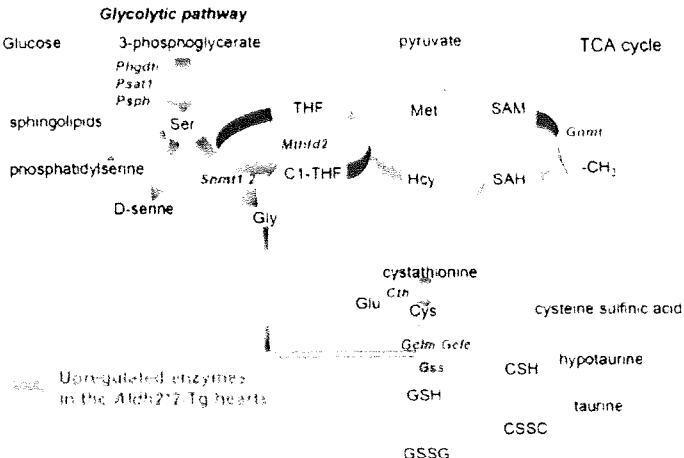


**A**

Symbol	Description	cy5 control1	cy3 Aldh2*2	ratio(cy5/cy3)
Atf4	activating transcription factor 4	372.7	1067.4	2.9
Atf5	activating transcription factor 5	175.4	1513.9	8.5
Pmgdh	3-phosphoglycerate dehydrogenase	10.2	288.7	28.4
Psat1	phosphoserine aminotransferase 1	30.8	204.9	6.7
Paph	phosphoserine phosphatase	43.5	73.5	1.7
Shmt1	serine hydroxymethyl transferase 1 (soluble)	30.6	39.4	1.3
Shmt2	serine hydroxymethyl transferase 2 (mitochondrial)	207.8	270.4	1.3
Mthfd2	methylene tetrahydrofolate dehydrogenase (NAD <sup>+</sup> dependent)	20.2	750.2	37.5
Gnmt	glycine N-methyltransferase	27.7	33.5	1.2
Cth	cystathione gamma-lyase	28.3	38.6	1.4
Gclm	glutamate-cysteine ligase, modifier subunit	130.5	176.8	1.4
Gclc	glutamate-cysteine ligase, catalytic subunit	68.9	49.2	0.7
Gss	glutathione synthetase	60.0	59.3	1.0
Slc1a4	glutamate/neutral amino acid transporter	4.8	11.1	2.3
Slc7a11	Xc <sup>-</sup> cysteine/glutamate transporter	6.3	6.5	1.0
Slc3a2	4F2 antigen heavy chain, amino acid transport	218.6	388.5	1.8
Slc7a3	cationic amino acid transporter, y <sup>+</sup> system) member 3	3.8	31.8	8.3
Slc7a5	cationic amino acid transporter, y <sup>+</sup> system) member 5	51.8	138.8	2.7
Gsta1	glutathione S-transferase, alpha 1 (Y <sup>a</sup> )	63.7	278.0	4.4
Gsta2	glutathione S-transferase, alpha 2 (Y <sup>c2</sup> )	29.3	175.1	5.9
Gsta3	glutathione S-transferase, alpha 3	95.7	95.5	1.0
Gsta4	glutathione S-transferase, alpha 4	1171.3	1408.3	1.2

Color codes Global normalization intensity  
Fold induction

> 100 > 20 > 5 > 2

**B**

mice were significantly attenuated in mice carrying the heterozygous alleles of *Atf4* (Figure 8D). Accordingly, heterozygous knockout of *Atf4* attenuated the oxidative stress-resistant phenotype observed in *Aldh2\*2* Tg hearts (Figure 8E).

### Activation of ATF4 Is Crucial for the Oxidative Stress–Resistant Phenotype

Adenovirus-mediated expression of *Aldh2\*2* in cultured cardiomyocytes increased immunoreactivity for 4-HNE adducts (Online Figure VIII, A), induced expression of *Atf4* and *Phgdh* (Online Figure VIII, B), and increased intracellular levels of reduced GSH (Online Figure VIII, C). The short interference (si)RNA-mediated knockdown of *Atf4* abolished the induction of *Phgdh* and the increase in intracellular GSH in *Aldh2\*2*-expressing cardiomyocytes.

Consistent with the oxidative stress-tolerant phenotype observed for *Aldh2\*2* Tg hearts, *Aldh2\*2*-expressing cardiomyocytes exhibited enhanced tolerance to oxidative stress induced by glucose-free anoxia–rexygenation or high-dose 4-HNE or antimycin A (Online Figure VIII, D; data not

**Figure 5.** Transcriptome analysis of *Aldh2\*2* Tg hearts. A, List of genes involved in amino acid metabolism that are upregulated in *Aldh2\*2* Tg hearts (DNA Gene Chip analysis).

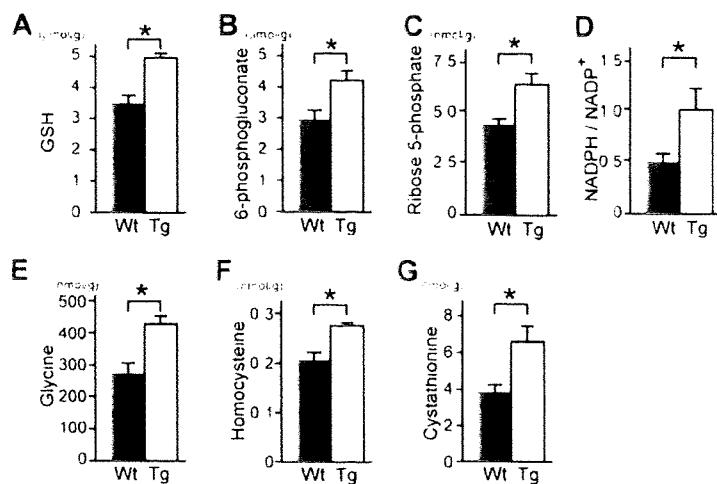
DNA Gene Chip analysis).

B, Schematic representation of the serine biosynthetic pathway coupled with the *trans*-sulfuration pathway. SAH indicates S-adenosylhomocysteine.

shown). The siRNA-mediated knockdown of *Atf4* rendered the LacZ-expressing control cardiomyocytes vulnerable to oxidative stress and abrogated the oxidative stress-resistant phenotype of the *Aldh2\*2*-expressing cardiomyocytes.

### Discussion

The present study has demonstrated, for the first time, that the heart has an intrinsic capacity to change the metabolic pathways to counteract life-long mitochondrial oxidative damage. Mitochondrial aldehyde stress triggers phosphorylation of eIF2 $\alpha$  and the combined transcriptional and translational activation of *Atf4* upregulates the gene expression of enzymes involved in amino acid biosynthesis and transport that ultimately provide precursor amino acids for GSH biosynthesis, thereby increasing intracellular GSH levels. Surprisingly, hearts with chronic mitochondrial aldehyde stress exhibited improved tolerance to I/R injury despite the presence of substantial mitochondrial oxidative damages. Heterozygous knockout of *Atf4* blunted the increase in intracellular GSH levels in mitochondrial Aldh-deficient



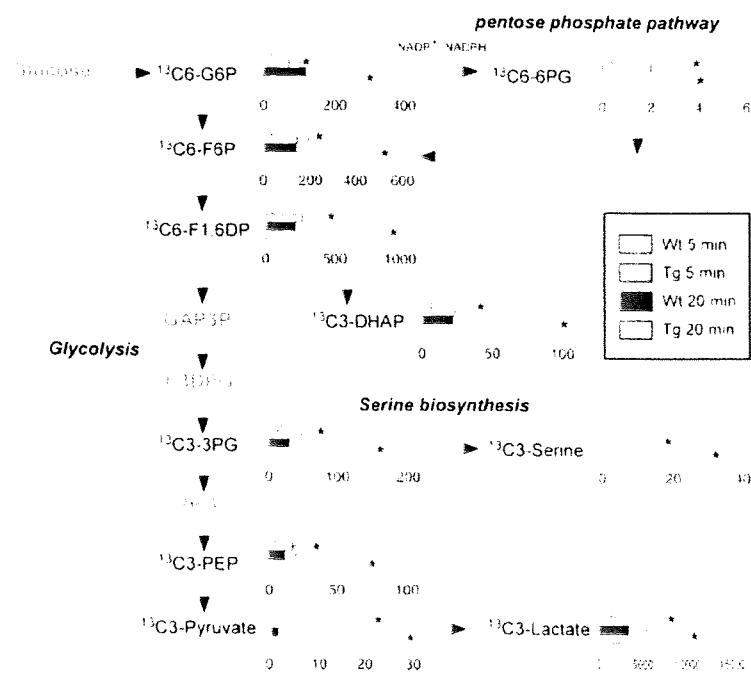
**Figure 6.** Metabolome analysis of *Aldh2\*2* Tg hearts. A, Intracellular reduced GSH levels were measured using BIOXYTECH GSH/GSSG-412 based on Tietze methods. B through G, 6-Phosphogluconate, ribose-5-phosphate, NADPH/NADP<sup>+</sup> ratio, glycine, homocysteine, and cystathione levels measured by CE-MS. Data are the means  $\pm$  SEM ( $n=6$  to 8). \* $P<0.05$  (unpaired Student's *t* test).

hearts and attenuated the oxidative stress-resistant phenotype. These findings indicate that Atf4-dependent activation of amino acid metabolism and GSH biosynthesis are causally involved in the oxidative stress-resistant phenotype observed in mitochondrial Aldh-deficient hearts. Enhanced supply of NADPH via the pentose phosphate pathway concomitantly helps in the recycling of oxidized GSH (GSH disulfide [GSSG]).

Here, we showed that the forced expression of Aldh2\*2 in the heart impairs Aldh activity against aliphatic aldehydes, including 4-HNE. Several lines of evidence suggest that ALDH2\*2 inactivates not only ALDH2 but also other ALDH subfamilies by forming heterotetramers.<sup>22,23</sup> For example, alignment of ALDH2 and ALDH1B1 amino acid sequences reveals a high degree of conservation between the regions required for dimer formation (ie, the  $\alpha$ -helix G residues 247

to 259,  $\beta$ -sheet 18 residues 450 to 453,  $\beta$ -sheet 19 residues 486 to 495, and the "oligomerization domain" residues 140 to 158 and 486 to 495). Notably, there is 100% conservation of residues involved in tetramer formation (ie,  $\beta$ -sheet 5 residues 141 to 144). These findings suggest that ALDH1B1 is one of the targets of ALDH2\*2. We are currently investigating other enzymes that are inactivated by Aldh2\*2.

However, kinetic assays may not address overall metabolic function or changes in other metabolic pathways, and increases in Gsta1/2 levels seen in the *Aldh2\*2* Tg hearts may compensate for defects in mitochondrial Aldh activity. A cell fractionation study revealed Aldh2\*2 protein in the mitochondria. Consistent with this, we found that some 4-HNE adduct proteins were also increased in the mitochondrial fraction of *Aldh2\*2* Tg hearts. Furthermore, 4-HNE immunoreactivity was increased following adenovirus-mediated



**Figure 7.** Fluxome analysis of *Aldh2\*2* Tg hearts. Isolated hearts from Wt and *Aldh2\*2* Tg mice were perfused with modified Krebs-Henseleit buffer containing 10 mmol/L <sup>13</sup>C-glucose, 10  $\mu$ U/mL insulin, 0.4 mmol/L oleate, and 1% BSA. <sup>13</sup>C-Labeled metabolites were quantified by CE-MS after 5 and 20 minutes. Note that <sup>13</sup>C-serine biosynthesis was increased in *Aldh2\*2* Tg hearts. Data are the means  $\pm$  SEM ( $n=6$ ). \* $P<0.05$  vs Wt control (unpaired Student's *t* test). G6P indicates glucose 6-phosphate; F6P, fructose 6-phosphate; F1,6DP, fructose 1,6-bisphosphate; GAP3P, glyceraldehyde 3-phosphate; DHAP, dihydroxyacetone phosphate; 1,3DPG, 1,3-bisphosphoglycerate; 3PG, 3-phosphoglycerate; 2PG, 2-phosphoglycerate; PEP, phosphoenolpyruvate; 6PG, 6-phosphogluconate.

## Mitochondrial Protection and the Reversal of Left Ventricular Remodeling

Motoaki Sano, MD

**R**eactive oxygen species (ROS) originate from many sources, including the Nox family of NADPH oxidases, xanthine oxidase, and mitochondria, in which superoxide radicals are the byproducts of oxidative energy production. Superoxide radicals are dismutated by superoxide dismutase (SOD), to produce hydrogen peroxides, which in turn are degraded into water and molecular oxygen by glutathione peroxidase and peroxiredoxin. Hydroxyl radicals ( $\text{OH}^\bullet$ ), which are the most potent ROS, are formed from hydrogen peroxides through the Fenton reaction. There are no endogenous enzymes to eliminate these radicals. In healthy mitochondria, mitochondrial ROS are adequately scavenged by antioxidant enzymes, but in damaged mitochondria, energy production is decreased and ROS production is disproportionately increased, surpassing the endogenous antioxidant capacity. Mitochondrial oxidative stress is implicated in the pathogenesis of a variety of heart diseases.<sup>1</sup> The acute production of excess ROS during ischemia–reperfusion injury triggers myocardial cell death. In addition, the continuous increase in ROS production and impaired energy production contribute to the development and progression of maladaptive cardiac remodeling and heart failure.<sup>2</sup> Furthermore, lifelong exposure of mitochondria to oxidative stress leads to cardiac senescence. Thus, mitochondrion-protective antioxidants are powerful agents for the prevention and treatment of oxidative stress-associated heart diseases.

### Article p 2125

EUK-8, which is a synthetic SOD/catalase mimetic, accesses the mitochondrial matrix and effectively scavenges mitochondrial ROS.<sup>3</sup> Previous studies have shown that EUK-8 prevents IR injury<sup>4</sup> and post-ischemic reperfusion arrhythmias,<sup>5</sup> attenuates pathologic hypertrophic growth,<sup>6</sup> and ameliorates pressure-overload-induced heart failure.<sup>7</sup>

In the present issue of the Journal, Kawakami et al<sup>8</sup> demonstrate that EUK-8 blunts the development of dilated cardiomyopathy (DCM), and also potently reverses established DCM in the hearts of muscle-specific SOD2 knockout (H/M-Sod2<sup>-/-</sup>) mice. In this transgenic mouse, the lack of cardiac mitochondrial SOD activity induces excessive generation of mitochondrial ROS, resulting in the accumulation of oxidative macromolecular damage, including oxidative

damage to nuclear DNA. As a consequence, systolic dysfunction becomes apparent in these mice as early as 4 weeks of age, and maladaptive left ventricular (LV) remodeling (ie, chamber dilatation and increased heart weight to body weight ratio) is progressively exacerbated.

The authors treated the H/M-Sod2<sup>-/-</sup> mice with EUK-8 using 2 different protocols (Figure). When EUK-8 was administered before the onset of obvious pathologic remodeling (ie, preventive administration), LV dilatation and the decline in LV fractional shortening were significantly suppressed, as compared with saline-treated H/M-Sod2<sup>-/-</sup> mice. These outcomes were associated with the suppression of excessive ROS generation and oxidative DNA damage, and the restoration of cardiac ATP levels. When EUK-8 was administered to mice with already established DCM (ie, therapeutic administration), established LV remodeling was reversed. Notably, 2 weeks of EUK-8 administration reduced the LV dimensions and restored LV fractional shortening, as compared with the same mice prior to EUK-8 administration. This process was associated with recovery of connexin43 (Cx43) protein expression.

Maladaptive LV remodeling is a major problem in patients with DCM. However, accumulating evidence indicates that remodeling can be reversed once it has developed. In addition to neurohormonal blockade therapy with angiotensin-converting enzyme inhibitors, angiotensin type 1 receptor blockers, mineralocorticoid receptor blockers, and the more potent  $\beta$ -blockers, mechanical unloading of the failing ventricles by LV assist devices and cardiac resynchronization therapy have recently been demonstrated to induce reverse remodeling of the LV, thereby potentially improving the quality of life, physical activity index, and mortality rate of these patients.

In their report, Kawakami et al<sup>8</sup> demonstrate that the mitochondrion-protective antioxidant, EUK-8, reverses pathologic LV remodeling in H/M-Sod2<sup>-/-</sup> mice. In addition to the favorable changes in LV geometry, EUK-8 may reverse arrhythmogenic gap junction remodeling. Gap junctions are clusters of transmembrane channels that form conduits for direct intercellular communication.<sup>9</sup> Cx43, which is the predominant connexin expressed in ventricular myocytes, is essential for normal propagation of the action potential. Gap junction remodeling, which includes a heterogeneous reduction in Cx43 expression and disordering

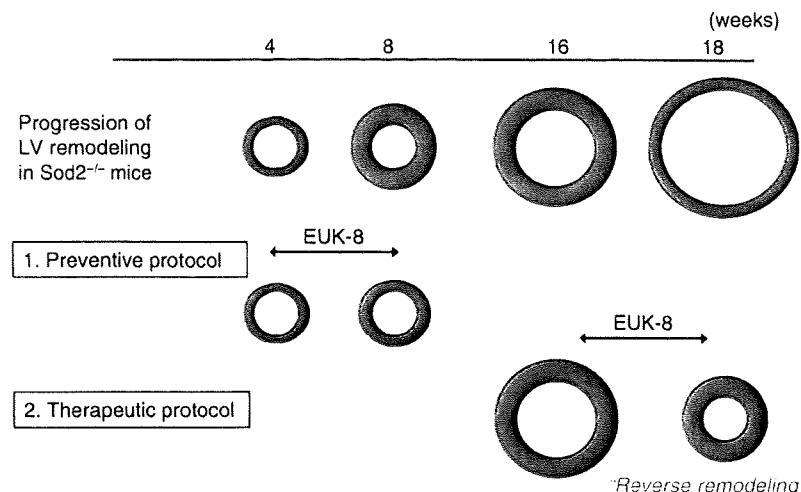
The opinions expressed in this article are not necessarily those of the editors or of the Japanese Circulation Society.

Received September 15, 2009; accepted September 15, 2009

Department of Regenerative Medicine and Advanced Cardiac Therapeutics, Keio University School of Medicine, Tokyo and Precursory Research for Embryonic Science and Technology (PRESTO), Japan Science and Technology Agency, Saitama, Japan

Mailing address: Motoaki Sano, MD, Department of Regenerative Medicine and Advanced Cardiac Therapeutics, Keio University School of Medicine, 35 Shinano-machi, Shinjuku-ku, Tokyo 160-8582, Japan. E-mail: msano@sc.itc.keio.ac.jp

All rights are reserved to the Japanese Circulation Society. For permissions, please e-mail: cj@j-circ.or.jp



**Figure.** Preventive and therapeutic effects of EUK-8 on pathological cardiac remodeling.

of the gap junction distribution, represents the arrhythmic basis for heart failure.<sup>10</sup> The authors demonstrate that Cx43 protein expression is downregulated in established DCM in H/M-Sod2<sup>-/-</sup> mice. This reduction in the Cx43 level is assumed to result in slowing of conduction, thereby rendering the ventricle more susceptible to re-entry arrhythmia. Notably, EUK-8 treatment of the H/M-Sod2<sup>-/-</sup> mice significantly restored Cx43 protein expression, as compared with saline treatment.

This study raises the possibility that protection of the mitochondria against oxidative stress will be a new therapeutic strategy to reverse maladaptive LV remodeling and dysfunction. These findings would be strengthened if it could be shown that mitochondrial dysfunction, fetal gene activation, and altered calcium handling in the failing myocardium can be reversed by therapeutic administration of EUK-8. Moreover, it remains unknown whether EUK-8 can induce LV reverse remodeling in other models of heart disease, including post-myocardial infarction, and other genetic models of DCM.

An important challenge for translating these observations from preclinical studies into clinical therapeutics is that antioxidant supplements for the prevention of cardiovascular events have been found to lack efficacy, and may even be harmful.<sup>11</sup> This discrepancy may be attributable to the dual role of ROS. ROS are not simply toxic byproducts, because they also play important roles in the cell signaling that regulates nuclear gene expression, known as "mitochondrial retrograde signaling". ROS trigger a cascade of stress-resistant pathways and counteract oxidative stress-induced damage, thereby re-establishing homeostasis, in a phenomenon referred to as "stress-response hormesis".<sup>12,13</sup> In addition, mitochondrial ROS generation appears to trigger mitochondrial biogenesis.<sup>14</sup> The intense contractile activity of muscles during exercise results in excessive production of ROS. Interestingly, excessive consumption of vitamin C supplements (antioxidants) decreases training efficiency through a reduction in the exercise-induced expression of transcriptional regulators of mitochondrial biogenesis, such as PPAR gamma coactivator 1, nuclear respiratory factor 1, and mitochondrial transcription factor A.<sup>15</sup> An improved understanding of the dual role of ROS will facilitate the design of novel strategies for cardioprotection against oxidative stress.

## References

1. Tsutsui H, Kinugawa S, Matsushima S. Mitochondrial oxidative stress and dysfunction in myocardial remodelling. *Cardiovasc Res* 2009; **81**: 449–456.
2. Kono Y, Nakamura K, Kimura H, Nishii N, Watanabe A, Banba K, et al. Elevated levels of oxidative DNA damage in serum and myocardium of patients with heart failure. *Circ J* 2006; **70**: 1001–1005.
3. Morten KJ, Ackrell BA, Melov S. Mitochondrial reactive oxygen species in mice lacking superoxide dismutase 2: Attenuation via antioxidant treatment. *J Biol Chem* 2006; **281**: 3354–3359.
4. Pucheu S, Boucher F, Sulpice T, Tresallet N, Bonhomme Y, Malfroy B, et al. EUK-8 a synthetic catalytic scavenger of reactive oxygen species protects isolated iron-overloaded rat heart from functional and structural damage induced by ischemia/reperfusion. *Cardiovasc Drugs Ther* 1996; **10**: 331–339.
5. Tanguy S, Boucher FR, Malfroy B, de Leiris JG. Free radicals in reperfusion-induced arrhythmias: Study with EUK 8, a novel non-protein catalytic antioxidant. *Free Radic Biol Med* 1996; **21**: 945–954.
6. Amin JK, Xiao L, Pimental DR, Pagano PJ, Singh K, Sawyer DB, et al. Reactive oxygen species mediate alpha-adrenergic receptor-stimulated hypertrophy in adult rat ventricular myocytes. *J Mol Cell Cardiol* 2001; **33**: 131–139.
7. van Empel VP, Bertrand AT, van der Nagel R, Engelen M, van Rijen HV, et al. EUK-8, a superoxide dismutase and catalase mimetic, reduces cardiac oxidative stress and ameliorates pressure overload-induced heart failure in the harlequin mouse mutant. *J Am Coll Cardiol* 2006; **48**: 824–832.
8. Kawakami S, Matsuda A, Sunagawa T, Noda Y, Kaneko T, Tahara S, et al. Antioxidant, EUK-8, prevents murine dilated cardiomyopathy. *Circ J* 2009; **73**: 2125–2134.
9. Severs NJ, Coppen SR, Dupont E, Yeh HI, Ko YS, Matsushita T. Gap junction alterations in human cardiac disease. *Cardiovasc Res* 2004; **62**: 368–377.
10. Minamino T. Gap junctions mediate the spread of ischemia-reperfusion injury. *Circ J* 2009; **73**: 1591–1592.
11. Honarbakhsh S, Schachter M. Vitamins and cardiovascular disease. *Br J Nutr* 2009; **101**: 1113–1131.
12. Sano M, Fukuda K. Activation of mitochondrial biogenesis by hormesis. *Circ Res* 2008; **103**: 1191–1193.
13. Gems D, Partridge L. Stress-response hormesis and aging: "That which does not kill us makes us stronger". *Cell Metab* 2008; **7**: 200–203.
14. Piantadosi CA, Carraway MS, Babiker A, Suliman HB. Heme oxygenase-1 regulates cardiac mitochondrial biogenesis via Nrf2-mediated transcriptional control of nuclear respiratory factor-1. *Circ Res* 2008; **103**: 1232–1240.
15. Gomez-Cabrera MC, Domenech E, Romagnoli M, Arduini A, Borras C, Pallardo FV, et al. Oral administration of vitamin C decreases muscle mitochondrial biogenesis and hampers training-induced adaptations in endurance performance. *Am J Clin Nutr* 2008; **87**: 142–149.

太田 本日は皆さんお忙しいところ、お集まりいただきまして、ありがとうございます。今日は『ミトコンドリア医学のひろがりと発展』というテーマで、先生方にお話しいただきたいと思います。

先生方は、若いころからずっとミトコンドリアの研究を、おそらく30年以上、この道一筋でされてきたわけです。30年も研究を続けていると本質的なところは解決してしまってやることがなくなってしまい、重箱の隅をつつくような話ばかりになってしまふということをよく耳にしますが、このミトコンドリア分野はますます発展してきて、重要な発見が続いているわけです。また、いろいろな医学分野とのかかわり合いが出てきました。

この座談会では、今までのこのミトコンドリア分野の発展といろいろなほかの分野とのかかわりも含めて、これから夢についてお話ししていただきたいと思います。ミトコンドリアには遺伝子があり、エネルギーとも、細胞死とも、カルシウムや活性酸素といったシグナルとも関係しますので、病気にかかわるのは当たり前ですが、逆に当たり前ということで明確な証拠がなくても、なんとなくミトコンドリアが原因にされてしまいかねないところがあります。きちんとした研究法に

基づいて、ひとつひとつ明確にしていくことが大事だということについても語っていただきたいと思います。

2009年は、ミトコンドリア病が特定疾患に認定されました。10月1日からと聞いていますが、そういう意味で記念すべき年になると思います。さらに、ミトコンドリア病以外のいろいろな疾患との関係がはつきりしてきて、その分子メカニズムが明らかになってきました。

※ミトコンドリアの基本について図1~3に示しました。

## ● ミトコンドリアは30年前に ゲノム研究の時代に

太田 まず、おひとりずつ簡単に自己紹介として、現在まで行ってきたことを背景も含めてお話しいただき、今後の課題へ話をつなげていただきたいと思います。とくに予想外の経験などがあれば、紹介いただければと思います。

では、田中先生からお願いします。

田中 私が30年前に研究を始めたころは、ミトコンドリア酵素のシトクロムcオキシダーゼの

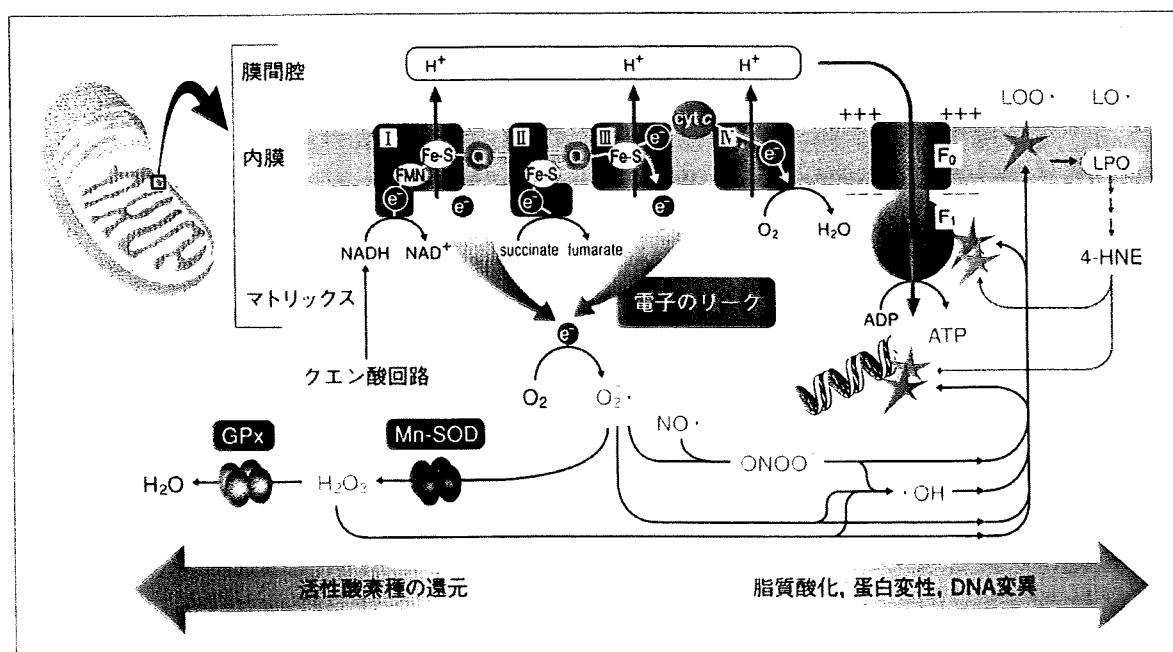


図1 ミトコンドリアの呼吸鎖とATP合成酵素の概略と活性酸素種の還元消去系

I, II, III, IVはそれぞれ呼吸鎖複合体(complex) I, 複合体II, 複合体III, 複合体IV, Fe-Sは鉄-硫黄クラスター。(図提供: 太田成男)

精製をしていました。ウシの心筋を 10 kg とか 20 kg すりつぶし、ミトコンドリアを 1~2 l とるのです。そこから酵素を精製してエネルギーはどうやってできるかを考えていました。私は医学的な背景がありますので、それを病気の研究に応用できなかっただと思っていたところ、ミトコンドリア病の患者さんの筋肉が送られてきました。そこからミトコンドリアを単離したり、抗体を使って分子的な欠損を明らかにするという研究から、医学応用に入っていきました。

Western blot などをよくやっていたのですが、その間に、あるミトコンドリア病患者にミトコンドリア DNA の欠失が見つかり、その後、ミトコンドリア病の病因となる点変異を見つける競争がすぐにはじまって、ミトコンドリア研究はタンパク質からゲノム研究の時代に急速に変わりました。

私はその後、ミトコンドリア遺伝子の多様性に興味をもち、変異だけではなく塩基配列の多型がヒトの疾患にどうかかわるかということを考えはじめました。パーキンソン病を研究し、それから長寿の人を研究し、いまは生活習慣病などに関係する多型を探しています。

太田 われわれ全員に影響を与えた出来事の 1 つは、ミトコンドリア病が見つかったことですね。昔、「ミトコンドリアが原因の病気はあるのか」という話題があがったのですが、「ミトコンドリアは必須で少しでも変化すれば致死的なので、そんな病気はないだろう」と、たしか若いころ田中先生や林先生ともお話ししたような気がします。死には至らないミトコンドリアのほんの少しの変化が病気につながる、あるいはリスクとなるということは、当時はちょっとと考えつかなかったことでし

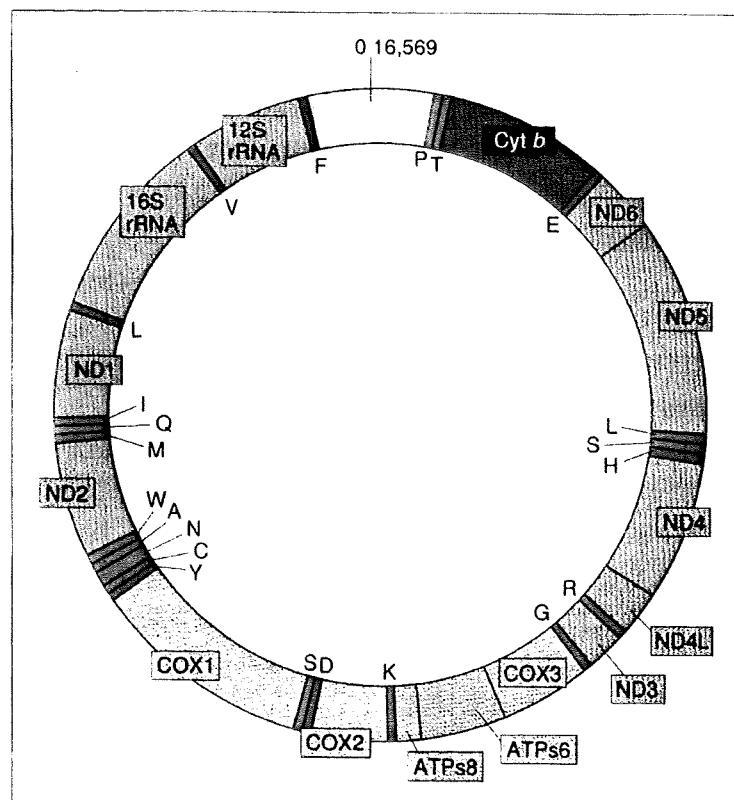


図 2 ミトコンドリアDNAの概略

12SrRNA, 16SrRNA はリボソーム RNA 遺伝子、ND1, ND2, ND3, ND4, ND4L, ND5, ND6 は呼吸鎖複合体 I のサブユニット遺伝子、Cyt b は複合体 III のサブユニット遺伝子、COX1, COX2, COX3 は複合体 IV のサブユニット遺伝子、ATPs6, ATPs8 は ATP 合成酵素のサブユニット遺伝子、“FVLIQMWANCYSDKGRHSLETP” はそれぞれのアミノ酸(一文字表記)に対応する tRNA 遺伝子を示す。(図提供：太田成男)

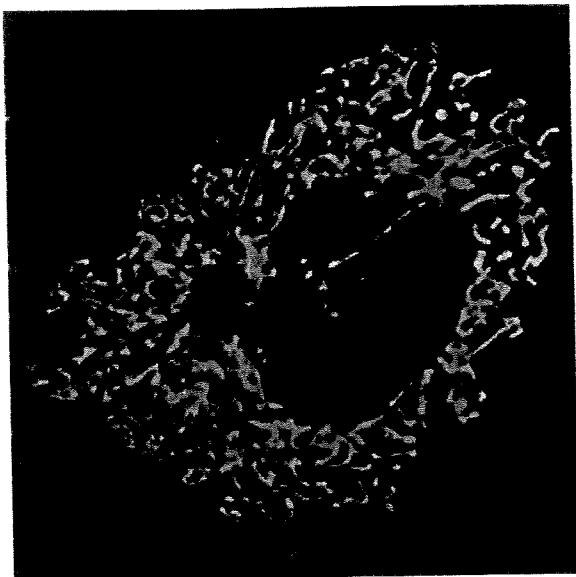


図 3 生きた細胞のミトコンドリア

ミトコンドリアを特異的に蛍光染色する MitoTrackeRed で HeLa 細胞を処理し、共焦点レーザー顕微鏡で写真を撮った。赤色がミトコンドリア。(写真提供：太田成男)

たね。

### 寄生虫ミトコンドリアの研究が ヒトの抗がん剤の開発に

太田 つぎは北先生お願いします。

北 ミトコンドリア病は私にも、とても関係があります。もともと大腸菌の呼吸鎖を研究していたのですが、酸素分圧が高いか低いかで、呼吸鎖が大きく変わることに興味がありました。このようなエネルギー代謝のスイッチがおもしろくなつて、「真核生物でも同様なものがあるのではないか」と考えるようになりました。回虫が同じようなシステムだということを聞き、順天堂大学の寄生虫学研究室に移ったところ、すぐ前に脳神経内科の研究室があり、ちょうどミトコンドリア病の話と出会ったのです。私はミトコンドリアを精製することと酵素活性の測定は得意でしたので、助教授の先生からぜひひと協力を頼まれました。興味としては大腸菌の呼吸鎖の変化からはじまったのですが、ミトコンドリア病の研究と回虫の研究を同時進行でどんどん進めていくようになりました。また、寄生虫のミトコンドリアはわれわれ幅

乳類と違うので、とてもよい薬のターゲットになると当時から考えていました。

もう一つは、寄生虫のホストとしてのヒトミトコンドリアの研究、とくに呼吸鎖が対象です。私の場合には、呼吸鎖酵素のなかでもプロトンポンプ活性のない complex(複合体) II をずっと研究していて、「なぜそんなおもしろくないものをやるんだ」と言っていたのですが(笑)、こつこつとやってくると道は開けてくるものです。最近はがんとの関係に新しい展開を導入することができました。hypoxia-inducible factor(HIF；低酸素誘導因子)の誘導物質としてコハク酸があります。Complex II の機能低下によって基質のコハク酸が蓄積すると HIF が増加します。つまり嫌気的状態と同じような状況が起こる。最近、ある種のがん細胞、たとえば膵臓癌では、酸素のない場合の ATP の合成システムが回虫と同じ戦略を使っていることがわかつきました。そこで、ここをターゲットとする薬、やさしく言いますと寄生虫の薬でがんを治すことができる可能性がある。

太田 いわゆる“虫下し”ですよね。

北 そうです。昔は考えていただけのことが、実際にデータとして出せるようになってきました。非常に思いがけない展開になりました。

この発展については、薬の開発のところでまた話をしたいと思います。

### がん転移に関係していた ミトコンドリアDNA

太田 では、林先生お願いします。

林 懐かしい話が出ましたが(笑)、私もちょうど 30 年前に埼玉県立がんセンター研究所に勤めていて、もらったテーマは、がんとミトコンドリアの関係を明らかにすることでした。北先生が話されたように、がん細胞にはハイポキシア(低酸素)状態でも生存するという、いわゆる Warburg 効果があり、「どうもミトコンドリアとがんとは関係があるようだ。しかも、ミトコンドリアのなかにどうやら独自の DNA があるらしい」という時代でしたので、ミトコンドリア DNA の変化はがんと関係があるのではないだろうか、ということでス

タートしました。最初は「TCA サイクルが下がるから代償的に解糖系が上がる」という仮説だったので、解糖系はがんにより働いているが、TCA サイクルが必ずしも働くくなっているわけではなかった。ごく最近は、TCA サイクルが下がらなくても解糖系は上がるし、HIF などが安定化することで低酸素状態でも生存できるという考えが見直されている状況にあります。

ただ、だからといって本当にがん化にミトコンドリア DNA が関係しているかどうかは、まだはっきりしていません。私ががんセンターで研究をはじめたころ、ミトコンドリア DNA を正常細胞とがん細胞で交換してみても変化が見られなかつた。つまり、がん細胞由来のミトコンドリア DNA を正常細胞に入れても正常細胞のままだし、正常細胞のミトコンドリア DNA をがん細胞に入れてもがん細胞のままだつた。これは、がんセンターをやめるか、テーマを変えなくちゃいけないかと思いました(笑)。

ただ、ちょうどそのときに先生方が話されたミトコンドリア病が出てきました。医学に関係あることなら研究を続けてよいのでは、と言っていた。その際、がん研究のためのミトコンドリア研究のテクニックがミトコンドリア病の研究に応用できるだろうということが考えられ、当時、名古屋大学にいらっしゃった田中先生や自治医大にいらっしゃった太田先生とともに共同研究させていただきました。私たちが若かりしころ、本当に研究に燃えて、第一線の研究をさせてもらえたという思い出がよみがえってきました(笑)。

おかげで埼玉がんセンターにもいられたのですが、がんとミトコンドリア DNA の関係は明確には見られなかつた。それが見えてきたのは、筑波大に移つてしまらくしてからですね。もしかすると、正常細胞ががんになるときではなくて、がん細胞が悪性化するときに関係するかもしれない、でも、そんなことはありえないだろうと考えた。しかし、それを否定しようと思ってマウスの細胞で実験をはじめたら、ミトコンドリア DNA の変異が悪性化に関係していた(石川、林の項、729 頁参照)。これは非常に大きな驚きだったのです。

ミトコンドリア DNA の変異は実際に Warburg

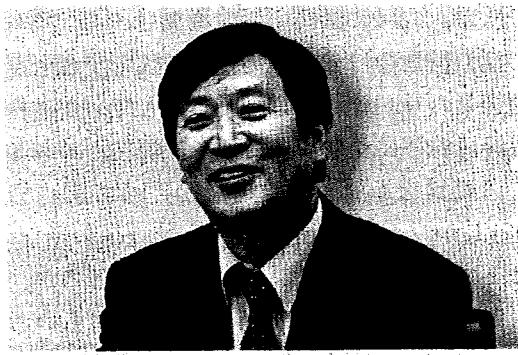
効果を引き起こし、解糖系を上げることもあるのですが、同時に活性酸素も増加させる。実は、この活性酸素のほうが悪性化の原因で、血管新生を誘発したり、細胞死を抑えることで、がん細胞の生存・転移につながつていた。現在、われわれはこの変異をもつたマウスをつくって調べています。しかし、これはあくまでもマウスの話なので、ヒトで同じような変異がどの程度あるのか、転移にどれだけ関係しているのか、転移にもいろいろな原因があるので、たとえば 100 例あつたら、そのうちどのくらいがミトコンドリア DNA が原因なのかというのは、いまはまったく見当がつかない。今後は、そういう方向に研究を進めていきたいと思っています。

**太田** 林先生が話された Warburg 効果ですが、Warburg が提唱しはじめたのは 80 年も昔のことです。ミトコンドリアは昔からいろいろな面で注目されてきました。Warburg がノーベル賞を受賞された後もミトコンドリアに関する研究で今までに 7 回ノーベル賞がとられていますので、今後もミトコンドリアに関してノーベル賞が出るのではないかと期待しているわけです。

われわれの世代ですと、ミトコンドリア病が見つけられた時期がちょうどオーバーラップしています。この病気をどう解決するかを目標に、ミトコンドリアを扱うテクニックや考え方を開発され、それからミトコンドリアの概念もずいぶん新しくなってきました。それがいま、いろいろな疾患の研究に使われているという意味では、これらの基礎となる研究が医学の発展につながつているのだと思います。

## ミトコンドリアDNAと疾患のリスク —遺伝子多型とさまざまな疾患

**太田** つぎに田中先生のご専門と関係があると思うのですが、ミトコンドリアはエネルギーを使い細胞死を制御する場所という観点から、糖尿病、脂肪肝といった疾患におけるエネルギー代謝との関係が注目されてきており、またパーキンソン病や統合失調症などの神経精神疾患とも関係していることが明らかになってきています。これらの疾



太田成男 おおた しげお

日本医科大学大学院医学研究科加齢科学系専攻細胞生物学分野 教授、同大学老人病研究所 教授。1974年3月 東京大学理学部卒、1979年3月 同大学院薬学系研究科博士課程修了、1979年4月 群馬大学医学部助手、1980年6月 同講師、1981年12月 スイス国バーゼル大学バイオセンター研究所研究員、1985年2月 自治医科大学講師、1991年11月 同助教授、1994年10月より現職(日本医科大学老人病研究所教授)、2003年4月より同大学院医学研究科加齢科学系専攻細胞生物学分野 教授(兼任)。

患に対して、ミトコンドリアはどのぐらい影響を及ぼしているのでしょうか。人間の病気は非常に複雑ですから原因は1つだけではなく、多くの関係があると考えられます。とくにがんでも、直接的な原因なのかあるいは悪性度に関係するのか、全体的なところをきちんとつかみながら考えないと言い過ぎになってしまふこともあるでしょうし、あるいは見逃してしまうこともあるかもしれません。その点、田中先生から見てミトコンドリアはどのぐらい、いろいろな疾患に関係しているとお考えでしょうか。

田中 仮説をさまざまな疾患で一度に検証できるように、岐阜県で約3,000人の生活習慣病の患者さんを対象に研究をさせていただきました。それぞれのミトコンドリアDNAのタイプ、ハプログラーブを分析して、糖尿病の疾患感受性に関係するもの、メタボリック症候群に関係するもの、心筋梗塞、脳梗塞に関しても、それぞれ危険因子または防御因子になるタイプを見つけることができました。それぞれの寄与度は少ないかもしれません、たとえば感受性が2倍ぐらいになっている

人が日本人の5%にいるというようなことは証明できたと思っています。

また、パーキンソン病とかアルツハイマー病に関しては研究が進んでいないのですが、私の研究所では約30年前から剖検例の収集をはじめました。現在、約7,500例を対象にして、凍結組織やパラフィン包埋切片を用いてミトコンドリアDNAのタイピングが終わりました。いろいろな疾患、成人発症性疾患にどう関与しているかということは、これから解明できると期待しています。

太田 核の遺伝子の多型、たとえば高血圧症や糖尿病のなりやすさと関連する多型が報告されています。それらと比較して話していただければ、「こんなにリスクが大きい」、「これしかリスクとしてはないのか」と、わかりやすいと思いますが、いかがでしょうか。

田中 近年、大規模関連解析が多く行われ、核の遺伝子多型の common diseaseに対する寄与度がわかってきてますが、なりやすさ(オッズ比)はせいぜい1.3とか高くて1.5ぐらいしかありません。ミトコンドリアDNAの多型を調べますと、それぞれの多型は一般の集団で40%や20%、低いものになると5%とか10%しか頻度がないのですが、これを調べて見つかってくるものは、オッズ比が3とか結構高い、つまりリスクが3分の1になったり、3倍になったりする多型がやっと見つかってくる。核の遺伝子の多型より多くの検体数を調べないと信頼性が出てこないのですが、3,000例は低頻度でもオッズ比の高いものだけがやっと見つかる検出力(パワー)になっているわけですね。

核の多型も現在は common な変異ではなく、頻度の低いものを探していくという方向が出てきているのですが、ミトコンドリアの場合はすでに相当詳細な塩基配列の決定が行われているので、先行しているのではないかと考えています。

林 ミトコンドリアDNAは短いから多くの例数を調べやすいと思います。核の場合はサイズが非常に大きいので、対象をある特定の遺伝子に制限することになります。核ゲノムは長過ぎ、遺伝子が多すぎるため、全ゲノム配列解析はまだあまり

多くあるわけではないのでは？

**田中** 核の場合は多型頻度が5%以下であると研究対象にしないとか制限を設けています。また、ゲノムのなかの間隔で言うと相当間延びした解析しかできていないと思います。ミトコンドリアの場合は日本人の多型はすべて把握できているので、140数カ所を一度に分析するというシステムでやっています。

**林** 頻度を比較するときに、ミトコンドリアDNAは全部簡単に決められるので、対象数もどんどん増えていきます。一方、核の場合はある特定の領域の遺伝子を見ていくのですが、本来の原因遺伝子を見逃すということはないのでしょうか。

**田中** 最新のビーズチップなどで一度に調べられる多型部位は約1メガです。100万カ所のSNPとコピー数多型を見るというものが実用化されています。しかし、それでも標的となる多型部位の間隔は1~3kbです。詳細な塩基配列を決定するために次世代シークエンサーも現在方々で導入されていますが、日本の場合、その性能を活かし切るだけの手当てができるかどうかが問題だと思います。1,000人ゲノム計画などは、日本人のDNAを含めて北京で解析が行われています。

核を中心で、ミトコンドリアはサポートみたいに思っている人が結構いるのですが、今までわかった範囲では、ミトコンドリア遺伝子の多型のリスクとしての影響は核よりも大きいというのが現実だと思います。

## ● ミトコンドリアDNAと核DNA ——期待される変異マウスのバンキング

**太田** いま、ミトコンドリアといろいろな疾患との関係を調べる研究が多くのところでされてきています。ミトコンドリアを多くの人が注目してくれるのはわれわれにとってはありがたいことですが、最初からミトコンドリアが原因と決めつけては、重要なことを見逃すかもしれません。林先生はずっとミトコンドリアDNAの役割について厳密な研究をされてきたわけですが、ミトコンドリア研究では、こういうところをきちんと考えないといけないといった助言はありますでしょうか。

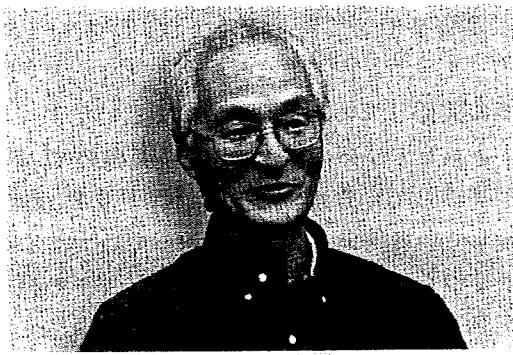
**林** ミトコンドリアDNAとミトコンドリアの機能は切り離して考えなくてはいけないと思います。ミトコンドリアDNAがミトコンドリアの機能に関係しているというのは正しいです。しかし、ミトコンドリアの機能は複合体も含めて、核DNAが関連している部分とミトコンドリアDNAが関連している部分と両方合わさって巨大なオルガネラをつくっています。どこからどこまでがミトコンドリアDNAがかかわっていて、どこからどこまでが核DNAがかかわっているのか、両方関連しているところもあるでしょうし、独立なところもあると思うのですが、区別をつけるとしても、ミトコンドリア全体のオルガネラを理解するのはとてもできないので……

**太田** でも、林先生ができなかったら誰もできないということになってしまいます(笑)。

**林** いや、全体ではいろいろなおもしろい現象がありますが、まずはミトコンドリアDNAだけに限定して、そこに変異が起こったら生命現象としてどのような表現型が出るかを網羅的に調べ、全体から引き算したら、残りが核DNAの関連ということにもなります。

そのためには、やはり非常に多くのモデルマウスをつくる必要があります。培養細胞だけでは表現型が病気にかかわるのかどうかはわかりませんので、やはり生きているマウスで多くのミトコンドリアDNAの変異の影響を見なくてはなりません。

核遺伝子では変異遺伝子を導入することが可能ですが、ご存じのように、人工的にミトコンドリアDNAに変異をつくり、ミトコンドリアに入れてやることが今のところできません。いろいろなところでこの方法を開発しようと研究されていますが成功していません。ミトコンドリアDNAは多数コピーであり、ミトコンドリア自身も二重膜で覆われているためかもしれません。したがって、特定の体細胞変異のあるミトコンドリアDNAだけをもつ培養細胞をなんとか工夫して分離して、そのミトコンドリアをES細胞に入れて、ミトコンドリアDNAの変異をもったマウスをつくるという研究が必要になってきます。いろいろな変異を入れたマウスをバンクとしてもつことによって、そのマウスがミトコンドリア病になるのか、



林 純一 はやし じゅんいち

筑波大学大学院生命環境科学研究科情報生物科学専攻教授。1977年3月 東京教育大学大学院理学研究科博士課程動物学専攻修了。同年6月 埼玉県立がんセンター研究所生化学部研究員(この間、1985~1986年 テキサス大学健康科学センターダラス校研究員)、1988年4月 同主任研究員。1993年4月 筑波大学生物科学系助教授、1998年11月より現職(この間、2002年4月~2005年3月 筑波大学生物学類長、2005年4月~2008年3月 筑波大学第二学群長、生命環境学群長)。

糖尿病になるのか、精神疾患もどこまでかかわってくるのかを明らかにすると、ほかの研究者の参考にもなるだろうと思います。

太田 そうですね。私のところにもいろいろな研究をされている方から電話がかかってくるのですが、とくに「ミトコンドリアのタンパク質が変化した、それが原因ではないか」というような話は結構あるのです。ところがミトコンドリアは二次的な影響も受けやすいので、原因なのか、結果なのかというのはなかなか難しく、多くの場合は原因ではなくて結果なのです。

\*<sup>1</sup> NAC(N-acetyl cysteine): 活性酸素種(ROS)を除去するために、もっとも一般的に用いられている薬剤。

\*<sup>2</sup> エピジェネティックなコントロール: 後成遺伝学的調節、つまり遺伝子の発現が遺伝子の突然変異を作わずに何らかの因子により可逆的に調節(コントロール)されること。多くの場合、ヒストンの修飾や遺伝子の転写調節領域の塩基修飾による。これに対しエピジェネティックなコントロールの場合は、遺伝子の突然変異によって遺伝子発現や遺伝子の機能に差が生じ、不可逆的でもとに戻ることはない。

## ミトコンドリアDNA枯渇と核DNA不安定性——がんの悪性化に関与?

田中 林先生のがんとミトコンドリアとの関係ですが、細胞のなかで鉄・硫黄クラスターの唯一の供給源がミトコンドリアであり、酵母ではミトコンドリアDNAのコピー数を減らすと鉄・硫黄クラスターができなくなります。その結果、それを必要とする核ゲノムの修復系の働きが悪くなるということが報告されています。関係する酵素としては、ヘリカーゼは塩基除去修復に関係し、プライマーゼはDNAのラギング鎖を合成するのにかかります。

林 遺伝子の修復ができない死んでしまうと。

田中 ええ、ミトコンドリアの機能が悪くなるとLOH(ヘテロ接合性消失)が出てきて、いろいろな遺伝子が修復できなくなった状態が起こるわけです。がん細胞で、たとえばミトコンドリアDNAの機能がなくなるとか枯渇が起こることが、核のほうの変異促進にかかわっているのではないか、という仮説です。がん細胞の悪性度が高まる原因に、二次的にミトコンドリアの、たとえばDNAの枯渇が核の不安定性を高めているという可能性があると思うのですが、いかがでしょうか。

林 私たちの系は可逆的で、たとえば活性酸素種(ROS)を出している高転移性のがん細胞にNAC(N-acetyl cysteine)<sup>\*1</sup>を加えてROSを除去すると転移性が落ちるというもので、いわゆるエピジェネティックなコントロール<sup>\*2</sup>の下にあって遺伝的な変異ではないと思っています。われわれの見た現象はあくまで可逆的なんですね。

でも、ゲノムの不安定性はがんの大きな特徴ですし、ミトコンドリアDNAの枯渇なり、機能喪失が核の遺伝的不安定性を誘導しているということはあるかもしれないですね。

田中 アメリカの研究者が、たとえば $\rho^0$ 細胞(ミトコンドリアDNA欠損細胞)をHeLa細胞とか、オステオサルコーマ(骨肉腫)からつくるとゲノムがどんどん変化していく。それでもミトコンドリアを入れ直すと核の遺伝的不安定性はそこでなくなる、ということを言っていますよね。 $\rho^0$ をス

タートとしてわれわれはよく実験を行っているのですが、継代を続けていくと、もとの細胞の状態と違ってしまう。

太田 わたしの経験でも、そうですね。

林 核遺伝子の変化が $\rho^0$ の間は進むけれど、ミトコンドリアを入れ直したときにそれ以上進まなくなるということですが、定量的にはどうやって見ているのでしょうか。

田中 染色体の安定性をFISH(fluorescence *in situ* hybridization)で見て、変化が止まるということだと思います。ローズウェルパークがん研究所の研究者が最近それを主張しているようです。

太田 つまり、ミトコンドリアDNAが核のゲノムの安定性を規定しているということですね。それに加えて、 $\rho^0$ に野生型のミトコンドリアDNAを入れると、多核体になりやすくなりますよね。林先生からいただいた細胞も染色体数が倍になっていたのもあった。

林 それで、ふつうに増えている？ それは知らなかつた。

太田 それは、すぐ言わないといけなかつた(笑)。ずいぶん前にわかっていて、伝えてあるとばかり思っていました。

### ミトコンドリアDNA変異の蓄積と老化

#### —変異ミトコンドリアDNAポリメラーゼγの導入実験

田中 もう1つ、老化とミトコンドリアDNAの変異の蓄積との関係が大きな課題だと思うのですね。たとえば校正機能を低下させた変異DNAポリメラーゼγ遺伝子を導入したマウスは、ミトコンドリアDNAに変異が蓄積するだけでなく細胞数がどんどん減りますが……

林 アポトーシスで？

田中 ええ、そうではないかと言われていますよね。しかし、あまり酸化ストレスは高くなく、ROSは発生していないようです。むしろ組織幹細胞、前駆細胞が何かが再生できなくなっている。ミトコンドリアの機能が低下すると組織幹細胞の維持ができなくなって老化症状が起こる、という仮説が出されていますよね。

加齢した動物や人間で調べると、ミトコンドリアDNA変異はあまり多くないですが、変異が蓄積した細胞は排除されている。もしも何か変異蓄積を促進する因子が加われば、早く老化をもたらすことになる。

このような仮説で林先生の欠失型ミトコンドリアDNAをもつ動物モデル(ミトマウス)などでは、説明がつくと考えられますでしょうか？

林 ミトマウスは老化の表現型を出しません。また先の例のがん転移が促進される変異をもつたマウスはROSを額面どおり出してはいませんが、このマウスを老化させてみないと何ともいえません。ただし産まれてくるので致死ではないということはわかりました。Germ line(生殖系)を経ているということは、致死性ではないですね。

太田 だけど、それが普通の病気なわけですよね。生まれなかつたら病気にならないわけだから、先ほど話しましたように、それも原因と結果がどちらなのかという問題ですね。なくなったものは見えないわけですから、たとえば、よく言われるのは、アルツハイマー病の脳を見るとアポトーシスが見えない。しかし、アポトーシスを起こした細胞は消えてなくなっているのですから見えるはずがない。なくなったものをないと言っても、過去にあつたかどうかということはなかなか証明できないわけですね。

林 ミトコンドリアDNAポリメラーゼγの校正機能<sup>\*3</sup>を失わせると高頻度でミトコンドリアDNAに変異がたまり実際に呼吸欠損になります。しかし、その後にアポトーシスが起こるという考え方には、本当にそれが正しいのかどうかはまだわからないと思います。

田中 そうでしょうね。そこは確かめられていないですね。

林 通常であればゆっくり分裂するのが、アポトーシスで細胞がどんどん死んでいったときに幹

<sup>\*3</sup> ミトコンドリアDNAポリメラーゼγの校正機能：ミトコンドリアDNAの複製は核にコードされているDNAポリメラーゼγによって行われる。この酵素がもつ複製時の校正機能を異常にしたマウスでは、ミトコンドリアDNAの複製ミスが校正されずに体細胞突然変異として蓄積し、呼吸欠損や早老症の症状が発現し、かつ寿命が短くなることが報告されている。



北 潔 きた きよし

東京大学大学院医学系研究科国際保健学専攻生物医学教室 教授。1974年 東京大学薬学部卒、1980年 同薬学系研究科博士課程修了。1980年 東京大学理学部助手、1983年 順天堂大学医学部助手、講師。この間 1984～1985年 国際協力事業団パラグアイ厚生省中央研究所プロジェクト・チームリーダー。1991年 東京大学医科学研究所助教授。1998年3月より現職。2003～2006年 日本寄生虫学会理事長。2009年 日本生化学会会長。

細胞にストレスがかかるとします。分裂してテロメアが短くなって、そのせいかどうかはわかりませんが、本当にアポトーシスが誘導されるのであれば、なぜそのアポトーシスが誘導されたのか。たとえば、われわれのつくったミトマウスはそんなにアポトーシスが誘導されていないので、むしろ呼吸欠損になると ATP が枯渇してアポトーシスに必要なエネルギーがなくなるためにアポトーシスができなくなるのではないかと思われるぐらいです。その辺は、ミトコンドリア DNA ポリメラーゼγの校正機能が失われたマウスでは、変異が蓄積する原因がわかつていて老化が促進するという結果もきれいに出ているのですが、その間がまだブラックボックスでわかりません。アポトーシスが起こっている。しかし、呼吸欠損でも、ROS は出でていないという話のようなので……

北 ROS があまり発生していないという点についても ROS でダメージを受けたかどうかの結果を見ているので、細胞が死んでしまうと見えないわけですよね。だから、ROS が出でていないと言うのも難しい。

太田 アポトーシスか、そうでないメカニズムで

死ぬかということは、最近は、その境があいまいになってきています。アポトーシス研究会を10何年続けてきましたが、今年から名前を“日本 Cell Death 学会”に変えました。死に方は何でもかまわない、アポトーシスにこだわっては道を踏み外す、ということで変えたわけです。老化すると細胞が減るのは確かですので、細胞死と大きくかかわっているという面でも、ミトコンドリアは老化を予防するキーポイントになるのではないかと言われているのだと思います。

## 活性酸素、ミトコンドリアDNAのコピー数と老化は関係するのか？

北 石井直明先生(東海大)の *mev-1* は寿命が短くなる線虫の変異体を分離したのですが、complex II のアミノ酸が違っただけでミトコンドリア内膜から電子がリークしやすくなつて、活性酸素が発生しやすくなっています。活性酸素が多く出でいると、ミトコンドリアを取り出しても *in vitro* で活性酸素を見ることがあります。*in vivo* でそんなに出でいたら寿命が短くなるということですが、生理学的なこととの間のギャップを、どう埋めるかというのがなかなかむずかしい。

太田 そうですね。

北 一般の人にはわかりやすいし、間違いなく活性酸素が老化の原因だと思うのですが、逆にそれをあまり言うと、怪しげな研究者集団だと思われるかもしれません(笑)。その意味では、生理学と両輪で研究していくことがすごく重要なだな、と思うわけですね。

田中 ROS の量自体が細胞内のミトコンドリアのコピー数を決めているというのはどうでしょうか。分化した細胞ではミトコンドリアが多いですが、酸化ストレスもはるかに大きいですよね。未分化の細胞に比べれば必ず酸化的状況にあります。

そこから老化が進むとミトコンドリア DNA などが減少していき、ミトコンドリア自体の数も減ったりしますよね。だから、サルコペニア(筋肉量減少)とかオステオペニア(骨減少)、さらに筋減弱症や骨粗鬆症の共通の原因として“マイトイニア”とでも言いますか、コピー数がどんどん減つ

てきてしまう。それが老化に伴ういろいろな予備能の低下につながるのではないかとも思います。

**林** それはコピー数が減ることで、先ほど鉄・硫黄クラスターのフィードバックがおかしくなるという流れでしょうか。

**田中** ただ、酵母のモデルで鉄・硫黄クラスターがなくなるというのは、相当枯渇の厳しい状態なのです。

**林** 老化は、そうでもないですね。

**田中** ええ、老化しても、ある程度は保たれています。

**林** コピー数が減ったときに老化の表現型にまで至るシナリオは、どう考えればよいでしょうか。

**田中** 老化まではいかなくとも、たとえば糖尿病におけるインスリン感受性を考えますと、ミトコンドリアが働いて代謝系が糖を利用できるようにしているわけですから、ミトコンドリア DNA のコピー数が減れば耐糖能異常やメタボリック症候群のようなことが骨格筋では起こると思うわけですね。インスリンを分泌する側のβ細胞でもコピー数が下がれば、分泌低下が起こるかもしれません。

**林** たとえばさつき話された、骨粗鬆症や老化の表現型とのかかわりはどのようなシナリオでしょうか。コピー数が減って十分な ATP 供給ができなくなると骨幹細胞が細胞死を起こすのでしょうか。

**田中** 老化にともなう細胞数の減少は確実にあるのではないかと思います。少なくとも肝臓では、以前から細胞数が減少すると言われていますので、骨粗鬆症だけではなくて、筋肉の衰えは骨折の原因となるような転倒にも大きく関係しますし、運動できなくなればアルツハイマー病にもつながるかもしれません。

**林** 幹細胞がちゃんとした機能を営めなくなることが老化の基本的な表現型が現れる原因としますと、幹細胞のミトコンドリアのコピー数の枯渇がその引き金になっていると。

**田中** しかし、それは仮説に過ぎなくて、きちんとコピー数を評価することを多くの症例で検証しないといけないと思います。

**林** コピー数の減少は核の、たとえば Tfam あるいは PGC-1α とか、ミトコンドリアの biogenesis

に関連している遺伝子の異常が原因か、ミトコンドリアそのものに何らかの変異が蓄積することによるのか、どこに原因があるのでしょうか。そこが問題ですね。

## ● 運動でミトコンドリアを増やして抗老化

**太田** 逆にミトコンドリアをどうやって増やすのかはわかっています。ATP が枯渇することによってミトコンドリア DNA は増えますし、ミトコンドリア自体も増えます。やはり運動をどう行うかがミトコンドリアの維持に重要です。運動で 90 歳になっても筋肉を増やすことができますので、転ばないで健康を維持するためには運動してミトコンドリアを増やすことが一番よい、という主張をしています。

**北** ROS の出ないミトコンドリアだったら？

**太田** ええ、ROS の出ないミトコンドリアとは何かと考えますと、ミトコンドリアがたくさんある細胞にたどり着きます。つまり 1 つ 1 つのミトコンドリアが ATP をつくる量が少なくなるわけですから、1 あたりの負担も少なくなって ROS も出ない。ミトコンドリアをたくさん増やせば老化も進まないし、長く元気で暮らせる。それを証明したいと思っています。

**林** その運動はどのような運動なのでしょうか。aerobic(有酸素)な？

**太田** aerobic というより、少しきつめの運動ですね。85% ぐらいのきつめの運動を加えてやるとミトコンドリアが増えやすい。

**林** 有酸素運動を？

**太田** いや、有酸素運動ではなくて、ミトコンドリアを増やすには無酸素運動くらいの強さですね。

**林** 具体的には、どのような運動でしょうか？

**太田** サーキット運動のような、有酸素運動と無酸素運動を繰り返して行います。たとえば 30 分歩くと有酸素運動になりますが、そうではなくてきつい運動を最初に入れれば、そこですぐ有酸素運動にもなりますし、ミトコンドリアも増えるからよい。ミトコンドリア活性ダイエットというのがあるのですが(笑)、それが老化を予防する方法だろうと思っています。ミトコンドリアのクオリ



田中雅嗣 たなか まさし

東京都健康長寿医療センター研究所老化制御研究チーム健康長寿ゲノム探索研究部長。1978年3月名古屋大学医学部卒、1982年3月 同大学大学院医学研究科博士課程修了、1982年4月 同大学医学部助手、1991年7月 同助教授、1997年4月岐阜県国際バイオ研究所副部長、1998年4月 同部長、2005年1月 東京都老人総合研究所健康長寿ゲノム探索研究部長、2009年4月より研究所の改称により現職。

ティの面から考えても、どのようなミトコンドリアをどう増やすかが大事だと思います。

北 マイトファジー<sup>\*4</sup>という現象もありますが、これはミトコンドリアは高い品質を保っていないと機能が保てないわけで、質の悪いものをどんどん壊していくことですね。ミトコンドリアというのは非常にダイナミックなもので、これはヒトから下等なミトコンドリア生物まで共通していると考えてよいと思います。

太田 その異常なミトコンドリアを除くメカニズムに問題が生じた場合にも疾患につながっていくということだと思いますが、これについて今、いろいろな方面で研究がすごいスピードで進んでいますね。パーキンソン病などがいい例かもしれません。

\*4 マイトファジー：ミトコンドリアを丸ごと分解するための選択的オートファジー（自食作用）のこと。過剰のミトコンドリアや傷ついたミトコンドリアを除去し、ミトコンドリアの量や品質を管理するしくみであると考えられている。（東京工業大学・岡本浩二）

## カロリー制限と活性酸素

### — “良いミトコンドリア”とは？

太田 それから重要なテーマのひとつは、カロリー制限とミトコンドリアの関係ですね。“良いミトコンドリア”を「ATPはちゃんとつくって活性酸素はあまり出さない」ものと設定し、そのようなミトコンドリアはどうやつたらつくれるか、ということをカロリー制限と結びつけて考えているところです。カロリー制限したラットのミトコンドリアは、ATPは十分つくるのですが活性酸素の発生が少ない。

林 それは、単離したミトコンドリアを使って活性酸素を検出するのでしょうか？

太田 カロリー制限したラットから心筋をとってミトコンドリアを単離して、ATPをどのぐらいつくっているか調べる。それで、そこから活性酸素がどのぐらい出るかを測ると、活性酸素はやはり少ないと。

林 単離して測れるのでしょうか？

北 活性酸素は、実験では見る方法は確かにあります。しかし、普通に生きているときには、そんなに多く出ているわけではないでしょうから、たぶんその蓄積ですよね。

太田 ええ、見えないぐらいしか出ないです。でも、最近は普通の状態の細胞から出るわずかな活性酸素もだんだん測れるようになってきています。

動物レベルでは、活性酸素の影響については、短い期間の研究では結果が出ないので、活性酸素の影響は短期間ではとても小さいので、どうしても長期にわたってその効果を調べなくてはならなくなってしまいます。3、4カ月ぐらいで結果を求めるで、1年とか1年半でやっと結果がうまく見えるという実験をしないといけない。

そうすると、かなり根気が必要で、たとえばマウスを1年半ぐらい飼うのですが、ほかの実験に使われちゃったりするんですね（笑）。そうすると5匹足りないとか、また1年間待たなきゃいけないといったことになりますから、大学院生の研究テーマとしては無理だったり、研究体制の問題も大きいと思います。長くかかる人がいるないと、

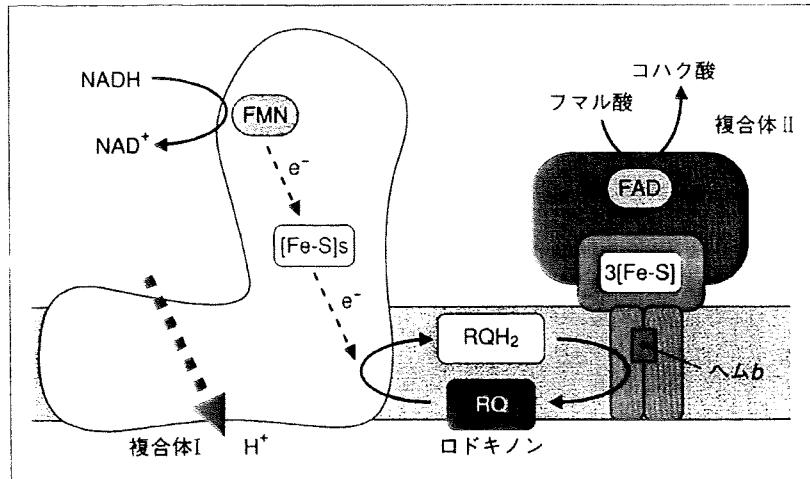


図 4 抗寄生虫および抗がん剤の標的の NADH-フマル酸還元系  
成虫の NADH-フマル酸還元系では、NADH からの還元力は呼吸鎖の脱水素酵素である NADH-ロドキノン還元酵素複合体(複合体 I)によって低電位のロドキノンに伝達され、最終的に複合体 II の QFR 活性によってフマル酸を還元しコハク酸を生成する。(図提供：北 潔)

このような長期の研究はどうしてもできない。長期的にわたって少しずつ出るようなモデルをつくると、人間の歳でいう 80 歳ぐらいに認知症と似たような表現型になってくる。この結果からミトコンドリアから出る酸化ストレスは、やはり大きな影響をもつだらうと考えるようになりました。

### いろいろな生物の多彩なミトコンドリア

**太田** 北先生はいろいろな環境のミトコンドリアを見られているわけですが、環境によってミトコンドリア全体はどのくらい変わるのでしょうか。  
**北** とくに私たちは寄生虫を使っていますので、想像できないぐらいがらりと変わります。

アフリカ睡眠病は病原体のトリパノソーマをツエツエバエが媒介します。これは、ハエのなかにいるときはミトコンドリアもとでも発達していて、完全に酸化的リン酸化で ATP 合成を行います。つまり、人間のミトコンドリアと全く同じ酸素の使いかたです。

ところが、いったんハエが血を吸ったときにヒトに入ってくると、ミトコンドリアの外観は保っているのですが、内部構造のクリステなどはまったくなくなってしまって、ATP の合成は基本的に解糖系が行うようになります。ところが、やっぱりミトコ

ンドリアの呼吸は必要なのです、というのは、解糖系でできた NADH を再酸化しないと解糖系は動かない。NADH の再酸化にミトコンドリアの呼吸系が使われるのです。

別の例もあります。普通 complex II にはサブユニットが 4 つしかない。しかし、ほ乳類のミトコンドリアとは違うシステムがあるのでないかとずっとと思ってきて、探してみると実はトリパノソーマの呼吸鎖にありました。この complex II はサブユニットが 12 個あるのです。このような生物の多様性が薬剤のターゲットになりうるのです。

それから、もう 1 つすごくドラスティックな変化の例は回虫ですが、受精卵が感染幼虫にまで発生するには酸素が必要です。このときのミトコンドリアはヒトとまったく同じです。ところが、体内に入り小腸で成熟するのですが、そのときには呼吸鎖酵素の complex III や IV はほとんどなくなり、complex II では通常のミトコンドリアの TCA 回路の逆反応をし、酸素なしでも complex I の共役部位が働いて ATP を作れるようになります(図 4)。効率は 3 分の 1 ですが、これらは同じ寄生虫のライフサイクルのなかで、ミトコンドリアがまったく違う機能をもつ例です。

また、よく知られているマラリア原虫ではミトコンドリア DNA が短く、ミトコンドリアが退化

しつつある途中なのです。

林 ちなみにトリパノソーマの場合、ヒトに感染した後はミトコンドリア DNA はどうなるのでしょうか。ある意味、必要なくなるように思えますが、存在するのでしょうか。たとえばヒトの体内に入ってしまうと、そこでは必要ないですよね。

北 ミトコンドリア DNA は必要です。酸素のあるところで生きているときには Complex III や IV が必要なので、必ずミトコンドリアは利用されています。

林 すべてではなく、一部しか必要でないと欠失を起こして、小さくなったりしないでしょうか？

太田 でも、生活環のなかで、また戻っていかなきゃいけないですから。

北 究極のものがあるんですよ。最近、一般にも知られてきているのですが、マイツームという、要するに DNA のないミトコンドリアです。たとえばアメーバとかジアルジアとか、原虫という単細胞の寄生虫で酸素のないところで暮らすんですね。アメーバだと大腸とか、トリコモナスはミトコンドリアをもっていないのですが、先祖がミトコンドリアと一緒にというものをもっていて、それは DNA がありません。

しかし、いずれの場合もミトコンドリアの機能は必要です。

太田 人間の場合も、発生過程でも、臓器によつても、病態によっても環境は随分変わるものですね。その環境によってミトコンドリアはどのくらい変わって、機能もどのくらい変わるのかということはとてもおもしろいと思うのですが、それについていかがでしょうか？

北 たとえば形態的には、精子のミトコンドリアと肝のミトコンドリアは明らかに違いますよね。

太田 そうですね。

北 教科書にはこれまで載っていたのですが、分子のレベルで研究してきた人たちは少ないと思います。これも今後の課題ですね。

## ● ミトコンドリア病治療薬開発の現状： アルギニンとピルビン酸

太田 ミトコンドリア病に対する薬については、

古賀靖敏先生の研究についてはいかがでしょうか。治療薬について田中先生に欠席裁判をお願いできますでしょうか。

田中 久留米大学の古賀先生が行われている臨床試験は、MELAS で脳梗塞に似た脳虚血が起こるメカニズムとして、NO 不足を考えることによります。その NO のもとになるアルギニンを投与することによって血管の拡張<sup>ひん</sup>のようなものがよくなるのではないか、という期待ではじまったわけですね。

いまのところは、血管はむしろ拡張しているという意見もありますが、それでもアルギニンは効果があるので、NO 産生以外のメカニズムがあるのでないかと期待されて研究が続けられていると思います。

一方、私が対象としているのは Leigh 脳症というもっと重症のタイプで、ピルビン酸を投与しています。シトクロム c オキシダーゼの機能欠損やピルビン酸脱水素酵素欠損症の方にピルビン酸を飲んでいただくと、ピルビン酸は乳酸になるときに NADH の過剰を緩和してくれます。ミトコンドリアは NADH を酸化してなくしてくれるわけで、NAD が再生されて解糖系を進めることになります。私のピルビン酸療法は、ミトコンドリアはもうあてにできないと考え、解糖系をいかに ATP 供給源にするかというものです。乳酸が高くなり過ぎているときにピルビン酸を与えることによって、解糖系を賦活化できるのではないかと考えています。数例の患者さんに試していただいて、有効であるということを報告しています。



## ミトコンドリアをターゲットとした新しい抗がん剤——“虫下し”の効果

太田 北先生のところで開発されているミトコンドリアをターゲットとする薬の状況はどうでしょうか。

北 1つは先ほどのがんに対する“虫下し”ですが、まだ基礎研究の段階です。でも、実際に江角浩安先生(国立がんセンター東病院)のところで動物実験をしています。将来的には先進国でも非常に使える、ミトコンドリアをターゲットとした薬

になると思います。

**林** がんといつても、いろいろあると思うのですが、どのがんでしょうか。

**北** いま考えているのは肺臓癌や大腸癌で、血管新生があまりない嫌気的な状況、低栄養、低酸素環境のものですね。実際に *in vitro* の実験でもグルコースを除いて、はじめて、がん細胞に回虫と同じような代謝(図4)が働きはじめます。がん細胞は強いですから、酸素をかなり低濃度にしても生きているのです。そのときにメタボローム解析で調べたら、コハク酸がたまっていたわけです。要するに回虫と同じ嫌気的ミトコンドリアの系が動いていて、そこに虫下しであるピルビニウムを入れるとその嫌気的反応も阻害されるので、その細胞は死んでしまうというわけです。

**林** 解糖系は抑えられるのですか。

**北** グルコースがないので、解糖系は動かないのです。

**太田** 栄養がないから動けないということですね。

**北** そうですね。炭素源はアミノ酸で、実際に慶應大の曾我朋義先生のグループと一緒にがんの組織を直接メタボローム解析すると、やはりアミノ酸を使っているのです。

同じがんでも白血病から固体癌まで全然違うのですが、とくにターゲットとして考えているのは固体癌の中心部あたりで低栄養、低酸素で、血管の新生などが全然ないようなところです。逆に言うと化学療法がなかなか効かないところです。化学療法は肝臓癌など血管新生するところでは、効果がありますが、肺臓癌だとあまり効かない。そのようなときには、このミトコンドリアをターゲットとした薬が使えるだろうと思います。

## ● 実用も近いアフリカ睡眠病に対するTAO阻害剤：アスコフラノン

**北** いま一番力を入れているのは、先ほどもお話ししました、アフリカ睡眠病の原虫がもつ TAO (trypanosome alternative oxidase) というミトコンドリアの酸化酵素の阻害剤です。この酵素はシアン耐性の特殊な酵素なのです。私たちが見つけたアスコフラノンという、これは糸状菌がつくる物

質なのですが、とても低濃度でこの酸化酵素を阻害します。リコンビナントの TAO で測定すると IC<sub>50</sub> が 0.13 nM で、実際に培養した原虫は数分で死んでしまいます。マウスへの投与実験でも血中にうようよいた原虫が、30 分後にはきれいにいなくなります。いまケニアで中型の動物実験をしていまして、ヤギに原虫を感染させるとふつうは間違いなく次の日に死ぬのですが、アスコフラノンを投与すると次の日の朝には檻を破って逃げていってしまうぐらいになります。ヒトの睡眠病も治したいのですが、まずナガナ病という家畜の睡眠病があって、これはアフリカの経済や食糧面でも大きな問題なのですが、これに対しては比較的早い時期に使えるようになると期待しています。

**太田** いまの話ですと、抗生物質の場合は真核生物と原核生物の違いを利用して選択性が高い薬剤を開発しますが、考え方は同じで、ミトコンドリアがヒトと病原体とで違うのであれば、ミトコンドリアをターゲットとした治療薬ができるということですね。抗生物質と同じように副作用がなく、効果が高いものができるわけです。

## ● ミトコンドリア研究の楽しさとは？

**北** ミトコンドリアは基礎生物学としても非常におもしろいのですが、このようなことを見つけると応用研究としてもとても重要だと実感します。一番シンプルだと思っていた complex II でもこのような展開があるくらい、基礎生物学から臨床まで興味が尽きないと同時に、臨床的にもとても大事だと感じます。呼吸鎖をやっていてよかったなと。これから、また大きな展開が出てくると思います。

私は基本的にはずっと基礎分野で研究してきたのですが、実はこの 10 月 (2009 年) から少しギアチェンジをして、基礎も続けるつもりですが、実用化に向けた研究を行っていくつもりです。いまはもう誘導体を 200 ぐらいくつって、たぶん世界ではじめて TAO の結晶化に成功して 2.7 オングストロームでの立体構造解析ができました。ただ、新しいタイプの酵素なので、構造解析にも分子置換法を使えないで、ちょっと時間がかかるついで

るのですが。

淀川長治さんではないですが、ミトコンドリアというのは本当におもしろいですね、と(笑)。

太田 私も、よく「同じものを30年も研究していると飽きないのですか」と言われますが(笑)、飽きないで、ずっと楽しくやってこられていますね。

北 ますます、おもしろくなっていますよね。

林 埼玉がんセンターで一人で研究をしていたころは、論文の数とか責任を果たさなくちゃいけないということが気になって、結局すぐに論文になるような仕事をやっていました。また、がんの研究という制限がありましたので、常にそこに収束していくかなくてはいけなかった。

しかし、大学に来てからは研究の自由と、学生がいて人数が多いということもあり、いろいろなテーマにチャレンジができる。そうすると失敗も多いのですが、自分が最初に思っていたこととは違う、思いがけない結果が出てくる。また、そのときには期待はずれ、でも、後ですごくおもしろくなってくるということがときどき起こりますが、こういった経験はエキサイトします。自由に研究をやっているうちに、たまたま転んで下を見たらよいものを拾っちゃったというような偶然があり、ミトコンドリアをやればやるほどおもしろくなっていくと思っています。

田中 私は若い頃はミトコンドリアを単離しないと研究ができないと思っていたのですが、このごろはゲノム解析という武器でヒトでも研究できるようになりました。

この次は、ミトコンドリアの代謝に注目して、非侵襲的に全身の代謝を測るといった新しいアプローチをしようとしています。非放射性同位元素の基質を飲み、呼気で脳の代謝を非侵襲的に測り、アルツハイマー病の早期診断にも使えるのではないかと思っています。まだまだ、ミトコンドリアを対象に考えれば、新しい画期的な方法が見つかる可能性があると思います。

## おわりに

### —わが国のミトコンドリア研究の現在

太田 ミトコンドリア自体は、小さな細胞内外の変化によって大きく変化するわけですので、ミトコンドリア全体をさまざまな視点で見るといろいろなことがわかってくる可能性があると思います。実際、いろいろな疾患とミトコンドリアの関連についての研究がたくさんされていまして、検索するととても重要な論文がたくさん見つかります。

最近、「mitochondria」と「Japan」というキーワードで検索し、その中からミトコンドリアが主にかかわっている論文を探したのですが、この2年間でどのくらい出ていると思われるでしょうか?

田中 「Japan」というキーワードが入ってですね?

太田 はい。日本人の研究室でどのくらいミトコンドリアを研究しているか、論文が2年間でどのくらい出ているかと。

林 論文ですか。

太田 ええ、実は、100ぐらいあるのです。著者がオーバーラップしないようにしてリストアップすると100カ所ぐらいの研究室から、この2年間でミトコンドリアと疾患の関係の研究が報告されています。

今回の特集号では、ミトコンドリアと疾患について執筆をお願いしたのですが、ミトコンドリアとそれぞれの疾患との関連が分子機構として解明されているレベルにまで到達していると思います。今回執筆していただいた以外のいろいろな疾患についても、ミトコンドリアは重要な役割を果たしていることが実証されてきています。

最後に、ミトコンドリアは常に新しいいろいろな側面があって、疾患との関係を分子レベルで明確にすることで、治療や予防に貢献することができると思います。今後のミトコンドリア医学の発展に期待したいと思います。

先生方、本日はありがとうございました。

(2009年10月15日収録)

## 7 水素水は老化を防げるか？

おおたしげお  
■太田成男

日本医科大学大学院医学研究科加齢系専攻  
細胞生物学分野



**太田成男**  
1974年東京大学理学部卒業。79年東京大学大学院薬学系研究科博士課程修了。81年スイス連邦ハーゼル大学バイオセンター研究所研究員。85年自治医科大学生化学教室講師。92年同助教授。94年日本医科大学教授。研究テーマはミトコンドリア学、細胞生物学、水素医学。様々な疾患へのミトコンドリアの関与の分子機構、酸化ストレスと疾患、老化、水素分子による老年病の予防。

**Key words :**水素分子、酸化ストレス、ミトコンドリア、抗酸化作用、抗炎症作用

### Abstract

水素分子が抗酸化作用を示すことを私たちが発表して以来 (Nature Medicine 2007;13;688), 2年半の間に水素分子の生体への効果について、40報もの英文論文が各地から報告された。水素分子は、生体内シグナルとして働くスーパーオキシド、過酸化水素、一酸化窒素を還元することなく、生体系の代謝を乱さない。水素分子の安全性は確認され、すでに食品として摂取することも認められている。水素分子を水に溶かして摂取すると、抗酸化作用を示すと同時に抗炎症作用、抗アレルギー作用も示すことが明らかにされた。

### はじめに

水素分子( $H_2$ )は、他の気体分子と同様に圧力に比例して水に溶ける。水素分子が溶けた水あるいは液体を水素水と呼ぶことにする。水素分子が水に溶けている状態は、イオン化しているわけではなく( $H^+$ ではなく)，水素分子が水分子の隙間に入り込んだ状態である。

「水素水は老化を防げるか？」という問い合わせ、「老化に伴う疾患の発症を遅らせることが可能か？」という問い合わせに置き換えれば「現段

階では断言できる状況には達していないが、近い将来には、水素水の飲用によって多くの疾患を予防できることが明確になるかもしれない」というのが、現在の私の印象である。

### 1. 培養細胞における酸化ストレスの軽減と細胞の保護

水素分子の抗酸化作用についての研究を、著者らは2005年に着手した。従来は、抗酸化剤の効能を調べるときには、無細胞系で化学物質としての還元性を調べ、動物に食べさせるなどして、抗酸化剤の効果を判定してきたのが一般的であった。著者らは、分子機構を明らかにすることを目的としていたので、培養細胞において酸化ストレスを上昇させて、水素分子の効果を調べた。水素分子は、培養液に溶解し、酸素濃度と二酸化炭素濃度も厳密にコントロールした。培養細胞では、ミトコンドリア呼吸鎖阻害剤を加えることによって、スーパーオキシドイオンラジカル ( $\cdot O_2^-$ ) を発生させたり、フェントン反応によってヒドロキシルラジカル ( $\cdot OH$ ) を発生させたり、選択的にラジカルを発生させることができる(図1参照)。さらに、様々な蛍光色素を使う

Does hydrogen water have potential for preventing aging-related diseases?: Shigeo Ohta  
Department of Biochemistry and Cell Biology, Institute of Development and Aging