			Heterozygote	1.68 x 10^{-4} 0.32 (0.088-1.16)
			Homozygote	0.089 2.88 (1.65-5.05)
rs9599819	*DACH1*	13q21	Allele	0.61 1.11 (0.75-1.65)
			Genotype	5.08 x 10^{-6}
			Heterozygote	5.77 x 10^{-4} 1.73 (1.06-2.81)
			Homozygote	0.034
rs3763022	*SH2TC2*	5q33	Allele	2.18 x 10^{-6} 6.44 (2.53-16.36)
			Genotype	1.78 x 10^{-5}
			Heterozygote	0.17

			Homozygote	5.59×10^{-6} 6.62 (2.54-17.22)
rs12595534	TRPM1	15q13	Allele	4.26×10^{-5} 2.13 (1.48-3.08)
			Genotype	1.10×10^{-5}
			Heterozygote	0.011 8.91 (2.69-29.52)
			Homozygote	5.98×10^{-6} 1.94 (1.19-3.16)
rs10510110	*PLEKHA1*	10q26	Allele	4.93×10^{-6} 2.35 (1.62-3.43)
			Genotype	2.07×10^{-5}
			Heterozygote	9.50×10^{-6} 2.92 (1.25-6.81)

Homozygote	0.014
	3.09 (1.88-5.09)

Genome positions refer to the human March 2008 (build 36.3) assembly. *P* values were calculated for three models (allele, genotype, heterozygote and homozygote) using Fisher's exact test. OR, odds ratio; CI, confidence interval. ORs and CIs were calculated using Woolf's method.

感覚器障害研究事業

緑内障の危険因子の解明による診断法の開発、緑内障マウスを用いた
視神経保護薬の開発と予防・治療法への応用
(H18 - 感覚器 - 一般 - 002)

平成 20 年度　総括研究報告書

主任研究者　　岩田　岳

平成 21 年 3 月