

図 7 生菌数と CRS 遺伝子の相関関係

分 担 研 究 報 告 書

ブドウ球菌新型エンテロトキシンの產生動態の解析と
品中での產生量評価および水晶発振子マイクロバランス
法を原理とするエンテロトキシン検出法開発の試み

重茂 克彦

厚生労働科学研究費補助金

食品の安心・安全確保推進研究事業

「食品中の毒素産生食中毒細菌及び毒素の直接試験法の研究」

分担研究報告書

新型ブドウ球菌エンテロトキシンの產生動態の解析と食品中での產生量評価

分担研究者 重茂 克彦 岩手大学農学部獣医学課程

協力研究者 佐藤 明彦 岩手大学農学部
品川 邦汎 岩手大学農学部
実川 友史 (株)アルバック 技術開発部 部長
星野 浩美 (株)アルバック 技術開発部 主事

研究要旨：黄色ブドウ球菌の產生するエンテロトキシン(SEs)は、ヒトをはじめとする靈長類に嘔吐を引き起こす、食中毒の原因毒素である。近年、多数の新型SEsおよびSE様毒素(SEls)の存在が報告され、これらの新型SEsの食中毒原性の解明が必要とされている。本研究では、新型SEls(SEG、SEI、SELM、SEIN、およびSELO)產生量およびmRNA発現動態の培養温度による変動を詳細に解析し、さらに食品中における產生量評価を行った。SEG、SEI、SELM、SEIN、SELO遺伝子を保有する黄色ブドウ球菌をBHI培地に約 0.5×10^7 cfu/mlになるように接種し、20°Cおよび30°Cで48時間培養して経時的に毒素產生量と菌数動態を解析したところ、SEsの產生量は30°Cにおいて12時間、24時間および48時間で両菌株ともほぼ一定であったが、20°Cでは12、24、48時間で產生総量は増加傾向を示した。このことから、SEG、SEI、SELM、SEIN、SELOの產生は対数増殖期に起こるが、30°Cでは定常期に入ると速やかに毒素產生は抑制されるのに対し、20°Cにおいては定常期の間毒素產生は持続することにより総產生量が増加するものと考えられた。しかしながら、mRNA動態を比較すると、20°Cおよび30°C両者において対数増殖期にmRNAの発現が誘導され、定常期にはmRNAコピー数が低下する傾向は同様であることが認められた。なお、スキムミルクにおけるSEG、SEI、SELM、SEIN、SELO產生動態も評価したが、in vitroの結果と同様に20°Cにおいて產生総量が増加することが認められた。低温でのこれらの毒素の產生増強は普遍的な現象と考えられるが、その機構については更なる解析が必要である。エンテロトキシンの検出に関して、連続的かつリアルタイムでモニタリングできる水晶発振子マイクロバランス法(QCM)の開発を継続している。SEAの検出感度が150 ng/mlからの改良を目指した。測定系の検討

を行ったところ、サンドイッチ法への変更と標識抗体として $\phi 1.4$ nm の金微粒子結合抗体を用いることにより、検出感度が向上することが分かった。また、1 つのセンサーで少なくとも 2 種類の SEs を検出することが可能であることが分かった。さらに、牛乳への添加試験では 10 ng/ml の SEA の検出が可能となった。今後も、感度の改善に取り組む。

A. 研究目的

黄色ブドウ球菌は、食品内で増殖する際にエンテロトキシン (staphylococcal enterotoxins; SEs) を產生する。食品と共に、ヒトが SEs を経口的に摂取することにより、嘔吐を主徴とする毒素型食中毒を引き起こす^{1,2)}。SEs は SEA～SEE の 5 型が存在することが知られていたが、1990 年代半ば以降に新型エンテロトキシンが次々に報告され、現在では SEG～SE1X の 17 種の新型 SEs および staphylococcal enterotoxin-like toxins (SE1s) の存在が明らかになってい。特に、SEG、SEI、SE1M、SE1N および SE10 遺伝子を保有し、かつ SEA～SEE 遺伝子を保有しない黄色ブドウ球菌による食中毒が日本各地で報告されていることから、新型 SEs/SE1s の產生量を評価し、食中毒への関与を推定することを目的として、新型 SEs および SE1s の高感度検出法の確立および毒素產生量評価を行い、SEG、SEI、SE1M、SE1N および SE10 は 37°C の培養温度では產生量が極めて低いこと、またこれらの毒素群は 25°C および 20°C で培養すると產生が増強されることを明らかにしてきた。これらの毒素遺伝子は黄色ブドウ球菌ゲノム上の vSaβ という genomic island にクラスターを形成して存在しており、enterotoxin gene cluster (*egc*) と命名された領域を形成している。本年度は、*egc* 関連毒素群の產生量に対する温度の影響を詳細に検討し、さらにこれらの毒素の mRNA 動態を解

析した。

ブドウ球菌エンテロトキシンは、耐熱性毒素で、食品内で一度產生されれば加熱によって失活せず、人に摂取される可能性がたかい。食品安全を確保するには、毒素そのものを検出する方が望ましい。とくに、消費量の多い食品については、製造段階で連続的にモニタリングできる原理をもった毒素検査法の導入が望ましい。そこで、分子間相互作用測定装置の 1 つである水晶発振子マイクロバランス (Quartz Crystal Microbalance: QCM) 法³⁾ が有用ではないかと考えた。QCM 法の利点には、操作が簡便である、検体がクルードであっても対応できる、リアルタイムに測定できる、定量測定ができるなどがある。

B. 実験方法

第 1 項 新型エンテロトキシンの產生動態解析と食品内產生の評価

1. 供試菌株

日本で発生した食中毒由来株 Aomori1 (*seg, sei, selm, seln, selo, selp*), Hiroshima13 (*seg, sei, selm, seln, selo, selj, ser, ses, set*)、Saga1 (*seg, sei, selm, seln, selo, selp*) および Saitama496 (*seg, sei, selm, seln, selo*) を実験に供した。黄色ブドウ球菌の継代には Difco™ Brain Heart Infusion Agar (Becton, Dickinson and Company) (BHI agar) を用いた。

2. Sandwich ELISA

固層抗体には精製 IgG 分画あるいは各 SE に対するウサギ特異抗体を使用し、検出抗体には HRP (Horseradish Peroxidase) 標識特異抗体を用いた。また SE10 検出系については、固層抗体に抗 rSE10 ウサギ特異抗体を、検出抗体には HRP 標識ニワトリ特異抗体を用いた。標準曲線用スタンダードおよび測定サンプルの希釈には Can Get Signal Immunoreaction Enhancer Solution 1 (TOYOB0) (以下 Solution 1 と略) を用いた。検出抗体の希釈には Can Get Signal Immunoreaction Enhancer Solution 2 (以下 Solution 2 と略) を用いた。ブロッキングバッファーには Starting BlockTM (PBS) Blocking Buffer (PIERCE) を使用した。プレートには 96F Maxisorp White Microwell (nunc) を用いた。基質溶液には SuperSignal ELISA Femto Maximum Sensitivity Substrate (Thermo Scientific) を用い、マイクロプレートリーダー (wallac 1420 ARVO MX/Light、Perkin Elmer) で発光測定を行った。

protein A の影響を除去するために ImmunoPuer Normal Rabbit Serum (PIERCE) (以下 NRS と略) を被検培養上清の 20~100 % 量加えて静置した (4 °C、16~18 時間)。その後 Solution 1 を加えて 10 倍希釈し、被検検体の原液とした。各毒素の產生量に応じて、原液を Solution 1 で適宜希釈するか、または原

液を直接測定した。protein A が結合しないニワトリ抗体を用いた SE10 検出系では、NRS による処理を行わず、培養上清を Solution 1 で適宜希釈して測定した。protein A の影響の有無は、NRS から精製した正常ウサギ IgG 分画を固層した各 Sandwich ELISA で同一サンプルを測定し、非特異な反応がブランクと同等まで低下することにより確認した。

3. 高密度接種時の 20 °C および 30 °C における増殖動態と *egc* 関連毒素群產生量

黄色ブドウ球菌 Aomori1 株および Hiroshima13 株を BHI agar で 2 回継代した後、Yeast Extract を 1% (w/w) 添加した BHI broth (1% Yeast Extract 添加 BHI broth) 5 ml に接種し seed culture を行った (37 °C、16~18 時間、振盪培養)。培養終了後、seed culture を希釈し、初発菌量 5×10^7 cfu/ml で 1% Yeast Extract 添加 BHI broth 60 ml に接種し、20 °C および 30 °C で 48 時間の振盪培養を行なった。経時的に定量培養により菌量測定を行うと共に、培養液を採取し 14,000 rpm、20 分遠心して菌体と上清を回収した。上清は 0.22 μm フィルター (Millex GP[®] 0.22 μm、Millipore) で 濾過処理後、Sandwich ELISA に供した。菌体は total RNA 精製に供した (図 1)。

4. Real-time PCR による *egc*-関連毒素群 mRNA 動態の解析

2.0×10^8 CFU 相当の菌体から、 RNeasy minikit (QIAGEN) を用いて total RNA を精製した。混入した gDNA は、 DNase I recombinant (Roche applied science) 1 μ l、 10×DNase I buffer 1 μ l、 DEPC treated water 3 μ l、 RNA 溶出液 5 μ l を混和し、室温で 40 分間反応させることにより除去した。DNaseI は 75 °C 30 分間の処理により失活させた。逆転写反応は、 BRL MuLV reverse transcriptase (Invitrogen) 1 μ l、 RNase inhibitor 0.5 μ l、 0.1M DTT 2 μ l、 random primer (Invitrogen) (100 ng/ml) 1 μ l、 2.5mM dNTP mix (Takara Bio) 8 μ l、 5×RT buffer 4 μ l、 DEPC treated water 0.5 μ l、 DNase I 处理 RNA 溶液 3 μ l を加え、42 °C、60 分間で行った。続いて 75 °C、15 分間の処理で反応を停止した。得られた cDNA 溶液を real-time PCR に供した。gDNA コンタミネーションのコントロールとして、逆転写反応(−)の RNA サンプルを real-time PCR に供した。

real-time PCR は、*seg*, *selo*, *seg mRNA* および内部対照遺伝子を標的とし、 iQ SYBR Green Supermix (BIO-LAD) 25 μ l、 各遺伝子特異的プライマー 300 nM、 DEPC treated water を混合し、49 μ l に調整した溶液に cDNA 溶液 1 μ l を加え、Mini Opticon (BIO-LAD) を用いて行った。PCR 反応条件は初期変性 (95 °C 3 分間) 、 変性、アニーリング、伸長反応 40 サイクル (95 °C 30 秒間、60 °C 30 秒間、

72 °C 60 秒間) 、融解曲線 (60–90 °C) で行い、各伸長サイクルの終わりに SYBR Green I の蛍光強度を測定した。検量線は黄色ブドウ球菌の reference 株であり *egc* を保有する Mu50 より精製した gDNA を 10 倍階段希釀したものを用いて、実験ごとに作成した。10 種類のハウスキーピング遺伝子から、mRNA が安定して発現している 3 つの遺伝子を選抜し内部標準遺伝子とした。内部標準遺伝子の mRNA 発現量から geNorm ソフトウェアを用いて Normalization Factor を求め、各 SEs の mRNA 発現量を標準化し、各サンプルの相対的な mRNA 発現量を求めた。

5. スキムミルクにおける *egc*-関連 SEs 産生量の評価

スキムミルク粉末 (和光純薬) を滅菌純水に無菌的に溶解して 10% (W/V) 溶液を作成し、検体とした。Aomori1 株、 Hiroshima13 株および Saitama496 株を BHI agar で 2 回継代したのち、 Yeast Extract 1 % 添加 BHI broth 5 ml に接種し Seed Culture を行い (37 °C、16~18 時間、振盪培養)、スキムミルクに 1.0 x 10⁴ CFU/ml で接種した。培養は 20° C あるいは 37° C で 24 時間行い、6、12、24 時間の時点で検体を採取して定量培養により菌数を定量すると共に、上清を採取して SEs 定量に供した。

14,000 rpm、20 分遠心により上清を回収し、0.22 μ m フィルター (Millipore GP[®] 0.22 μ m, Millipore) で濾過処理後、

酸沈殿によるカゼインの除去、TCA 沈殿による蛋白質濃縮を行い、最終的に 50 mM Tris-HCl, pH 7.5 で溶解し、Sandwich ELISA による SEls 定量に供した。

第2項 QCM 法によるエンテロトキシン検出法開発

1. ポリクローナル抗 SEs 抗体固定化センサー

1-1 ポリクローナル抗 SEA 抗体固定化センサーの作製

センサーセルの金電極上をピランハ溶液（濃硫酸：過酸化水素水 = 3:1）にて洗浄した。50 μl の SAM 溶液(1mM)を金電極上にマウントした。室温で 1 時間静置後、Milli Q 水にて洗浄した。洗浄後、50ul の N-ヒドロキシスクシニミド(NHS)/ 1-エチルジメチルプロピルカルボジイミド(EDC)溶液(50mg/ml)を金電極上にマウントした。室温で 15 分間静置後、Milli Q 水にて洗浄し、すぐに 50 μl の Protein G 溶液(100ug/ml)をマウントした。室温で 1 時間静置後、PBS(-)にて洗浄した。この Protein G 固定化センサーセルに PBS(-)を 500ul 添加し、装置にセットした。測定を開始し、Protein G 固定化センサーの振動数が安定化後、終濃度 1 $\mu\text{g}/\text{ml}$ となるようにポリクローナル抗 SEA 抗体を添加し、ポリクローナル抗 SEA 抗体の結合量をモニタリングした。結合量が約 900Hz 程度のセンサーをポリクローナル抗 SEA 抗体固定化センサーとして各実験に用いた。

1-2 ポリクローナル抗 SEA 抗体/ポリクローナル抗 SEB 抗体(6:4)固定化センサーの作製

1-1 と同様に Protein G の固定化操作まで行った。100 $\mu\text{g}/\text{ml}$ のポリクローナル抗 SEA 抗体溶液と 100 $\mu\text{g}/\text{ml}$ のポリクローナル抗 SEB 抗体溶液を 6:4 の割合で混合した。この混合抗体溶液 5 μl を PBS(-) 中で振動数を安定化させた Protein G 固定化センサーへ添加した。

1-1 と同様に約 900Hz 程度結合したセンサーをポリクローナル抗 SEA 抗体/ポリクローナル抗 SEB 抗体(6:4)固定化センサーとして使用した。

2. サンドイッチ法による rSEA の検出

ポリクローナル抗 SEA 抗体固定化センサー及びポリクローナル抗 SEA 抗体/ポリクローナル抗 SEB 抗体(6:4)センサーに 500 μl の PBS(-)を添加し、装置にセットする。各センサーの振動数が安定化後、終濃度が 150 ng/ml となるように rSEA を添加した。抗 SEA 抗体への rSEA の結合を約 30 分間モニタリング後、センサーを PBS(-)にて洗浄した。再度センサーへ PBS(-)を 500 μl 添加し、センサーの振動数を安定化後、終濃度が 0.25、0.75、1.75 $\mu\text{g}/\text{ml}$ もしくは 0.5、1.5 $\mu\text{g}/\text{ml}$ となるようにポリクローナル抗 SEA 抗体を逐次添加した。

3. SEA 検出系における感度の向上

3-1 ヤギ抗ウサギ IgG 抗体の金微粒子標識

Mono-sulfo-NHS-NANOGOLD (Nanoprobes) を用いてヤギ抗ウサギ IgG 抗体 (Jackson Immuno Research Laboratories 社)を標識した。

Mono-sulfo-NHS-NANOGOLD を 200ul の Milli Q 水に溶解した。また、ヤギ抗ウサギ IgG 抗体を 1.2 mg/ml となるように 0.02M リン酸ナトリウム /0.15M 塩化ナトリウム (pH8.0) 溶液で調整した。ヤギ抗ウサギ IgG 抗体溶液と添付バッファーと NANOGOLD 溶液を各 100 μ l ずつ混合した。室温で 1 時間反応後、4°Cで一晩反応させた。その後、ゲルろ過 (Superose 6)を行った。

3-2 ウサギ抗マウス IgG 抗体固定化センサーの作製

センサーチップの金電極上をピラノハ溶液にて洗浄後、500 μ lの PBS(-)を添加し、装置にセットした。センサーの振動数が安定化後、終濃度が 1 [g/ml となるようにウサギ抗マウス IgG 抗体 (Jackson Immuno Research Laboratories 社)を添加した。ウサギ抗マウス IgG 抗体の結合量が 400Hz 及び 900Hz になった時点まで、終濃度が 0.1 mM となるように mPEG-SH (Creative PEG Works 社)を添加した。振動数変化が安定したら、PBS(-)にて洗浄し、次の実験に用いた。

3-3 ウサギ抗マウス IgG 抗体へのヤギ抗ウサギ IgG 抗体の結合における感度向上の検討

3-2 で作製したウサギ抗マウス IgG 抗体固定化センサーに PBS(-)を 500 μ l 添加し、装置にセットした。センサーの振動数が安定化後、未標識ヤギ抗ウサギ IgG 抗体及び金微粒子標識ヤギ抗ウサギ IgG 抗体を添加した。

4. 牛乳中における rSEA の検出

ポリクローナル抗 SEA 抗体固定化センサーに牛乳 (小岩井乳業、成分無調整、生乳 100%) を 500 μ l 添加し、装置にセットした。センサーの振動数が安定化後、終濃度が 0、10、50 ng/ml となるように rSEA を添加した。

C. 結果

第1項 新型エンテロトキシンの产生動態解析と食品内产生の評価

1. 高密度接種時の 20 °C および 30 °C における増殖動態、egc 関連毒素群产生動態および mRNA 動態

BHI 培地に Aomori 1 株を約 5×10^7 cfu/ml で接種し、20°C および 30°C で培養したところ、egc 関連 SEs の产生量は 30°C において定常期に到達した 12 時間以降ほぼ一定であったが、20° C の培養では 12、24、48 時間で产生総量は増加傾向を示した (図 2)。egc 関連 SEs/SEls mRNA の発現量を比較すると、対数増殖期における mRNA コピー数は 20° C において 30° C よりも多い傾向が確認されたが、対数増殖期後期から定常期においては、両温度において低いレベルで推移した

(図 2)。Hiroshima13 株においても Aomori1 株と同様の傾向を示し、30° Cにおいて SEs/SEls 量は定常期に入つてからは一定であるのに対し、20° C 培養では 48 時間にいたるまで毒素産生は増加傾向にあった。さらに、mRNA 動態についても、対数増殖期においてコピー数が 20° C において増加する傾向を示したが、培養後半では両温度いずれも mRNA コピー数は低いレベルで推移した(図 3)。

2. スキムミルクにおける *egc* 関連 SEs/SEls 産生量評価

我々はこれまでに、にぎりめしにおける *egc* 関連 SEs 産生を評価しており、BHI broth の場合と同様に 25° C で有意な毒素産生が見られることを明らかにしてきた。今回、炭水化物が多くをしめる米飯と比較するために、蛋白質特にカゼインを多量に含む食品であるスキムミルクにおける *egc* 関連 SEs 産生量を評価し、さらに低温での産生状況がみられるか否かを検討した。

わが国で分離された食中毒由来株、Saga 株、Hiroshima13 株、および Saitama496 株のスキムミルク中の毒素産生動態を図 4 に示す。これらの株を 1.0×10^4 CFU/ml でスキムミルクに接種し、37° C および 20° C で 24 時間培養したところ、37° 培養では、in vitro, BHI broth での産生と同様に、定常期以降の毒素総量は一定あるいは減少傾向を示した。これに対し、20° C 培養では黄色ブ

ドウ球菌の増殖が遅延することから 12 時間まで毒素の産生は確認されなかったが、24 時間の時点の毒素総量は 37° C 培養よりも多量となる傾向がすべての菌株で認められた。低温での産生量増強は、BHI broth およびにぎりめしのみならず、スキムミルクでも認められることが明らかになった。

第 2 項 QCM 法におけるエンテロトキシン検出感度の向上の試み

1. サンドイッチ法の適応

ポリクローナル抗 SEA 抗体を用いたサンドイッチ法により rSEA を検出可能か否かの確認を行った。その結果、rSEA を反応させたセンサーにおいて、添加したポリクローナル抗 SEA 抗体の濃度依存的に振動数変化が得られた(図 5)。また、rSEA を反応させていないコントロールでも多少の振動数変化が認められたが、有意な差であった。このことから、ポリクローナル抗 SEA 抗体を用いたサンドイッチ法により rSEA を検出可能であることが確認された。さらに、ポリクローナル抗 SEA 抗体/ポリクローナル抗 SEB 抗体(6:4)固定化センサーにおいても rSEA を検出可能であった(図 5. (b))ことから、1 つの固定化センサーで最低 2 種類の rSEs を検出可能であることが分かった。なお、rSEA を反応させていないコントロールセンサーでも振動数変化が見られることから、サンドイッチ法での測定の場合は非特異反応を抑制する必

要がある。

2. 金微粒子標識抗体を用いた感度向上

抗体に金微粒子標識を行う場合、大量の抗体が必要となる為、比較的安価に大量に購入可能なウサギ抗マウス IgG 抗体とヤギ抗ウサギ IgG 抗体の系を用いて予備検討を行った。その結果、ウサギ抗マウス IgG 抗体の固定化量によらず、未標識ヤギ抗ウサギ IgG 抗体よりも金微粒子標識ヤギ抗ウサギ IgG 抗体の方が 1.5~2 倍程度、振動数変化量が大きかった（図 6. (a)）。このことから、これまでの rSEA 検出系と比較すると、rSEA-金微粒子標識抗 SEA 抗体複合体による検出系にすることで約 10 倍の感度向上が期待される（図 6. (b)）。

3. 牛乳中での rSEA 検出

PBS(-)中で rSEA を検出可能であることが分かったので、実際に牛乳中で rSEA を検出可能か否かの確認を行った。その結果、終濃度 10 ng/ml(原液濃度 100 ng/ml) から検出可能であった（図 7）。

D. 考察および結論

egc 関連毒素群について、これらの遺伝子のみを保有する食中毒由来株が存在するにも関わらず、*in vitro* での産生量がごく少量であるという矛盾が示されていたが、我々はこれまでに 37 °C（従来

の培養温度）20-25 °C（室温、食中毒事例を想定）での培養を比較すると、20-25 °C の培養条件において産生量が増加する傾向があることを明らかにしてきた。

増殖動態と毒素産生の関連を検討したところ、*egc* 関連 SEs は対数増殖期に産生がはじまるが、低温での培養では定常期に入っても *egc* 関連 SEs 産生量が持続するのに対し、30°C では定常期に達すると *egc* 関連 SEs 産生は抑制されることが推定された。しかしながら、mRNA 動態は、30°C と 20°C における毒素産生量の違いと完全に一致するものではなく、むしろ、両温度においてほぼ同等の傾向を示した。現在のところ、20-25°C における *egc* 関連 SEs/SEls の産生増強機構は不明な点が多い。しかしながら、本研究で示したように、スキムミルクにおいても低温における産生増強は確認されており、室温環境下で毒素産生量が増加する現象は、ブドウ球菌食中毒の発生を考えるうえで重要な情報である。黄色ブドウ球菌菌株により差がみられるが、一般的に 20°C においては増殖が遅延する。低温条件下での *egc* 関連 SEs mRNA の転写のピークは対数増殖期にあり、スキムミルクにおいては検出可能なレベルの毒素が確認されるのは対数増殖期後期以降であることから、室温で食品が保存された場合、食品の初期汚染菌数が多いほど、*egc* 関連 SEs の蓄積量は増加すると考えられる。

実際の食中毒事例においては、食品の

汚染状況や温度、pH、水分活性をはじめ様々な環境因子や食品の特性により菌の増殖が影響されることが予測される。にぎりめし、スキムミルク以外の食品についても毒素産生動態を把握しておく必要がある。今後、様々な培養条件における食品中での菌の増殖と毒素の産生状況を把握すると共に、実際の食中毒事例に由来する種々の原因食品の新型 SEs を含めた総毒素産生量を測定することによって全 SEs を対象とした食中毒最少発症毒素量を検討していくことが必要である。

これまでの PBS(-)中での SEA 検出では、感度不足であったが、サンドイッチ法と金微粒子標識抗 SEA 抗体を用いることにより、約 10 倍の感度向上が期待される。

また、実際に牛乳中で SEA 検出が可能か否か検討を行ったところ、牛乳中においても SEA を検出可能であることが分かった。その検出感度は終濃度 10 ng/ml (原液濃度 100 ng/ml) であった。このことから、QCM 法により、前処理なしに簡便に牛乳中の SEA を検出可能であることが示唆された。しかしながら、本研究で行った感度向上の系を考慮にいれても感度が不足している為、さらなる測定系の改良が必要である。

E. 健康危害情報

特になし。

F. 文献

- 1) 石田和夫ら (2005) イラスト食品衛生学、東京教学社、東京
- 2) 山中英明、藤井建夫、塩見一雄 (2007) 食品衛生学第二版、恒星社厚生閣、東京
- 3) Sauerbrey, G., Z. Phys. (1959) 155:206.

G. 研究発表

1. Ono, H. K., Nishizawa, M., Yamamoto, Y., Hu, D.-L., Nakane, A., Shinagawa, K., and Omoe, K. (2012) Submucosal mast cells in the gastrointestinal tract are a target of staphylococcal enterotoxin type A. FEMS Immunol. Med. Microbiol. 64: 392–402.

H. 学会発表

1. Sato, A., Nagasako, Y. Yamamoto, Y. Sato, Y., Ono, H. K., Hu, D.-L., Nakane, A. and Omoe, K. (2011) Temperature dependent regulation of enterotoxin-gene-cluster-related staphylococcal enterotoxins production. International Union of Microbiological Societies 2011 Congress. Sapporo.
2. 長廻ゆりあ, 稲垣華絵, 山本裕紀, 鎌田洋一, 品川邦汎, 重茂克彦 (2011) 新型ブドウ球菌エンテロトキシンの食品中

における產生量評価. 第 102 回日本食品
衛生学会学術講演会, 秋田市.

I. 知的所有権の取得状況

1) 特許取得

なし。

2) 実用新案取得

なし。

3) その他

なし。

| 供試菌株 | 毒素遺伝子型 |
|-------------|--|
| Aomori1 | <i>seg, sei, sem, sen, seo, sep</i> |
| Hiroshima13 | <i>seg, sei, sem, sen, seo, sei, ser, ses, set</i> |

黄色ブドウ球菌をBHI brothに接種し、30°C、20°Cで震盪培養を行った
(培養開始時菌数 5×10^7 CFU/ml)

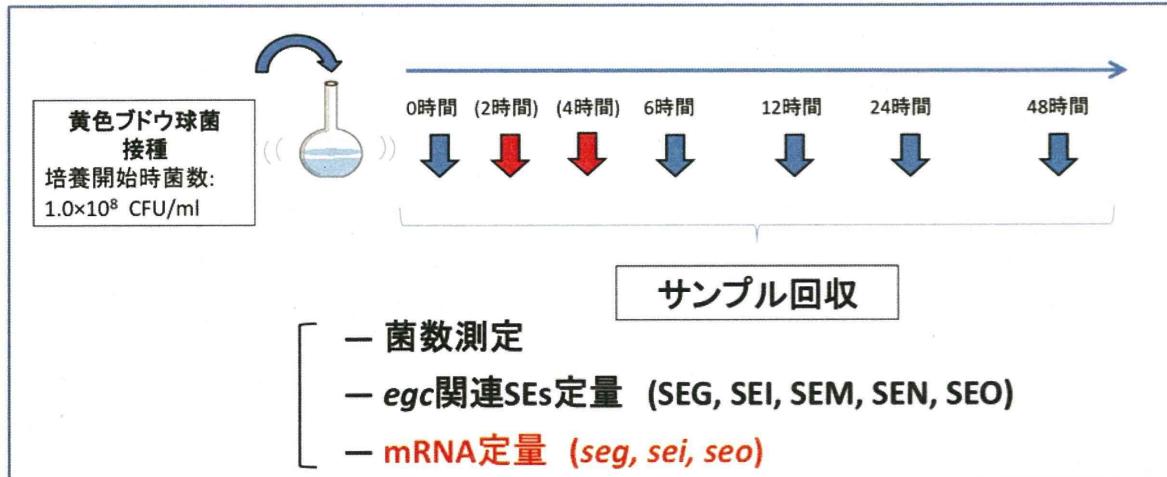


図1 リアルタイムPCRによる*egc*関連SEsのmRNA発現動態解析

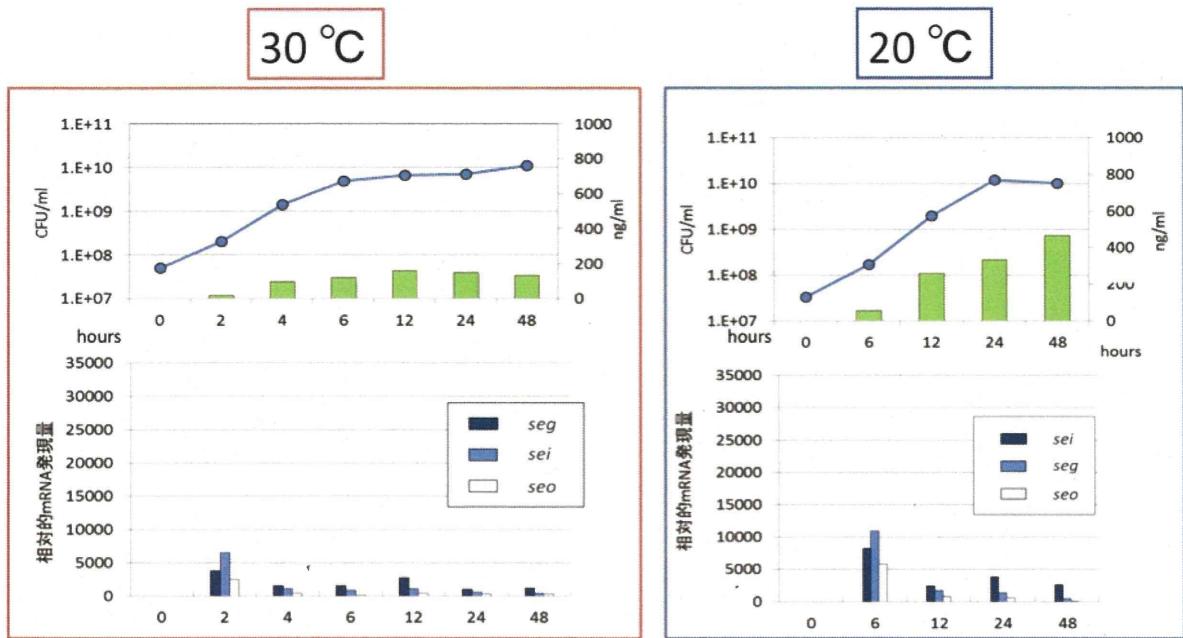


図2 *egc*関連SEsのmRNA発現動態 (Aomori1株)

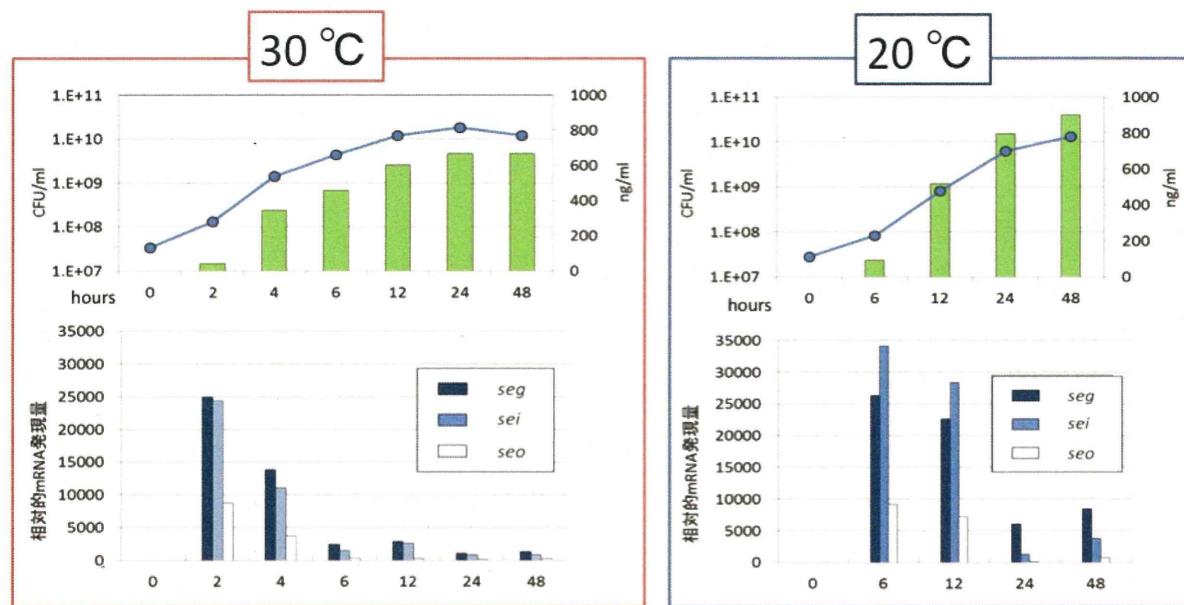
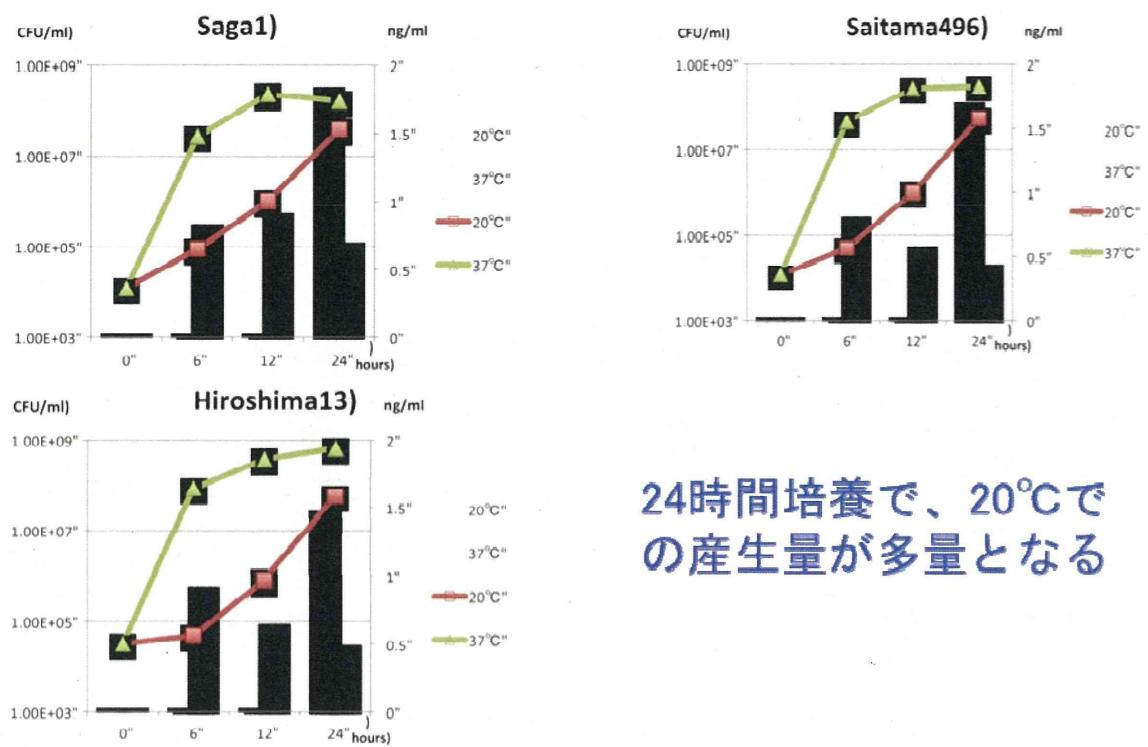


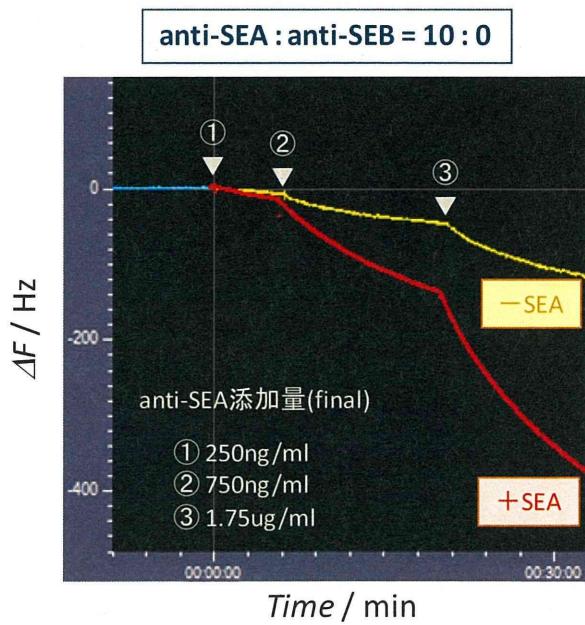
図3 egc関連SEsのmRNA発現動態 (Hiroshima13株)



24時間培養で、20°Cでの產生量が多量となる

図4 スキムミルクにおける egc 関連SEs/SEIs產生量

(a)



(b)

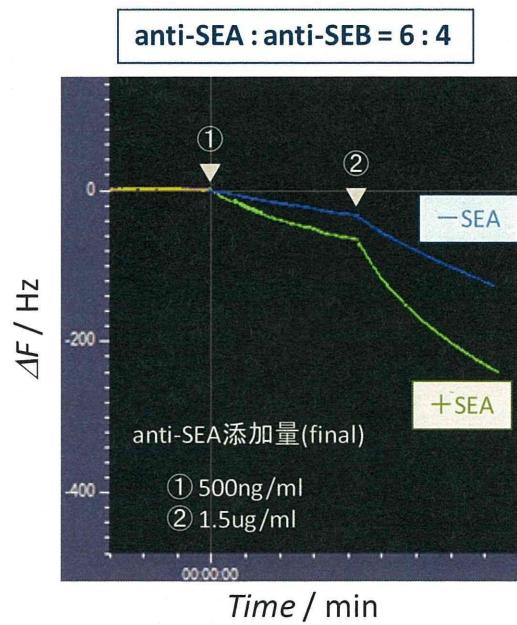
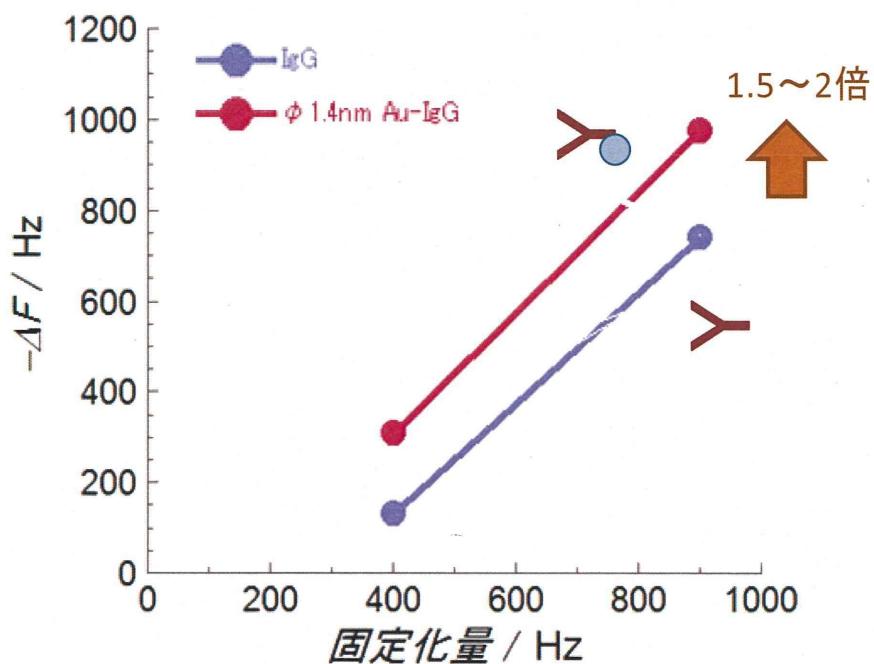


図5. サンドイッチ法による rSEA の検出

(a) ポリクローナル抗 SEA 抗体固定化センサーを用いたサンドイッチ法による検出

(b) ポリクローナル抗 SEA 抗体/ポリクローナル抗 SEB 抗体(6:4)固定化センサーを用いたサンドイッチ法による検出

(a)



(b)

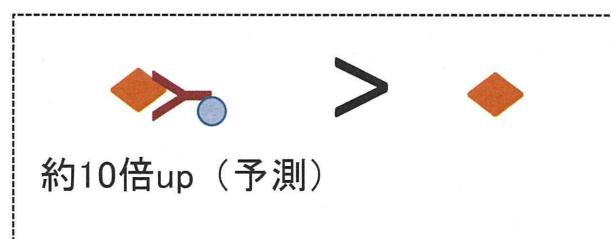


図 6. 金微粒子標識抗体による感度の向上

(a) 金微粒子標識抗体と未標識抗体の感度比較

Blue Line : 未標識、Red Line : 金微粒子標識抗体

(b) 金微粒子標識抗体とサンドイッチ法による感度向上の予測

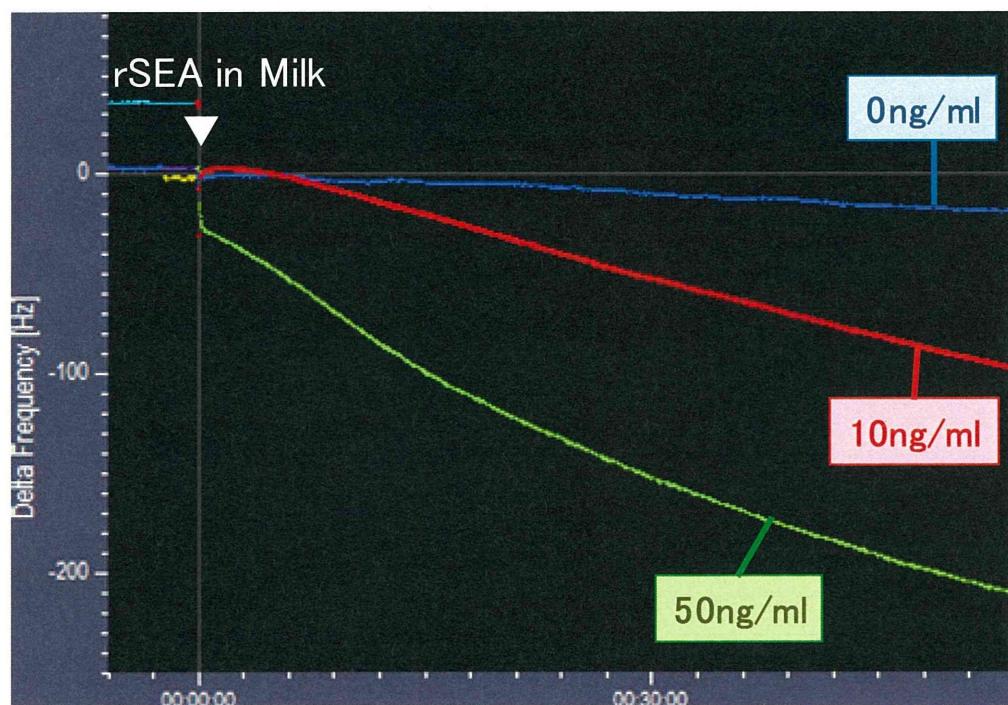


図 7. 牛乳中での SEA 検出

Blue Line : Control (0ng/ml)、Red Line : 10ng/ml、Green Line : 50ng/ml