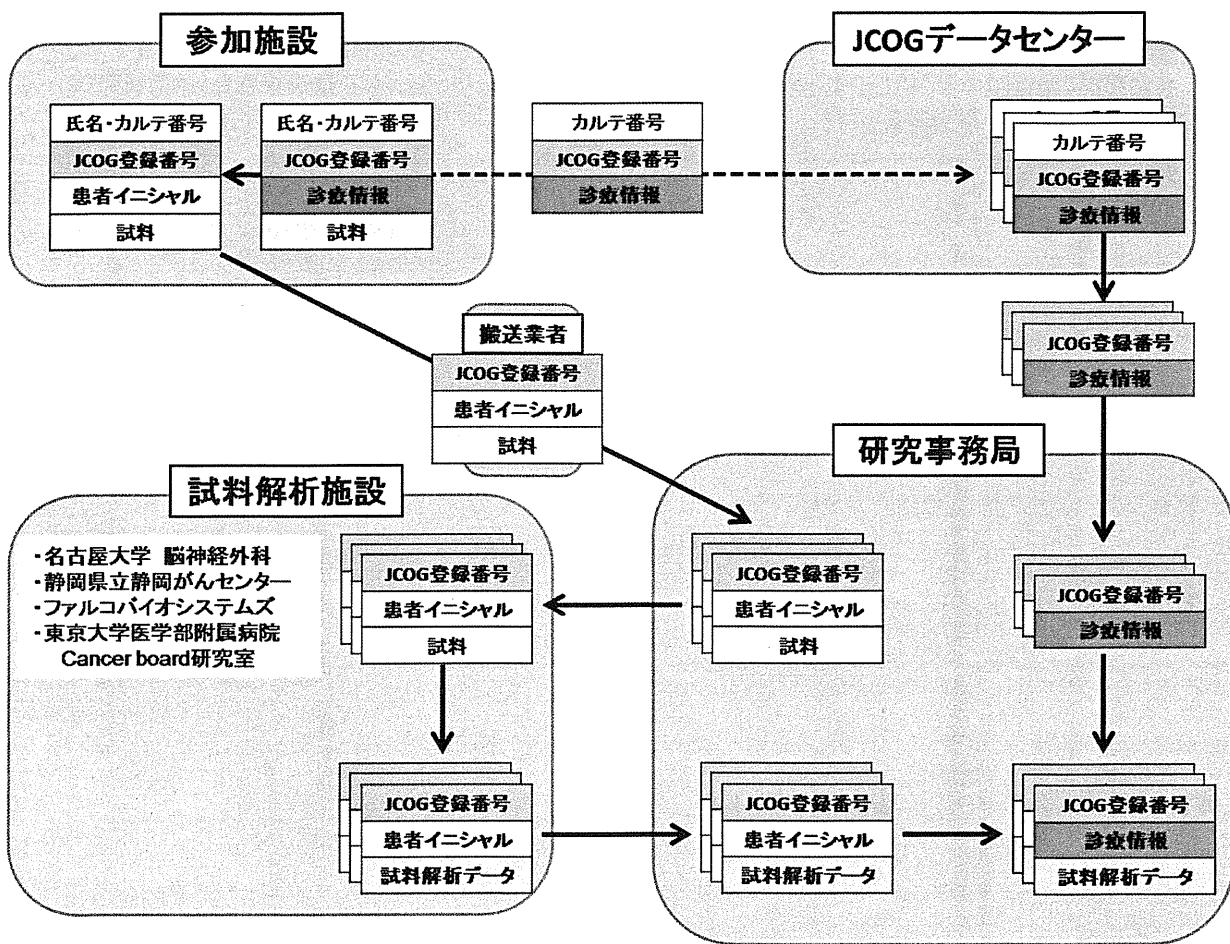
本研究における、Multiplex Ligation-dependent Probe Amplification (MLPA)法に関しては、国立がん研究センターの共同研究に関する規定に従い、株式会社ファルコバイオシステムズと委託研究契約を締結した上で実施する予定である。なお、本研究に要する費用は全て、8.研究資金に記載した通り、厚生労働科学研究費補助金 がん臨床研究事業(H20-がん臨床-一般-019)「悪性神経膠腫に対するTemozolomide の治療効果を増強した標準治療確

立に関する研究」班、および、独立行政法人国立がん研究センターがん研究開発費指定研究 20 指-4「希少悪性腫瘍に対する標準治療確立のための多施設共同研究」班より支出される。

12. 研究結果の公表

共同研究者と協議の上、報告をまとめ公表する。試料解析研究代表者、試料解析研究事務局、共同研究者が共同して論文を作成し、学会発表を行う。

13. 附図:試料の流れ



14. 参考文献

1. Hirose Y, Sano H. [Molecular pharmacology on DNA methylating agent temozolomide]. No Shinkei Geka 2007;35(2):117-129.
2. Ludlum DB. DNA alkylation by the haloethylnitrosoureas: nature of modifications produced and their enzymatic repair or removal. Mutat Res 1990;233(1-2):117-126.
3. Pegg AE, Dolan ME, Moschel RC. Structure, function, and inhibition of O6-alkylguanine-DNA alkyltransferase. Prog Nucleic Acid Res Mol Biol 1995;51:167-223.
4. Jaeckle KA, Eyre HJ, Townsend JJ, Schulman S, Knudson HM, Belanich M, et al. Correlation of tumor O6 methylguanine-DNA methyltransferase levels with survival of malignant astrocytoma patients treated with bis-chloroethylnitrosourea: a Southwest Oncology Group study. J Clin Oncol 1998;16(10):3310-3315.
5. Mineura K, Yanagisawa T, Watanabe K, Kowada M, Yasui N. Human brain tumor O(6)-methylguanine-DNA methyltransferase mRNA and its significance as an indicator of selective chloroethylnitrosourea chemotherapy. Int J Cancer 1996;69(5):420-425.
6. Belanich M, Pastor M, Randall T, Guerra D, Kibitel J, Alas L, et al. Retrospective study of the correlation between the DNA repair protein alkyltransferase and survival of brain tumor patients treated with carmustine. Cancer Res 1996;56(4):783-788.
7. Natsume A, Ishii D, Wakabayashi T, Tsuno T, Hatano H, Mizuno M, et al. IFN-β down-regulates the expression of DNA repair gene MGMT and sensitizes resistant glioma cells to temozolomide. Cancer Res 2005;65(17):7573-7579.
8. Esteller M, Garcia-Foncillas J, Andion E, Goodman SN, Hidalgo OF, Vanaclocha V, et al. Inactivation of the

- DNA-repair gene MGMT and the clinical response of gliomas to alkylating agents. *N Engl J Med* 2000;343(19):1350–1354.
9. Natsume A, Wakabayashi T, Ishii D, Maruta H, Fujii M, Shimato S, et al. A combination of IFN-β and temozolamide in human glioma xenograft models: implication of p53-mediated MGMT downregulation. *Cancer Chemother Pharmacol* 2008;61(4):653–659.
 10. Bello MJ, Alonso ME, Aminoso C, Anselmo NP, Arjona D, Gonzalez-Gomez P, et al. Hypermethylation of the DNA repair gene MGMT: association with TP53 G:C to A:T transitions in a series of 469 nervous system tumors. *Mutat Res* 2004;554(1–2):23–32.
 11. Kamiryo T, Tada K, Shiraishi S, Shinojima N, Kochi M, Ushio Y. Correlation between promoter hypermethylation of the O6-methylguanine-deoxyribonucleic acid methyltransferase gene and prognosis in patients with high-grade astrocytic tumors treated with surgery, radiotherapy, and 1-(4-amino-2-methyl-5-pyrimidinyl)methyl-3-(2-chloroethyl)-3-nitrosourea-based chemotherapy. *Neurosurgery* 2004;54(2):349–357; discussion 357.
 12. Nakamura M, Watanabe T, Yonekawa Y, Kleihues P, Ohgaki H. Promoter methylation of the DNA repair gene MGMT in astrocytomas is frequently associated with G:C → A:T mutations of the TP53 tumor suppressor gene. *Carcinogenesis* 2001;22(10):1715–1719.
 13. Hegi ME, Diserens AC, Gorlia T, Hamou MF, de Tribolet N, Weller M, et al. MGMT gene silencing and benefit from temozolamide in glioblastoma. *N Engl J Med* 2005;352(10):997–1003.
 14. von Deimling A, Bender B, Jahnke R, Waha A, Kraus J, Albrecht S, et al. Loci associated with malignant progression in astrocytomas: a candidate on chromosome 19q. *Cancer Res* 1994;54(6):1397–1401.
 15. von Deimling A, Nagel J, Bender B, Lenartz D, Schramm J, Louis DN, et al. Deletion mapping of chromosome 19 in human gliomas. *Int J Cancer* 1994;57(5):676–680.
 16. Nakamura M, Yang F, Fujisawa H, Yonekawa Y, Kleihues P, Ohgaki H. Loss of heterozygosity on chromosome 19 in secondary glioblastomas. *J Neuropathol Exp Neurol* 2000;59(6):539–543.
 17. Cairncross JG, Macdonald DR. Successful chemotherapy for recurrent malignant oligodendrogloma. *Ann Neurol* 1988;23(4):360–364.
 18. Cairncross G, Berkey B, Shaw E, Jenkins R, Scheithauer B, Brachman D, et al. Phase III trial of chemotherapy plus radiotherapy compared with radiotherapy alone for pure and mixed anaplastic oligodendrogloma: Intergroup Radiation Therapy Oncology Group Trial 9402. *J Clin Oncol* 2006;24(18):2707–2714.
 19. van den Bent MJ, Carpentier AF, Brandes AA, Sanson M, Taphoorn MJ, Bernsen HJ, et al. Adjuvant procarbazine, lomustine, and vincristine improves progression-free survival but not overall survival in newly diagnosed anaplastic oligodendroglomas and oligoastrocytomas: a randomized European Organisation for Research and Treatment of Cancer phase III trial. *J Clin Oncol* 2006;24(18):2715–2722.
 20. Kouwenhoven MC, Kros JM, French PJ, Biemond-ter Stege EM, Graveland WJ, Taphoorn MJ, et al. 1p/19q loss within oligodendrogloma is predictive for response to first line temozolamide but not to salvage treatment. *Eur J Cancer* 2006;42(15):2499–2503.
 21. Schmidt MC, Antweiler S, Urban N, Mueller W, Kuklik A, Meyer-Puttlitz B, et al. Impact of genotype and morphology on the prognosis of glioblastoma. *J Neuropathol Exp Neurol* 2002;61(4):321–328.
 22. Ichimura K, Schmidt EE, Miyakawa A, Goike HM, Collins VP. Distinct patterns of deletion on 10p and 10q suggest involvement of multiple tumor suppressor genes in the development of astrocytic gliomas of different malignancy grades. *Genes Chromosomes Cancer* 1998;22(1):9–15.
 23. Karlstrom AE, James CD, Boethius J, Cavenee WK, Collins VP, Nordenskjold M, et al. Loss of heterozygosity in malignant gliomas involves at least three distinct regions on chromosome 10. *Hum Genet* 1993;92(2):169–174.
 24. Rasheed BK, McLendon RE, Friedman HS, Friedman AH, Fuchs HE, Bigner DD, et al. Chromosome 10 deletion mapping in human gliomas: a common deletion region in 10q25. *Oncogene* 1995;10(11):2243–2246.
 25. Ohgaki H, Dessen P, Jourde B, Horstmann S, Nishikawa T, Di Patre PL, et al. Genetic pathways to glioblastoma: a population-based study. *Cancer Res* 2004;64(19):6892–6899.
 26. Li J, Yen C, Liaw D, Podsypanina K, Bose S, Wang SI, et al. PTEN, a putative protein tyrosine phosphatase gene mutated in human brain, breast, and prostate cancer. *Science* 1997;275(5308):1943–1947.
 27. Tohma Y, Gratas C, Biernat W, Peraud A, Fukuda M, Yonekawa Y, et al. PTEN (MMAC1) mutations are frequent

- in primary glioblastomas (de novo) but not in secondary glioblastomas. *J Neuropathol Exp Neurol* 1998;57(7):684–689.
28. Bredel M, Pollack IF, Hamilton RL, James CD. Epidermal growth factor receptor expression and gene amplification in high-grade non-brainstem gliomas of childhood. *Clin Cancer Res* 1999;5(7):1786–1792.
29. el-Deiry WS, Tokino T, Velculescu VE, Levy DB, Parsons R, Trent JM, et al. WAF1, a potential mediator of p53 tumor suppression. *Cell* 1993;75(4):817–825.
30. Watanabe K, Tachibana O, Sata K, Yonekawa Y, Kleihues P, Ohgaki H. Overexpression of the EGF receptor and p53 mutations are mutually exclusive in the evolution of primary and secondary glioblastomas. *Brain Pathol* 1996;6(3):217–223; discussion 223–214.
31. Serrano M. The tumor suppressor protein p16INK4a. *Exp Cell Res* 1997;237(1):7–13.
32. Carnero A, Hannon GJ. The INK4 family of CDK inhibitors. *Curr Top Microbiol Immunol* 1998;227:43–55.
33. Yan H, Parsons DW, Jin G, McLendon R, Rasheed BA, Yuan W, et al: IDH1 and IDH2 mutations in gliomas. *N Engl J Med* 360:765–773, 2009
34. Dang L, White DW, Gross S, Bennett BD, Bittinger MA, Driggers EM, et al: Cancer-associated IDH1 mutations produce 2-hydroxyglutarate. *Nature* 462:739–744, 2009
35. Sanada M, Ogawa S et al. Gain-of-function of mutated C-CBL tumour suppressor in myeloid neoplasms. *Nature*. 2009 Aug 13;460(7257):904–8.
36. Kato M, Ogawa S et al. Frequent inactivation of A20 in B-cell lymphomas. *Nature*. 2009 Jun 4;459(7247):712–6.
37. Kawamata N, Ogawa S, Koeffler HP et al. Cloning of genes involved in chromosomal translocations by high-resolution single nucleotide polymorphism genomic microarray. *Proc Natl Acad Sci U S A*. 2008 Aug 19;105(33):11921–6.

説明文書・同意書

「JCOG0911: 初発膠芽腫に対するインターフェロン- β + テモゾロミド併用化学放射線療法のランダム化第Ⅱ相試験」の附隨研究

**化学療法、放射線療法を施行した膠芽腫例における効果予測因子
および予後因子に関する研究について**

JCOG 脳腫瘍グループ

1. はじめに

この説明文書は、臨床試験JCOG0911「初発膠芽腫に対するインターフェロン- β + テモゾロミド併用化学放射線療法のランダム化第II相試験」(以下、JCOG0911 試験)への参加に同意いただ

いた患者さんを対象に、この臨床試験の附隨研究として計画した、治療効果に関する遺伝子

異常を調べる研究について説明したものです。この説明文書は、この研究に参加するかどうかを

決める際に、担当医による説明を補い、あなたの理解を助けるために用意されています。ご家族と一緒にお読みいただきてもかまいません。担当医の話やこの説明文書の内容で分からぬことや疑問点などがありましたら、担当医に遠慮なくお尋ねください。

2. 遺伝子とは

「遺伝」とは「親の体質が子に伝わること」です。「体質」には、顔かたちや体つきなどのほかに、病気のかかりやすさなどが含まれます。人の体の状態は、遺伝だけではなく、環境によっても左右されますが、遺伝は人の体を形成するという最も基本的で重要な役割を果たしています。「遺伝」に「子」という字が付いて「遺伝子」となると、「遺伝を決定する小単位」という科学的な言葉になります。

遺伝子の正体は「D N A (デオキシリボ核酸)」という物質で、A(アデニン)、T(チミン)、G(グアニン)、

C(シトシン)という 4 種類の「塩基」がいくつもつながった”鎖”のようなものです。

1 つの細胞の中には数万種類の遺伝子が入っています。人の体は約60兆個の細胞から成り立っていて、1 つ 1 つの細胞の中には役割の違う多数の遺伝子のセットが含まれています。受精した 1 つの細胞は、分裂を繰り返して増えますが、この細胞の中にあるそれぞれの遺伝子に従って「こ

「これは目の細胞」、「これは腸の細胞」などと分化しながら、最終的には約60兆個まで増えて人の体を形作ります。つまり、「体の設計図」の役割を果たしているのが遺伝子です。遺伝子の働きによって60兆個の細胞はそれぞれ特別な機能をもった細胞として存在しているのです。

3. 遺伝子と疾病

このように、遺伝子は私たちの体を形作るために非常に大切な役割をもつ一方で、さまざまな病気の原因にもなります。私たちの体は、非常に精巧なプログラムで制御されていて、必要なタンパク質が必要な場所で必要な時間に必要な量だけ作られることで、健康な体を維持しています。しかし、遺伝子に異常が起こるとこの調節機構がうまく働かなくなり、必要なタンパク質が不足したり逆に増えすぎたりします。その結果、体の中の物質にアンバランスが生じて、病気を引き起こすことがあります。

また、体を構成する組織の細胞で遺伝子の異常が起きると、異常を起こした細胞を中心に病気が発生することがあります。これを体細胞変異といいますが、「がん」はその代表的な病気です。

ただし、発病には喫煙や飲酒といった生活習慣などの環境素因も強く影響します。一方、特定の遺伝子に生まれつき異常がある場合を生殖細胞変異といいます。その異常が子や孫へと伝わって病気が発生することがあり、がんの中にもまれですが、遺伝性のがんが存在します。

これまで遺伝子の異常によって引き起こされる病気について説明しましたが、この他にも、顔かたちや体つきが人それぞれ異なるといった「個性」にも遺伝子が関係しています。これは顔や体を設計する遺伝子は人それぞれ生まれつきの違いをもっているために生じるもので、この違いを「遺伝子多型(いでんしたけい; ポリモルフィズム)」と呼んでいます。「個性」の中には太りやすい、

病気になりやすいなどの生まれながらに備わっている体質(遺伝素因)も含まれ、これらも生まれ

つきの遺伝子の違い(DNA 内の塩基配列の個体差)すなわち「遺伝子多型」に基づくもので、遺伝

する可能性があります。

がんはそのような人が生まれながらにもっている体質(遺伝素因)と生活習慣などの影響(環境

素因)が絡み合い、その結果生じた遺伝子の異常が複雑に影響して生じるとも考えられています。

また、がんの治療に使う抗がん剤などの薬の効き具合、あるいは副作用の出やすさや強さにも、1 人 1 人の遺伝子の違い、すなわち「遺伝子多型」が関わっている可能性が最近になって少しずつ明らかになってきました。

4. 遺伝子解析研究へのご協力について

この研究では、あなたの血液、手術によって取り出された腫瘍あるいは組織を使って、遺伝子の解析を行い、どのような特徴があるのか、あなたのご病気や治療効果との関係を調べます。これにより、腫瘍それぞれの原因の解明、ひいては新しい治療法の開発につなげることが目的です。

この研究に参加することによって、あなたが得られる個人的な利益はないと考えられます。しかし、遺伝子解析研究にご賛同いただければ、将来あなたと同じ脳腫瘍の患者さんに対する治療の進歩やこれから的新しいよりよい医療の開発に役立つ多くの知見が得られることを私たちは期待しています。このため、採血した血液や、手術の時に切除し保存されている病気の組織(腫瘍、他の組織、血液)を診療記録とともにこの研究に利用させて頂きたいのです。血液の採取は通常の検査の採血と同じですので特に危険を伴うものではありません。また、手術で切除された腫瘍組織は病気の程度や性質を診断するために利用されますが、その検査で不要となった部分を研究に利用します。遺伝子解析の研究では脳腫瘍の治療成績を左右すると考えられている

エムジーエムティー M G M T と呼ばれる蛋白質や種々の遺伝子発現の有無及びその量を詳しく調べます。それら全

ての結果を集約し、新しい治療法や診断技術の開発につなげたいと考えています。尚、これらの研究は手術で切除され保存されている病気の組織や、血液を用いて研究を行いますので、新たな危険を伴うことはありません。

なお、この研究は、ヒトの精子や卵子などの生殖細胞の異常や役割を調べるものではありませんので、人が生まれながらにもっている体質(遺伝素因)などは分かりません。

研究の目的や方法を含め、あなたに同意していただくための手続きについて次章以降で詳しく説明します。あなたがこの説明をよく理解され、この研究に協力しても良いと思われた場合には、「同意書」にご署名ください。

5. 研究協力の任意性と撤回の自由

この研究への参加は強制ではありません。この研究に協力するかどうかは、あなたの自由意志でお決めください。また、参加に同意しない場合でも、あなたの不利益になるようなことはありません。もちろん、本研究に参加せず JCOG0911 試験にだけ参加していただくことも可能です。

また、いったん同意した場合でも、いつでも同意を取り消すことができ、その場合には提供していただいた血液や遺伝子を調べた結果は廃棄され、診療情報などもそれ以後はこの研究で使われることはありません。この場合にも、あなたの不利益になるようなことはありません。

同意を撤回する場合には、文書(同意撤回書)で担当医までお知らせください。

6. 研究の意義、目的と方法

(1) 研究の目的と意義

この研究には、大きく分けて3つの目的があります。

1つは、この膠芽腫という病気は、腫瘍組織の中で M G M T ^{エムジーエムティー} と言われる遺伝子がメチル化という

修飾 ^{しゅうしょく} がされている場合、治療が効き、生存期間が延長すると報告されています。ただしその

MGMT の測定方法にはいくつかあり、どの方法が最もよいか現在のところ分かっていません。よ

って、今回の研究では、手術の時に得られた病理標本 ^{びょううりひょうほん} を M G M T の抗体で染めてその染まり方

を調べるという免疫染色法や、MGMT 遺伝子のメチル化の状態を調べる M S P 法、パイロシー

クエンス法という方法を行って、将来の膠芽腫の患者さんの生存期間を予測するためにはどの

測定法が最も良いかを調べることが第一の目的です。

2つ目は、JCOG0911 試験に参加する、インターフェロン β とテモゾロミドの併用療法を受けた患者さんの中で、腫瘍組織の M G M T のメチル化の無い患者さんにも治療効果があるのかどうかを調べることです。現時点では、インターフェロン β が本当に有効かどうかは分かっていませんが、もしインターフェロン β の治療も行うことで M G M T のメチル化が無い患者さんにも治療効果があれば、今後テモゾロミドにインターフェロン β の治療を加える治療が期待できるということになります。

3つ目は、膠芽腫の腫瘍細胞の遺伝子レベルでの特徴を詳しく調べることによって、今後の膠芽腫の患者さんのための新しい治療法につながる遺伝子の特徴を見つけるという目的です。もし新しい遺伝子異常などが見つかれば、新しい治療法が見つかったり、より安全な治療の計画を立てたり、また副作用の対処を予め準備しておくことができるようになると考えています。

この研究は JCOG0911 試験への参加に同意いただいた患者さんを対象に参加をお願いしており、全体で 80-120 人の参加を予定しています。

(2) 研究の方法

今回あなたが受けられる手術によって取り出された、腫瘍あるいは組織の一部をいただきます。

腫瘍からDNAなどを取り出して遺伝子解析を行います。またホルマリンで固められた病理標本を薄く切って作られたスライドを用いて、免疫染色法を行います。

また、あなたから血液を 4mL 採血します。血液から DNA を取り出して遺伝子を調べますが、対象となる遺伝子は、現在すべてが明らかになっているわけではありません。そこで、細胞や組織の多くの遺伝子を調べることになります。さらに、あなたが参加する JCOG0911 試験で得られた診療情報をあわせて使わせていただきます。

なお、ご希望があれば、他の患者さんの個人情報保護やこの研究に支障が生じない範囲内で、この研究の研究実施計画書の内容をご覧いただくことができます。また、遺伝子を調べる方法などに関する資料が必要であればご用意します。

(3) 解析を行う施設

あなたからいただいた腫瘍組織や血液、病理標本は、名古屋大学の脳神経外科教室や静岡県立静岡がんセンターの病理診断科、株式会社ファルコバイオシステムズ、そして東京大学医学部附属病院の Cancer board 研究室で分担して解析を行います。

(4) 研究の期間

この研究は 2010 年 MM 月から 5 年間実施する予定です。

7. あなたにもたらされる利益および不利益

遺伝子解析研究はまだ開発の途上にあり、遺伝子診断自体の精度を向上させたり、遺伝子解析結果の有効性を確かめたりするには、多くの情報をを集め研究を続けていく必要があります。したがって、この研究の結果がただちにあなたに有益な情報をもたらす可能性は少なく、むしろ、今後の医学の発展に寄与するもので、将来、がんの診断や予防・治療などがより効果的に行われるようになる可能性を期待しています。

一方で、まれにこのような遺伝子解析研究により、病気と遺伝子との重要な関係が見つかることがあります。その場合、結果を知ることが有益であると判断された場合に限り、担当医からあなたに説明をお受けになるかどうかお尋ねします。もちろん、あなたにお知らせする前にあなた以外の方にお話しことはありません。

8. 試料の提供の費用について

ここで行われる遺伝子解析研究に必要な費用は、あなたが負担することはありません。また

あなたがこの研究のために腫瘍組織や血液を提供して頂いたことに対して報酬ほうしゅうが支払われる
ことや交通費の支給もありません。

9. 個人情報の保護について

あなたの診療にかんする記録は、当院で保管し、秘密を厳守いたします。またこの遺伝子解析の結果を医学雑誌や学会で報告する場合にも、あなたのプライバシーは守られます。

この研究では、患者識別として、JCOG0911 の患者登録番号および、患者イニシャルのみを使用します。つまり、氏名、生年月日、カルテ番号など、個人が特定できるような、あなたの個人情報が外部に漏れることはできません。このような方法によって、あなたの血液から取り出した遺伝子

の情報と診療情報は、外部の者はもちろん、遺伝子解析を担当する研究者にもあなたのものであると分からなくなります。

10. この研究の倫理審査について

この研究は、当院の倫理審査委員会と JCOG の委員会によって、研究計画の妥当性が評価されています。つまり、この研究に参加する患者さんの権利が守られていることや医学の発展に役立つ情報が得られることなどが検討され、計画が適切であることが認められています。また、この研究を実施する間は JCOG のデータセンター、効果・安全性評価委員会、試料解析研究委員会が、患者さんの安全が確保され、プライバシーが守られているかどうかを監視することになります。

11. 研究成果の公表

この研究の成果は、あなたやあなたのご家族を特定できるような氏名などの情報を排除した上で、かならず匿名化された上で、学会発表や学術雑誌および Web 上に公開されたデータベースなどで公に発表されることがあります。この研究は多くの方々のご協力が必要ですので、すぐにあなたにとって有益な情報が発見されるといった可能性はほとんどありません。また、この研究に参加してくださった患者さん全員の遺伝子の情報をあわせて統計学的に解析することによって、はじめて意味のある結果が得られることになります。したがって、原則として遺伝子を解析した結果をお知らせすることはありません。このような研究の成果は将来の医学の発展に貢献するものであることをご理解ください。

ただし、ご希望があれば遺伝子を解析した結果をお知らせします。この場合、あなたの情報を

抽出する作業が必要となりますので、お知らせまでにお時間がかかったり、開示の内容によっては実費が発生する場合があります。詳細は、担当医までお問い合わせください。

なお、研究の進み具合やこの研究の成果については、あなたの求めに応じ、担当医からご説明します。

12. 研究から生じる知的財産権の帰属

遺伝子解析研究の結果として特許権などが生じる可能性がありますが、その際、その権利は国、

研究機関、民間企業を含む共同研究機関および研究遂行者などに属し、あなたに特許権などは

生じません。また、この特許権などをもととして経済的利益が生じる可能性もありますが、あなたはこれについても権利がありません。これは、遺伝子の働きを調べ、治療・診断法を開発することがとても難しく、これらを開発するためにはあなたを含めた多くの方々の遺伝子解析結果に加え、他の研究成果や多くの技術の介入が必要とされるためです。

13. この研究が終了した後の検体の取扱いの方針

あなたの血液・腫瘍組織は、この研究のためにのみ使わせていただきます。

また、この研究が終了次第、提供していただいたあなたの検体は適切な方法ですみやかにすべて廃棄します。また、同意をいただかずにこの研究以外であなたの診療情報は使うこともありません。

14. この研究の研究資金について

研究費については、厚生労働科学研究費補助金がん臨床事業「悪性神経膠腫に対する

Temozolomide の治療効果を増強した標準治療確立に関する研究」班、独立行政法人国立

がん研究センターがん研究開発費指定研究20 指-4、「希少悪性腫瘍に対する標準治療確

立のための多施設共同研究」班(班研究代表者 渋井壯一郎)の研究費により負担することと

なっています。

15. 遺伝カウンセリングの体制

遺伝子解析研究に関して、不安に思うことがある場合や、相談したいことがある場合に備えて、遺伝カウンセリング部門、または窓口を設置しています。遺伝カウンセリング担当者があなたの相談に応じますので、担当医、同意のための説明担当者、あるいは医事課職員にお申し出ください。

16. どんなことでも質問してください

ご質問があれば遠慮なくお尋ねください。これまでの説明をよくご理解いただいた上で、あなたがこの研究への参加に同意していただける場合には、「同意文書」にご署名の上、担当医までご提出くださいようお願いいたします。

17. 担当医の連絡先、研究代表者、研究事務局

施設 IRB 承認日：[各施設 IRB 承認の日付を記入]

JCOG0911-A1 モデル説明文書同意書 JCOG プロトコール審査委員会承認日：2010 年 10 月 25 日

担当医：

施設研究責任者：

[参加施設の住所、電話番号を記入]

この臨床試験全体の責任者・連絡窓口は以下のとおりです。

研究事務局(臨床試験の実務責任者、連絡窓口)

なつめ あつし
夏目 敦至

名古屋大学大学院医学系研究科脳神経外科

〒466-8550 愛知県名古屋市昭和区鶴舞町 65

Tel: 052-744-2355 (ダイアルイン) Fax: 052-744-2361

Email: anatsume@med.nagoya-u.ac.jp

研究代表者(臨床試験全体の責任者)

わかばやし としひこ
若林 俊彦

名古屋大学大学院医学系研究科脳神経外科

〒466-8550 愛知県名古屋市昭和区鶴舞町 65

Tel: 052-744-2355 (ダイアルイン) Fax: 052-744-2361

Email: wakabat@med.nagoya-u.ac.jp

同 意 書

医療機関名

病院長 殿

研究名：「JCOG0911：初発膠芽腫に対するインターフェロン- β + テモゾロミド併用化学放射線療法のランダム化第 II 相試験」の附随研究： 化学療法、放射線療法を施行した膠芽腫例における効果予測因子および予後因子に関する研究

説明内容：

- この研究が JCOG の臨床試験 (JCOG0911) の附隨研究であること。
- 遺伝子とは
- 遺伝子と疾病
- この研究へのご協力について
- 研究協力の任意性と撤回の自由
- 研究の意義、目的と方法
- 予測される研究結果および提供者等に対して予測される危険や不利益
- 研究計画書の開示
- 試料の提供は無償であること
- 個人情報の保護について
- 研究の倫理審査
- 試料から得られた解析結果は、匿名化された上研究成果として公表
- 研究から生じる知的財産権の帰属
- この研究終了後の検体の取扱いの方針
- 研究資金について
- 遺伝カウンセリングについて
- 研究責任者の氏名と職名
- どんなことでも質問してください
- 担当医師の連絡先、研究代表者、試料解析研究事務局

上記の研究について、私が説明しました。

説明担当者署名：

説明年月日： 年 月 日

上記の研究について、担当医師から説明を受けよく理解しましたので、研究への参加(腫瘍組織、血液、および JCOG0911 試験の診療情報データの提供)に同意します。

患者本人署名：

同意年月日： 年 月 日