	1997	1998	1999	2000	2001	2002	2003	2004	2005
イギリス	4,393	3,235	2,301	1,443	1,202	1,144	612	343	121
ベルギー	1	6	3	9	46	38	15	11	1
チェコ	0	0	0	0	2	2	4	7	5
デンマーク	0	0	0	1	6	3	2	1	
フランス	6	18	31	161	274	239	137	54	
ドイツ	2	0	0	7	125	106	54	65	
アイルランド	80	83	91	149	246	333	183	126	47
イタリア	0	0	0	0	48	38	29	7	3
オランダ	2	2	2	2	20	24	19	6	
ポルトガル	30	127	159	149	110	86	133	92	28
スペイン	0	0	0	2	82	127	167	137	66
スイス	38	14	50	33	42	24	21	3	3
日 本	0	0	0	0	3	2	4	5	6
イスラエル	0	0	0	0	0	1	0	0	0
カナダ	0	0	0	0	0	0	1	1	1
アメリカ	0	0	0	0	0	0	1	0	1

表2 世界各国における BSE 発生数

プリオン病に起因するという牛起源説も唱えられている.いずれにせよ、一度 BSE が発生すると、BSE 牛が肉骨粉の原料としてリサイクルされ、その結果 BSE の発生が拡大したのである.

1990年に発見された家猫の猫海綿状脳症 (FSE)の発生原因は、BSE 病原体に汚染されたペットフードと考えられている. また, 動物園で飼育されていたピューマなどの海綿状脳症も脊髄を含むウシの生肉の給餌が原因と考えられている.

b. ヒトへの感染拡大

BSE病原体が食肉などを介してヒトへ感染するという懸念は、1996年3月のvCJDの発生報告により現実のものとなった。更にBSE病原体とvCJD病原体が、生物学的および生化学的に非常に類似していることも明らかとなり^{1,2)}、以降、BSEは人獣共通感染症と認識されるようになった。

ヒツジのスクレイピーは、18世紀半ばには 病気の存在を示唆する記録があるが、これまで ヒツジのスクレイピーとヒトのプリオン病の関 連を積極的に示唆する疫学的な事実はない. し かし、スクレイピーがヒトに感染することを完 全に否定することはできない. また、1990年代 末にアメリカで、シカのハンティングをする30歳前後の男性数人がCJDを発病したことから、北米で発生している鹿科動物のCWDがヒトに感染するかが問題となっている。BSEはヒトPrPを発現するマウスに伝達するが³⁰、CWDはヒトPrPを発現するマウスに伝達しないなど⁴⁰、現在までCWDがヒトに感染することを積極的に示す事実は得られていない。

2. 現在の発生状況

a. 世界のBSE 発生状況

表2に各国における最近のBSE発生数を示した⁵⁾. 英国では1992-3年をピークに発生は減少しているが、現在でも年間数百頭の発生がある. 英国では1996年3月にvCJDの存在を発表すると同時に、動物由来の飼料をすべての動物に使用しないという完全な飼料規制を実施した.しかし、英国では2005年8月現在、1996年8月以降に生まれたウシ(BARBs)で109頭のBSE感染牛が摘発されている⁶⁾. この事実は、一度BSEで汚染されると清浄化には莫大な労力と時間がかかることを物語っている.

スイスでは他の欧州諸国よりも早くBSEの 発生があったが、2000年以降減少傾向にある。

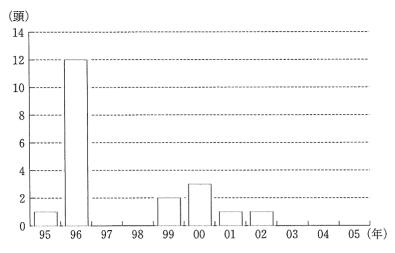


図2 我が国で摘発されたBSE感染牛の出生年の分布

他の欧州諸国では、2000年もしくは2001年以降、BSE 感染牛の数が著しく増加している。この増加は能動的サーベイランスの導入により、BSE 感染と診断されたウシの数が増加した結果である。例えば、2003年のフランスの137頭のBSE 感染牛の内訳は、臨床症状からBSEが疑われたウシで13頭、死亡牛などの高リスクグループの能動的サーベイランスで87頭、と畜場でのスクリーニングで37頭である。この数字は、BSE 汚染状況の正確な把握には、と畜場におけるスクリーニング,およびリスク牛の能動的サーベイランスが必要であることを示す格好の例である。欧州での発生も2003-4年頃から減少傾向に転じている。

一方,我が国やイスラエルでのBSEの発生, 北米におけるBSEの発生が示すように,BSE の感染源は英国,欧州にとどまらず,世界各地 に広がったと認識する必要がある.今後,国や 地域のBSE汚染状況を明らかにするためには, 能動的サーベイランスの実施が必要である.

b. 我が国での BSE 発生状況

図2に、我が国で摘発されたBSE感染牛の出生年を示した。これまでに20頭が摘発されているが、1996年生まれのウシで最も多い。英国における vCJD の発生を受けて、我が国では1996年に肉骨粉を牛の飼料に使用しない行政指導を行った。しかし、最近のBSEスクリーニング/サーベイランスでは1999年および2000年生まれのウシからBSE感染牛が計5頭摘発されて

いる.したがって、この時期にもBSE汚染源が存在していたことになる.BSEの潜伏期は平均4-8年であり、1999-2000年生まれのウシはこれから好発年齢に達する.また、1997-98年生まれのウシではBSE感染牛が確認されていないが、この時期の汚染状況を判定するには、もう少しスクリーニング/サーベイランス結果の蓄積を待つ必要がある.

c. vCJD の発生状況

表3に英国におけるヒトプリオン病の発生状況とvCJD患者が確認された国を示した⁷. 2005年8月までに英国では157人の患者が確認されているが、増加傾向は認められていない。英国以外ではフランスなどでvCJD患者が確認されている。2005年に、我が国でも、英国およびフランスに短期間滞在経験のある男性がvCJDに罹患していたことが判明した。

vCJDでは、異常型プリオン蛋白質(PrPsc)が扁桃や盲腸の粘膜下リンパ濾胞などの末梢リンパ系組織に蓄積し、容易に検出できる^{8,9)}.一方、vCJD以外のヒトプリオン病の場合は、リンパ系組織からPrPsc は容易には検出されない。英国で盲腸摘出術あるいは扁桃除去術により摘出された盲腸あるいは扁桃を検索した結果、12,674 検体中3 検体がPrPsc 陽性であった。この結果を英国の人口に外挿し、3,800 人程度の人がvCJD の潜伏期にある可能性を指摘する報告もある¹⁰⁾.

4:	孤発性 CJD	変異 CJD	医原性 CJD	遺伝性 プリオン病	[10]	vCJD 患者数
95	35	3	4	5	フランス	13
96	40	10	4	6	アイルランド	2
97	60	10	6	5	イタリア	1
98	63	18	3	5	アメリカ	1
99	62	15	6	2	カナダ	1
00	50	28	1	3	オランダ	1
01	28	20	4	5	日 本	1
02	72	17	0	5	スペイン	1
03	77	18	5	6	ポルトガル	1
04	49	9	2	4		
05	10	2(7)	0	1		

表3 イギリスのヒトプリオン病発生状況と、各国における vCJD 発生状況

括弧内の数字は存命の患者数.

3. 新たな課題

a. 非定型 BSE, 非定型スクレイピーの存在

野外に存在するヒツジスクレイピーには様々な"株"が存在することが知られている.一方,BSE は一つの株と考えられてきた.しかし,2003年にイタリアで,これまでのBSE とは PrP^{Sc} の脳内蓄積部位,生化学性状(糖鎖型,分子量)が明らかに異なる BSE 発症牛が報告された 11)、時を同じくして,日本 12 ,フランス 13)でも PrP^{Sc} の生化学性状が従来型と異なる BSE 感染牛が報告された.

イタリアの非定型 BSE 症例は、PrPsc の生化学性状、脳内の PrPsc の分布など多くの情報が得られている。典型的な BSE では PrPsc の糖鎖型は二糖鎖型が優勢である。典型的な BSE は PrPsc の蓄積は延髄門部、視床下部、視床で認められる。延髄門部で PrPsc の蓄積量が多いのは、経口ルートで侵入したプリオンが、迷走神経を経て背側迷走神経核に到達することを反映している。一方、イタリアの非定型 BSE では、視床で蓄積が最も多く、次いで嗅球、海馬などで多い。非定型 BSE 症例が感染によるものと仮定すると、PrPsc 分布の違いは、プリオンが中枢神経系組織へ到達する経路が典型的な BSE とは異なる可能性を示唆している。

ヒツジスクレイピーでも、従来知られている

スクレイピーとは病型が異なるものが発見されている。従来型のスクレイピーでは PrP^{sc} の蓄積は延髄門部で最も高い。一方,新たに発見されたスクレイピーでは門部における PrP^{sc} の蓄積が低く, PrP^{sc} の蛋白分解酵素抵抗性も弱い 10 . ノルウェーで初めて発見され,その後,ドイツやフランスでも見つかっている 15 . 従来型のヒツジスクレイピーはPrPアミノ酸型171Q/Q(コドン171Q/Q)で多く発生し,171Q/Rで少なく,171R/Rを有するヒツジはスクレイピー抵抗性と考えられていた。しかし非定型ヒツジスクレイピーは171Q/Rのヒツジで発生が多く,171R/Rのヒツジでも感染が認められている 15 .

b. BSE 病原体に感染した可能性のある ヤギの摘発

フランスでBSE病原体の性状と区別できないプリオンに感染したヤギが発見された¹⁶⁾.このヤギの中枢神経系組織に蓄積した PrP^{Sc} はBSE 感染牛および BSE 実験感染ヤギのものと類似していたが、スクレイピー感染ヤギのものとは異なっていた。また、このヤギの材料をマウスへ伝達した場合の神経病変分布とマウスの脳で産生された PrP^{Sc} も、BSE 実験感染綿山羊の材料をマウスに伝達した場合と区別できなかった。BSE 病原体が飼料などを介してヤギに感染したのか、あるいはこのようなプリオン野外株がヤギに存在していたのかを結論づけることはできない。しかし、BSE 病原体様のプリオン

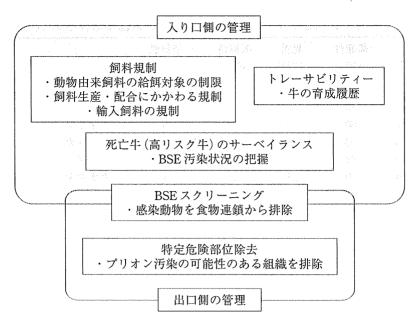


図3 我が国のBSE対策

が小反芻動物に存在したことから,小反芻動物 由来の食肉などの安全性評価と管理措置を再検 討する必要がある.

c. 輸血による vCJD の伝播

これまでの動物実験における成績を総合する と、リンパ系装置に PrPsc が検出される場合は 血液中にもプリオンが存在すると考えるのが妥 当である. vCJD では神経系以外にも、扁桃、 盲腸の粘膜下リンパ濾胞などのリンパ系組織 でも PrPsc が検出されることから、輸血による vCJDの伝播が危惧されていたが、現実のもの となった. 1例(PrPコドン129: M/M)は、献血 の3年半後にvCIDを発症したヒト由来の赤血 球を輸血された6年半後にvCIDを発症した¹⁷⁾. もう1例(PrPコドン129: M/V)は、献血の18 カ月後にvCJDを発症したヒト由来の赤血球を 輸血された人で、5年後に腹大動脈瘤破裂によ り死亡した. この患者の脾臓から PrPsc が検出 されたが、脳からは検出されなかった18. この 患者が将来vCJDを発症したかは知ることがで きない、しかし、これらの事例から、潜伏期に あるvCID感染者の血液中に輸血により伝播し 得る量のプリオンが存在することは事実である.

4. BSE 対策

ヒトに感染することが判明している動物プリ

オン病はBSEのみであるので、本稿では、BSE が動物からヒトに感染することを防止するための対策について述べる.

a. 出口側の管理

我が国のBSE対策の柱は、①食用に供されるウシのBSEスクリーニング、②特定危険部位の除去、③リスク牛(死亡牛)のBSEサーベイランス、④飼料規制、⑤トレーサビリティー、である(図3). このうちBSEスクリーニングと特定危険部位の除去は、BSE感染牛を流通から排除するための措置、言い換えると出口側の管理措置であり、ウシからヒトへの直接的な感染阻止に主眼が置かれている.

我が国の食肉検査で実施されているBSE検査はBSE感染牛の排除が目的であり、スクリーニングとして位置づけられている。どのような方法にも検出限界があることから、BSEスクリーニングでは検出限界以下のプリオンしか蓄積していないウシは陰性と判定される。一方、BSE感染牛の組織に分布するプリオンの99%が、脳、脊柱、眼球、三叉神経節、回腸遠位部の特定危険部位に存在すると推計されているので、特定危険部位の除去は、食肉の安全性を保証する有効な方法と考えられる。しかし、除去方法や除去効率に問題があること、また、病末期のウシでは末梢神経など特定危険部位以外の

組織にもプリオンが存在することから¹⁹, 特定 危険部位の除去だけでも不十分である. 現在, 我が国では, BSE スクリーニングと特定危険部 位の除去が双方の欠点を互いに補い, 高度に食 肉の安全性を保証している.

この管理措置は、BSE が国内に侵入したことに対応するための緊急措置であり、その実行に莫大なお金と労力を使用している。食肉の安全性を効率的に保証するためには、後述する入口側の管理、すなわち、BSE に感染していない動物を産生するための管理措置に力を注ぐ必要がある。

b. 入口側の管理

BSE は自然状態ではウシからウシへ感染する可能性が非常に低いことから,BSE 汚染源の遮断を継続的に実施することで,BSE フリーのウシを飼育・生産することは可能である。このためには,リスク牛や綿山羊の能動的サーベイランスによる動物プリオン病の発生状況の把握,徹底した飼料規制による BSE 汚染源の遮断,およびトレーサビリティー制度によるウシの育成履歴の記録,などの入口側の管理措置が重要となる.

BSE 低汚染地域では、臨床症状から BSE を疑うことは困難である。したがって、汚染状況の正確な把握にはリスク牛の能動的サーベイランスの継続が必須である。前述した BSE スクリーニングは汚染状況の正確な把握にも大きく貢献している。今後、最も重視しなければならな

いのは飼料規制の遵守である. 国内でのリサイクル, 飼料の配合, 飼肥料の輸入, 飼肥料の使用など, それぞれの現場で規制の遵守が強く求められる. BSE の根絶は飼料規制の有効性にかかっており, 関係各位のモラルが今後のBSEコントロールを左右することになる.

おわりに

PrPscのオリゴマーが感染因子プリオンの本 体であることが確定的となり、 難解な病原体の 謎も徐々にひもとかれつつある20. しかし. プ リオンおよびプリオン病を理解するためには、 プリオン増殖の分子機構解明,神経変性機序の 解明など、一層の基盤研究の進展が必要である. 同時に、食・医療などの安全性を確保するため には、応用面の研究推進も必須である. 我が国 では、今後数年間はBSE感染牛が散発的に摘発 されることが予想されることから, BSE スクリ ーニング/サーベイランス,特定危険部位の除 去を継続する必要がある.一方, BSE 清浄地に 復帰するために, 入口側の管理に力を注ぐ必要 がある. BSE はウシからヒトへ感染が拡大し, 更に輸血によりヒトからヒトへ感染が広がるこ とも明らかとなった. 医薬品原料などのプリオ ン汚染の評価、その他の汚染源の摘発のために は、高感度プリオン検出技術の開発が望まれる. また、vCJDを含めて、ヒトプリオン病の治療 法はないので、その開発も重要な課題である.

屋文 献

- 1) Bruce ME, et al: Transmission to mice indicate that 'new variant' CJD is caused by the BSE agent. Nature 389: 498-501, 1997.
- 2) Collinge L, et al. Molecular analysis of prion strain variation and the aetiology of new variant CJD. Nature 383: 685-690, 1996.
- 3) Asante EA, et al: BSE prions propagate as either variant CJD-like or sporadic CJD-like prion strains in transgenic mice expressing human prion protein. EMBO J 21: 6358-6366, 2002.
- 4) Kong Q, et al: Chronic wasting disease of elk: transmissibility to humans examined by transgenic mouse models. J Neurosci 25: 7944-7949, 2005.
- 5) OIE: Number of reported cases of bovine spongiform encephalopathy (BSE) in farmed cattle worldwide. http://www.oie.int/eng/info/en_esbmonde.htm
- 6) Defra: Confirmed cases of BSE in animals born after 1 August 1996 (BARBS). http://www.defra.gov.uk/animalh/bse/statistics/bse/barbs.htm

- 7) DH: Monthly CJD statistics. http://www.dh.gov.uk/PolicyAndGuidance/HealthAndSocialCare Topics/CJD/fs/en
- 8) Hilton DA, et al: Prion immunoreactivity in appendix before clinical onset of variant Creutzfeldt–Jakob disease. Lancet 352: 703-704, 1998.
- 9) Hill AF, et al: Investigation of variant Creutzfeldt-Jakob disease and other human prion diseases with tonsil biopsy samples. Lancet 353: 183-189, 1999.
- 10) Hilton DA, et al: Prevalence of lymphoreticular prion protein accumulation in UK tissue samples. J Pathol 203: 733-739, 2004.
- 11) Casalone C, et al: Identification of a second bovine amyloidotic spongiform encephalopathy: molecular similarities with sporadic Creutzfeldt-Jakob disease. Proc Natl Acad Sci USA 101: 3065 -3070, 2004.
- 12) Yamakawa Y, et al: Atypical proteinase K-resistant prion protein (PrPres) observed in an apparently healthy 23-month-old Holstein steer. Jpn J Infect Dis 56: 221-222, 2003.
- 13) Biacabe AG, et al: Distinct molecular phenotypes in bovine prion diseases. EMBO Rep 5: 110-115, 2004.
- 14) Benestad SL, et al: Cases of scrapie with unusual features in Norway and designation of a new type, Nor98. Vet Rec 153: 202–208, 2003.
- 15) Buschmann A, et al: Neuronal accumulation of abnormal prion protein in sheep carrying a scrapie resistant genotype (PrPARR/ARR). J Gen Virol 85: 2727-2733, 2004.
- 16) Eloit M, et al: BSE agent signatures in a goat. Vet Rec 156: 523-524, 2005.
- 17) Llewelyn CA, et al: Possible transmission of variant Creutzfeldt Jakob disease by blood transfusion. Lancet 363: 417–421, 2004.
- 18) Peden AH, et al: Preclinical vCJD after blood transfusion in a PRNP codon 129 heterozygous patient. Lancet 364: 527-529, 2004.
- 19) Iwamaru Y, et al: PrPSc distribution of a natural case of bovine spongiform encephalopathy. International Symposium Prion Disease Food and Drug Safety, Sendai, Japan 2004.
- 20) Silveira JR, et al. The most infectious prion protein particles. Nature 437: 257-261, 2005.

●特集 感染症病原体と細胞膜との関わり

異常型プリオン蛋白質の生合成と伝達

堀内基広

北海道大学大学院 獣医学研究科 プリオン病学講座 〒060-0818 札幌市北区北18条西9丁目

Biosynthesis and Transmission of Abnormal Prion Protein

Motohiro Horiuchi

Laboratory of Prion Diseases, Graduate School of Veterinary Medicine, Hokkaido University Kita 18 Nishi 9, Kita-Ku, Sapporo 060-0818, Japan

Transmissible spongiform encephalopathies (TSEs), also called prion diseases, are fatal neurodegenerative diseases including scrapie in sheep and goats, bovine spongiform encephalopathy, and Creutzfeldt-Jakob disease (CJD) in humans. The causative agent of prion diseases, often called as prion, is composed mainly of pathogenic conformers (PrPSc) of a host protein called cellular prion protein (PrPC). The direct interaction of two PrP isoforms including PrPSc-dependent conversion of PrPC is thought be a central event in pathogenesis of prion disease. Although the molecular mechanism of conversion is not yet fully understood, studies using neuronal cells persistently infected with prion have been disclosed many important aspects of the biosynthesis of PrPSc. For instance, the mature PrPC expressed on the cell surface acts as a substrate for PrPSc formation, and a process that involves a conformational transformation takes place in subcellular compartments associated with the degradation pathway of PrP^C, including a sphingolipid-rich membrane microdomain, called a lipid raft and acidic compartments such as endosomes. Studies using in vitro conversion reactions have suggested that the conversion process is akin to autocatalytic polymerization and provided evidences on the binding domain being involved in the PrP^C-PrP^{Sc} interaction. Furthermore, in vitro conversion reaction using membrane-associated PrPC and PrPSc revealed that insertion of PrPSc into the host membrane would be prerequisite to the induction of PrP^C conversion. More recently, it was reported that exosomes would involved in the transmission of prion to recipient cells. These recent lucid findings provide a new insight into the biosynthesis and transmission of prion. However, there are still many things remains to be elucidated for complete understanding of the biosynthesis of PrPSc and the full identity of prion itself.

Key words: prion protein / conversion / lipid raft / multivesicular bodies

1. はじめに

人のクロイツフェルト・ヤコブ病(CJD), 羊のスクレイピーや牛のBSEに代表されるプリオン病は致死性神経変性性疾患であり,人での発生率はおおよそ100万人当り1人である.プリオン病は発生原因から,感染性,遺伝性,および孤発性の三種に分類される(Table 1).動物のプリオン病は全て感染性プリオン病に分類される.感染因子"プリオン"に汚染された成長ホルモン,脳硬膜の使用による医原性CJD,BSEが食物連鎖により人に感染したと考えら

れている変異 CJD, および, パプアニューギニアのフォア族で宗教的な食人儀式により伝播していたクールーは, 感染性プリオン病に分類される. 家族性 CJD, GSS, FFI は PrP遺伝子の変異が原因の遺伝性プリオン病である. 人プリオン病の $80 \sim 85\%$ を占める孤発性 CJD は, プリオンの感染および PrP遺伝子の変異と関連がなく, 偶発的に正常型プリオン蛋白質 (PrP^{C}) が異常型プリオン蛋白質 (PrP^{C}) が異常型プリオン蛋白質 (PrP^{C}) が異常型プリオン蛋白質 (PrP^{C}) に変化することが病気の始まりと考えられる. 感染性プリオン病では PrP^{C} が外から宿主に侵入することが感染の第一段階である. 感染性を有する蛋白質の増殖・

Table 1 Classification of Prion Diseases

動物のプリオン病	宿主、発生動物
スクレイピー	羊、山羊
慢性消耗病(Chronic wasting disease, CWD)	鹿、エルク
牛海綿状脳症(Bovine spongiform encephalopathy,	牛
BSE)	
伝 達 性 ミ ン ク 脳 症 (Transmissible mink	ミンク
encephalopathy, TME)	
猫科動物の海綿状脳症(Feline spongiform	家猫、ピューマ、チーター、オセロッ
encephalopathy, FSE)	トなど
その他の反芻動物の海綿状脳症	クードゥー、エランド、ニアラ、オ!
	ックスなど
人のプリオン病	原因
クロイツフェルト・ヤコブ病(CJD)	
孤発性 CJD	孤発 (不明)
家族性 CJD	遺伝
医原性 CJD	感染
変異 CJD	感染
ゲルストマン・ストライスラー症候群(GSS)	遺伝
家族性致死性不眠症(FFI)	遺伝
クールー	感染

Table 2 Possible role of PrP^C

リンパ球の活性化 シナプス伝達 神経細胞のシグナル伝達 概日周期の調節 抗酸化機構 Cu²⁺の代謝 神経細胞死 細胞内 Ca²⁺の恒常性

伝播機構は不明な点が多く残されているが、細胞膜系が関与することは明白である。本稿では、プリオンの増殖・伝播と膜系の関わりを示す最近の報告を含め、PrPScの増殖、細胞間伝播機構について概説したい。

プリオン蛋白質(PrP) とプリオン増殖の 概念

PrPは宿主遺伝子PrPにコードされる.遺伝子産物PrPCはグリコシルフォスファチジルイノシトール(GPI)により細胞膜に結合するGPI膜結合型糖蛋白質である.PrPCは多くの組織で発現しているが、特に中枢神経系組織で発現が高い.PrPCの生理機能に関して様々な報告があるが(Table 2)、PrP欠損マウスは正常に発育・繁殖することから、生命維持に必

須な機能は担っていないと考 えられる.

プリオン病に罹患した動物 の脳組織にはPrPSc が蓄積す る. PrPSc も PrPC と同様に宿主 遺伝子PrPの産物であるので、 アミノ酸配列はPrPCと同じで ある. しかし、PrPCとPrPScは 高次構造が異なり、その結果 PrPSc は凝集体を形成するため に,蛋白質分解酵素抵抗性や 不溶性という生化学性状を示 す. 蛋白質分解酵素抵抗性と PrPSc は同義ではなく、PrPSc の一件状に過ぎない、プリオ ン病に罹患した動物の組織に 存在するPrP、あるいはプリオ ンの感染性を担う PrP分子を示 す言葉として PrPSc が使用され ることが多い.

PrPSc は感染因子 "プリオン"

の主要構成要素で、PrPSc オリゴマーが感染因子を形 成すると考えられている. 感染性プリオン病では、 PrPScオリゴマーが宿主に侵入することが感染であ り、PrPScオリゴマーが核(seed)となって鋳型のよ うに働き、PrPcをPrPscに転換する. これが繰り返 されてPrPSc オリゴマーが成長することが、プリオン の複製と見做すことができる (Fig. 1). 一方, 孤発 性および遺伝性プリオン病では"感染"とは無関係 に、偶発的にPrPScオリゴマーが形成されることが病 気の始まりである. PrP^C(もしくは少なくとも一部 がアンフォールドした遷移体PrPU)とPrPScオリゴ マーは平衡状態にあるが、PrPScのオリゴマーは不安 定なので、PrPScオリゴマーは容易には形成されない. しかし一度安定な PrPSc オリゴマーが形成されると, これが核となって PrP^Cを PrP^{Sc} に転換してゆく (Fig. 1)、核形成以降のPrPSc 増殖プロセスは感染性 プリオン病と同じである.

3. 細胞におけるPrPの生合成

神経芽細胞にスクレイピー感染マウス脳乳剤を接種してクローニングを行うことで、スクレイピー持続感染細胞を得ることができる。PrPCとPrPScの生合成機構の解析には、こうして作出されたプリオン持続感染神経芽細胞を用いた細胞生物学的実験系が大きく貢献している(Fig. 2).

PrP^C は膜蛋白質であり、ER上で合成されたポリペ

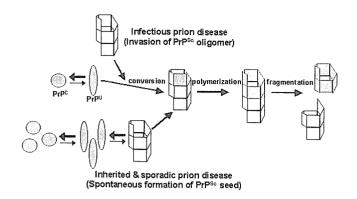
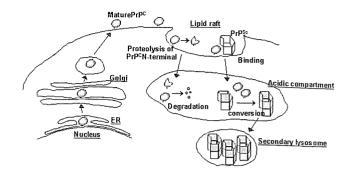


Fig. 1 Model for prion propagation.

Invasion of exogenous PrPSc oligomer (infection) causes infectious prion disease. Incoming exogenous PrPSc binds PrPC (or its unfolded intermediate, PrPU) and then PrPC is converted into new PrPSc. Incoming PrPSc acts as a seed for the conversion process. On the other hand, spontaneous formation of PrPSc seed from PrPC or PrPU initiates inherited and sporadic prion diseases. Once stable PrPSc seed is generated, the following conversion process is the same as that in the infectious prion disease.

プチド鎖はすぐにER内腔に移行する. このときN末 端のシグナル配列は除去される. ERでC末端の22-23アミノ酸の除去とGPIアンカー付加、分子内SS結 合の形成,高マンノース型糖鎖の付加が起こる.一 部のPrPC, おそらく正しく折りたたまれなかった PrPCはERを通過できずにER付随ユビキチンプロテ アソーム系で分解される1). ゴルジ装置を経る過程で 複合糖鎖へと修飾され成熟型 PrPC は GPI アンカー型 膜蛋白として細胞表面に発現する.PrP^Cは速やかに 合成されるが半減期も短い(Table 3). 細胞膜上に発 現した成熟型 PrPC はエンドサイトーシスにより細胞 内に取り込まれる. クラスリン被覆小胞を介する経 路と非クラスリン被覆小胞を介する経路があると考 えられている2~4). 細胞内に取り込まれたPrPCはN 末端のトリミングが起こり、111番目のアミノ酸近傍 で切断され、PrPC末端側の領域を含む約18 kDaのポ リペプチドが生じる5). この切断はスフィンゴ脂質と コレステロールに富む細胞膜ドメイン (ラフトある いはカベオラ)で起こり3),切断にはメタロプロテア ーゼが関与するとの報告もある 6.7). この分解中間産 物はエンドドーソムと考えられる酸性コンパートメ ントで分解される 8^{-10} . 細胞内に取り込まれた PrP^{C} の一部は再び細胞膜にリサイクルされる8).

PrP^Cに比べ PrP^{Sc} の生合成と分解は非常に遅い (Table 3). PIPLC 処理により細胞表面に発現する PrPCを除去すると、プリオン持続感染細胞における



Biosynthesis of prion protein in the cells. Fig. 2

PrPC matures during the secretory pathway and expressed on the cell surface as GPI-anchoring protein. In the lipid raft and/or acidic compartments such as endosome, N-terminal part of PrPC was partially proteolysed, and then degradated. Initial interaction between PrPC and PrPSc is believed to take place in lipid raft, and the conversion of PrPC to PrPSc occurs along a degradation pathway, possibly in lipid raft and/or acidic compartments. PrPSc is accumulated in the secondary lysosome.

PrPSc の産生が阻害されることから、細胞膜上に発現 した成熟型 PrP^Cが PrP^{Sc}生成の基質となること、お よびその生成は細胞膜を含めエンドサイトーシスの 過程で起こることが示された9,10). ロバスタチン処理 により細胞膜をコレステロール飢餓状態にすると PrPSc の産生が阻害される3). PrPSc は主に二次リソソ ームに蓄積すると考えられているが^{11,12)}. ラフトに も PrPSc が存在することから、PrPCと PrPSc の会合な どの PrPSc 形成の初期段階は細胞膜上のマイクロドメ インであるラフトで起こることが示唆されてい る 13, 14). 一方, エンドソームやリソソームに作用す る薬剤の幾つかで PrPSc 生成阻害効果が認められるこ とから¹⁵⁾、PrPScへの転換はエンドソームのような酸 性コンパートメントでも起こると考えられる. PrPSc の半減期は非常に長いが、硫酸多糖処理¹⁶⁾や抗PrP 抗体でプリオン感染細胞を処理した場合17,18),3日程 度の処理でPrPScは消失する. これらの処理はPrPC の正常な代謝経路に影響して PrPSc 生成の基質である PrPCがPrPScに供給されるのを阻害すると考えられ る 19). つまり、基質である PrPC の供給を遮断すると PrPSc は増殖できず細胞内で分解される.

無細胞実験系における蛋白質分解酵素抵抗 4. 性PrP分子 (PrP-res) の形成

スクレイピー感染動物脳から精製したPrPScと35S 標識 PrPCを特定条件下で反応させると、35S標識 PrPCが proteinase K (PK) 抵抗性の[35S]PrP-res に変

Table 3 Characteristics of PrPC and PrPSc

	PrP ^C	PrP ^{Sc}
凝集性	_	+
非イオン系界面活性剤に対する溶解性	易溶性	難溶性
蛋白質分解酵素感受性	感受性	抵抗性
細胞内局在	細胞膜表面	二次リソソーム
合成時間	<30分	6~15 時間
半減期	5 時間	>24 時間
二次構造	αヘリックス:43%	αヘリックス:30%
—	βシート: 3%	βシート: 45%

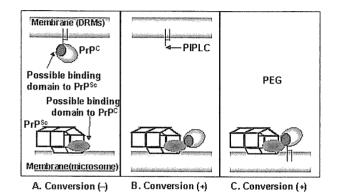


Fig. 3 Conversion of membrane associated PrP^C (an epitome of Baron et al., 2002^{26}).

A. No conversion occurred when PrP^C (in DRMs) and PrP^{Sc} (in microsome) were inserted into the separate membranes. B. PrP^C could be converted if PrP^C was released from DRMs by PIPCL treatment. C. Conversion took place if PrP^C and PrP^{Sc} were inserted into the same membrane surface by PEG-induced fusion between DRMs and microsome.

換する $^{20)}$. この反応系(in vitro conversion)で産生された $[^{35}S]$ PrP-res は脳内に存在する ^{25}S PrP-res は脳内に存在する ^{25}S PrP-res は脳内に存在する ^{25}S PrP-res と厳密に区別する意味で ^{25}S PrP-res と表記する. PrP-res への転換は ^{20}S PrP-se と変とに依存しており、 ^{20}S PrP-se の変性に伴い転換活性は消失する ^{21}S PrP-se の生化学性状も再現できること ^{22}S PrP-se の生化学性状も再現できることなどから ^{24}S PrP-se の生化学性状も再現できることなどから ^{24}S PrP-se の生化学性状も再現できることなどから ^{24}S PrP-se の特異性・選択性が証明できたことから、 ^{24}S PrP-se の特異性・選択性が証明できたことから、 ^{25}S PrP-se の特異的な結合が ^{25}S PrP-se の構造転換への第一段階であること、 ^{25}S PrP-se のレセプターに成りうることが示唆された ^{25}S PrP-se のレセプターに成りうることが示唆された ^{25}S PrP-se の

in vitro conversion は可溶性の PrP^C と精製 PrP^{Sc} を使用しているが、細胞レベルあるいは神経組織を考

えた場合、 $PrP^{C} \rightarrow PrP^{Sc} \wedge on$ 転換反応は膜分画で起こると考えられることから、より生理的な条件に近い実験系を構築する必要があった。Baronらは、 ^{35}S -メチオニンでメタボリックラベルした細胞から調製したTriton-X 不溶性画分(detergent-resistant membranes, DRMs)をラフトに存在する PrP^{C} の供給源に、スクレイピ

一感染マウスから調製したミクロソーム画分を細胞 膜に付随したPrPScの供給源として、in vitro conversion を行った^{26, 27)}. その結果, 膜に付随する PrP^C と PrPSc 同士を混合しただけでは PrPC の転換は起こら ず、PrPCを膜から遊離させると転換反応が起こった。 さらに興味深いことに、膜に付随したPrPCとPrPSc を混和し、ポリエチレングリコールで DRMs とミク ロソーム画分を融合させると、PrPCがPrP-resに転換 した (Fig. 3). PrPCのC末端側で構成されるドメイ ンがPrPScとの結合に関与することが抗体による結合 阻害試験から示されているが、細胞膜に結合した PrP^CのC末端側は細胞膜による立体障害のために、 異なる膜上にある PrPSc と結合できない可能性があ る. しかし同一膜上にPrPCとPrPScが存在すること で、PrPCとPrPScの会合が可能となり、その後PrPC がPrP-resへと構造転換するのかもしれない.この結 果は、in vivo では単純にPrPCとPrPSc が特異的に結 合することが転換反応の第一段階でなく, 両者を有 する膜同士の融合が第一段階であることを示唆する とともに、細胞間でのPrPScの伝播を考える上で重要 な知見である.

5. プリオンの細胞間の伝播

プリオンの体内侵入から神経組織への到達を考えた場合、プリオンは少なくとも数回、細胞から細胞へ移る必要がある。羊のスクレイピーの場合、自然状態では経口ルートで感染が成立する。経口ルートで取り込まれたプリオンは、パイエル氏板などの消化管附随リンパ装置(GALT)から体内に侵入してGALTの濾胞樹状細胞で増殖した後、末梢神経から内臓神経を経て脊髄腰部に到達する経路、および末梢神経から迷走神経を経て延髄に到達する経路で、中枢神経系組織へ到達する。末梢神経から中枢神経系組織へ侵入する際は、一度シナプス間隙を通過して次の神経細胞へ移るのであろうか?

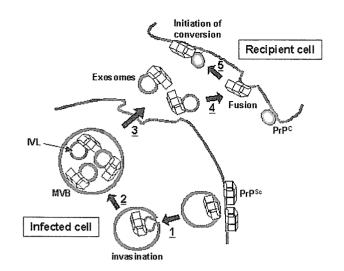


Fig. 4 Possible mechanisms of transmission of PrPSc from infected cell to uninfected cell (an epitome of Baron et al., 2002²⁶; Fevrier et al., 2004³⁰, 2005³⁴). PrPSc transits to endocytic compartments and invasination of endosome membrane forms IVLs bearing PrPSc (1) during MVBs formation (2). IVLs bearing PrPSc are secreted into extracellular milieu as exosomes (3). The exosomes would be fused to the membrane of recipient cells (4) and the fusion would allow the interaction between PrPC and PrPSc on the membrane of recipient cell (5).

レシピエントとドナーの細胞を共培養によりプリオ ンが効率良く伝達すること²⁹⁾、精製PrPScよりも PrPSc を含むミクロソーム分画が、細胞への感染効率 が高いことなどが知られている. 前述したBaronら の成績でも、PrPScとPrPCが同一膜上にあるとPrPC の構造転換が起こることから、膜小胞がPrPScの細胞 間伝播に関与することが予想されていた.

最近 Raposoらは、プリオン持続感染細胞から放出 された exosomes に PrPSc が存在し、実際にプリオン を非感染細胞に伝達できることを示した30). 小胞を 含むエンドソーム (multivesicular endosomes) は MVBs (multivesicular bodies, 多胞体), 多胞体内腔 の小胞はIVLs (intraluminal vesicules) と呼ばれる. MVBsは細胞膜から取り込まれた膜蛋白質やトラン スゴルジからソートされた膜蛋白質を含み、ライソ ソームと融合して、MVBs中の蛋白質は分解される. しかし全ての MVBs がライソソームと融合するので はなく、網状赤血球では IVLs が細胞外に放出され る^{31,32)}. 細胞外に放出される IVLs を exosomes と呼 ぶ. 網状赤血球にはライソソームがないことから exosomes が老廃蛋白の処理を行うと考えられてい た³²⁾. しかし, 造血系細胞では exosomes が様々な機 能分子を含んでおり, 免疫系の調節に関連すること が示唆されている. 例えば exosomes が MHC クラス

II-ペプチド複合体を樹状細胞間で伝達する³³⁾. この ように exosomes が膜小胞による細胞間のコミュニケ ーションに関与することが明らかになりつつある.

IVLsはエンドソーム膜が内腔に陥入してできるの で、膜蛋白質の細胞外ドメインはIVLsの外側に、内 腔は細胞質という構造となる. IVLs表面に附随した PrPSc が exosome として細胞外に放出され、レシピエ ントとなる細胞に融合した場合、PrPSc とレシピエン ト細胞上のPrPCが同一の膜表面に位置することにな る. Baron らの成績と合わせて、PrPScの細胞間伝播 に exosomes による細胞膜の伝達が関与する興味深い モデルを提供すると考えられる(Fig. 4)34).

6. おわりに

プリオン仮説が登場してから20年以上が経過した. ウイルス,細菌などの病原体は"一個の病原体"を 電子顕微鏡で見ることが可能であるが、依然として "一個のプリオン"の形態は不明である、PrPScが主 要な病原体構成と考えられるが、未だ最終的な結論 は得られていない. 一個のプリオン粒子の構造を明 らかにすることは、プリオンの謎を解く重要な鍵で ある. 不可解な点が多い病原体ではあるが、PrPScと 感染価を指標にした実験結果から、本稿で紹介した ように、プリオンの増殖に関して多くの知見が得ら れてきた. また, 本稿では最近の総説を紹介するに 留めるが、PrP^Cの生合成や細胞内輸送に関しても細 胞生物学の進展により多くの知見が集積している35). しかし、プリオン増殖の分子機構を紐解くにはほど 遠い、ウイルスが細胞内で増殖する際に、宿主細胞 の微小環境と因子を利用するのと同じく, プリオン の増殖にも宿主細胞の微小環境と因子が関与する. このような微小環境と因子を明らかにしていくこと で、プリオン増殖の分子機構が構築できるだろう.

基礎生物学的にはプリオン増殖の分子機構の解明 は一つのゴールである.一方、病気に目を向けると、 プリオン病は稀な病気ではあるが、一度発症すると 進行性に死に至る致死的な病気であるが、未だ有効 な治療法はない. プリオン増殖の分子機構の理解に より、プリオン病治療の標的が見えてくると思われ る. PrPSc 増殖を阻害する物質はプリオン病治療薬の 候補となる. これまでに、プリオン持続感染細胞や in vitro conversionを利用して、硫酸デキストランや 硫酸ペントサンなどの硫酸多糖体, ポルフィリン誘 導体、キナクリンなどのアクリジン誘導体、クロル プロマジンなどのフェノチアジン誘導体, 分枝ポリ アミン,変異 PrP, 抗 PrP 抗体など, PrPSc 増殖抑制 活性を有する物質が数多く同定されている. 幾つか については、in vivoでも PrPsc の増殖を抑制することが報告されている。今後、プリオン病治療候補薬の作用機序の解明、プリオン増殖機構の解明が進み、より効果的な治療薬や治療法の開発へつながることを期待したい。

文 献

- 1) Yedidia Y, Horonchik L, Tzaban S, Yanai A, Taraboulos A: *EMBO J.*, **20** 5383-5391 (2001)
- Shyng SL, Heuser JE, Harris DA: J. Cell. Biol., 125 1239-1250 (1994)
- 3) Taraboulos A, Scott M, Semenov A, Avraham D, Laszlo L, Prusiner SB: *J. Cell. Biol.*, **129** 121-132 (1995)
- Peters PJ, Mironov A Jr, Peretz D, van Donselaar E, Leclerc E, Erpel S, DeArmond SJ, Burton DR, Williamson RA, Vey M, Prusiner SB: J. Cell. Biol., 162 703-717 (2003)
- Chen SG, Teplow DB, Parchi P, Teller JK, Gambetti P, Autilio-Gambetti L: J. Biol. Chem., 270 19173-19180 (1995)
- 6) Jimenez-Huete A, Lievens PMJ, Vidal R, Piccardo P, Ghetti B, Tagliavini F, Frangione B, Prelli F: Am. J. Pathol., 153 1561-1572 (1998)
- 7) Vincent B, Paitel E, Saftig P, Frobert Y, Hartmann D, De Strooper B, Grassi J, Lopez-Perez E, Checler F: *J. Biol. Chem.*, **276** 37743-37746 (2001)
- 8) Shyng SL, Huber MT, Harris DA: *J. Biol. Chem.*, **268** 15922-15928 (1993)
- 9) Caughey B, Raymond GJ: J. Biol. Chem., 266 18217-18223 (1991)
- Borchelt DR, Taraboulos A, Prusiner SB: J. Biol. Chem.,
 16188-16199 (1992)
- McKinley MP, Taraboulos A, Kenaga L, Serban D, Stieber A, DeArmond SJ, Prusiner SB, Gonatas N: Lab. Invest., 65 622-630 (1991)
- 12) Laszlo L, Lowe J, Self T, Kenward N, Landon M, McBride T, Farquhar C, McConnell I, Brown J, Hope J, Mayer RJ: J. Pathol., 166 333-341 (1992)
- 13) Vey M, Pilkuhn S, Wille H, Nixon R, DeArmond SJ, Smart EJ, Anderson RGW, Taraboulos A, Prusiner SB: *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, **93** 14945-14949 (1996)
- 14) Naslavsky N, Stein R, Yanai A, Friedlander G, Taraboulos A: J. Biol. Chem., 272 6324-6331 (1997)
- 15) Doh-Ura K, Iwaki T, Caughey B : *J. Virol.*, **74** 4894-4897 (2000)
- 16) Caughey B, Raymond GJ: J. Virol., 67 643-650 (1993)
- 17) Enari M, Flechsig E, Weissmann C : *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, **98** 9295-9299 (2001)
- 18) Peretz D, Williamson RA, Kaneko K, Vergara J, Leclerc E, Schmitt-Ulms G, Mehlhorn IR, Legname G, Wormald MR, Rudd PM, Dwek RA, Burton DR, Prusiner SB: Nature, 412 739-743 (2001)
- 19) Kim CL, Karino A, Ishiguro N, Shinagawa M, Sato M,

- Horiuchi M: J. Gen. Virol., 85 3473-3482 (2004)
- 20) Kocisko DA, Come JH, Priola SA, Chesebro B, Raymond GJ, Lansbury PT, Caughey B: Nature, 370 471-474 (1994)
- 21) Caughey B, Raymond GJ, Kocisko DA, Lansbury PT Jr: *J Virol*, 71 4107-4110 (1997)
- 22) Kocisko DA, Priola SA, Raymond GJ, Chesebro B, Lansbury PT Jr, Caughey B: *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, **92** 3923-3927 (1995)
- 23) Horiuchi M, Priola SA, Chabry J, Caughey B: *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, **97** 5836-5841 (2000)
- 24) Bessen RA, Kocisko DA, Raymond GJ, Nandan S, Lansbury PT, Caughey B: *Nature*, **375** 698-700 (1995)
- 25) Horiuchi M, Caughey B: *EMBO J.*, **18** 3193-3203 (1999)
- 26) Baron GS, Wehrly K, Dorward DW, Chesebro B, Caughey B: *EMBO J.*, **21** 1031-1040 (2002)
- 27) Baron GS, Caughey B : J. Biol. Chem., 278 14883-14892 (2003)
- 28) van Keulen LJ, Schreuder BE, Vromans ME, Langeveld JP, Smits MA: *Arch. Virol. Suppl.*, **16** 57-71 (2000)
- 29) Kanu N, Imokawa Y, Drechsel DN, Williamson RA, Birkett CR, Bostock CJ, Brockes JP: *Curr. Biol.*, **12** 523-530 (2002)
- 30) Fevrier B, Vilette D, Archer F, Loew D, Faigle W, Vidal M, Laude H, Raposo G: Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 101 9683-9688 (2004)
- 31) Pan BT, Teng K, Wu C, Adam M, Johnstone RM : *J. Cell. Biol.*, **101** 942-948 (1985)
- 32) de Gassart A, Geminard C, Hoekstra D, Vidal M: *Traffic*, 5 896-903 (2004)
- 33) Thery C, Duban L, Segura E, Veron P, Lantz O, Amigorena S: Nat. Immunol., 3 1156-1162 (2002)
- 34) Fevrier B, Vilette D, Laude H, Raposo G : *Traffic*, **6** 10-17 (2005)
- 35) Prado MA, Alves-Silva J, Magalhaes AC, Prado VF, Linden R, Martins VR, Brentani RR: *J. Neurochem.*, 88 769-781 (2003)

(Received 21 January 2005;

Accepted 27 January 2005)

著者略歷

堀内 基広(ほりうち もとひろ)

1986年 北海道大学獣医学部卒業 1988年 北海道大学大学院獣医学研究 科修士課程修了

同年 日本ロシュ株式会社 1989年 帯広畜産大学助手

1995年 同大助教授

1997 ~ 1999 年 米国国立衛生研究所ロッキー山研究所訪問 研究員

2004年 北海道大学大学院獣医学研究科教授 現在に至る

Propagation of a protease-resistant form of prion protein in long-term cultured human glioblastoma cell line T98G

Yutaka Kikuchi,¹ Tomoshi Kakeya,¹ Ayako Sakai,¹ Kosuke Takatori,¹ Naoto Nakamura,² Haruo Matsuda,² Takeshi Yamazaki,³ Ken-ichi Tanamoto³ and Jun-ichi Sawada⁴

^{1,3,4}Division of Microbiology¹, Division of Food Additives³ and Division of Biochemistry and Immunochemistry⁴, National Institute of Health Sciences, 1-18-1 Kamiyoga, Setagaya-ku, Tokyo 158-8501, Japan

²Laboratory of Immunobiology, Graduate School of Biosphere Science, Hiroshima University, 1-4-4 Kagamiyama, Higashi-hiroshima, Hiroshima 739-8528, Japan

Human prion diseases, such as Creutzfeldt–Jakob disease (CJD), a lethal, neurodegenerative condition, occur in sporadic, genetic and transmitted forms. CJD is associated with the conversion of normal cellular prion protein (PrP^C) into a protease-resistant isoform (PrP^{res}). The mechanism of the conversion has not been studied in human cell cultures, due to the lack of a model system. In this study, such a system has been developed by culturing cell lines. Human glioblastoma cell line T98G had no coding-region mutations of the prion protein gene, which was of the 129 M/V genotype, and expressed endogenous PrP^C constitutively. T98G cells produced a form of proteinase K (PK)-resistant prion protein fragment following long-term culture and high passage number; its deglycosylated form was approximately 18 kDa. The PK-treated PrP^{res} was detected by immunoblotting with the mAb 6H4, which recognizes residues 144–152, and a polyclonal anti-C-terminal antibody, but not by the mAb 3F4, which recognizes residues 109–112, or the anti-N-terminal mAb HUC2-13. These results suggest that PrP^C was converted into a proteinase-resistant form of PrP^{res} in T98G cells.

Correspondence Yutaka Kikuchi kikuchi@nihs.go.jp

Received 18 February 2004 Accepted 19 July 2004

INTRODUCTION

Fatal human prion diseases, including sporadic Creutzfeldt–Jakob disease (CJD), inherited prion diseases, iatrogenic CJD, kuru and variant CJD, are transmissible spongiform encephalopathies that are characterized by the formation and accumulation of an abnormal isoform of prion protein (PrP) in the brain (Prusiner, 2001). The PrP^{res} isoform is an insoluble aggregate that is resistant to proteinase K (PK) digestion. The conversion from cellular prion protein (PrP^C) into PrP^{res} could be a potential therapeutic target for prion diseases, but the mechanism of the conversion is unclear.

Several animal cell lines, including mouse neuroblastoma cells (Butler *et al.*, 1988; Race *et al.*, 1987), mouse hypothalamic neuronal cells (Nishida *et al.*, 2000; Schätzl *et al.*, 1997), mouse Schwann cells (Follet *et al.*, 2002) and rat pheochromocytoma cells (Rubenstein *et al.*, 1984), have been infected successfully with scrapie agents, and a human neuroblastoma cell line can also be infected with CJD agents (Ladogana *et al.*, 1995). These cells have been used to study the conversion mechanisms (Lehmann & Harris, 1997) and the subcellular localization (Naslavsky *et al.*, 1997; Vey *et al.*, 1996) of PrP^{res} and to evaluate therapeutic agents (Caughey

& Raymond, 1993; Doh-Ura *et al.*, 2000). However, the efficiencies of infection and propagation of PrP^{res} are relatively low. The mouse cell line SMB was established from a scrapie-infected mouse brain (Clarke & Haig, 1970) and has been used to study the properties of PrP (Birkett *et al.*, 2001). Recently, stable cell lines were established from mouse peripheral neuroglial cells expressing ovine PrP and simian virus 40 T antigen. These cells were readily infectible by sheep PrP^{Sc}, a scrapie isoform of PrP (Archer *et al.*, 2004). However, there are currently no human cell lines that have been used to study the conversion mechanism from PrP^C into PrP^{res}.

PrP mRNA is expressed not only in neurons, but also in glia (Moser et al., 1995) and PrP^{Sc} accumulates in the cytosol and cell-surface membrane of glial cells (van Keulen et al., 1995). The role of glial cells in prion disease is not clear. Human glioblastoma T98G cells, like normal cells, become arrested in G₁ phase under stationary-phase conditions (Stein, 1979). In a previous study, we showed that T98G cells express PrP^C mRNA constitutively and produce a high level of endogenous PrP^C in G₁ phase (Kikuchi et al., 2002). In the present study, we have investigated whether PrP^C is

converted into PrP^{res}, a marker for prion diseases, in cultured T98G cells under various conditions.

METHODS

Materials. A primer set for the human PrP coding sequence (CDS) (GenBank accession no. AL133396) [5'-CGAGGCAGAGCAGTCA-TT-3', starting 18 nt before the ORF, and 5'-AGATGGTGAAAAC-GAGAAGAC-3', ending 6 nt after the ORF (expected product size, 806 bp)] and an internal primer set (5'-GGCAGTGACTATGAG-GACCGTTAC-3' and 5'-GTAACGGTCCTCATAGTCACTGCC-3', corresponding to nt 424-447 relative to the start site of the ORF) were synthesized chemically. Peptide N-glycosidase F (PNGase F) and BsaAI were purchased from New England Biolabs and RPMI 1640 medium was purchased from Nissui Pharmaceutical. A BCA protein assay kit and SuperSignal West Femto Maximum Sensitivity substrate were from Pierce Biotechnology. Hybond-P PVDF membranes were purchased from Amersham Biosciences. Anti-human PrP mAb 3F4 was purchased from Signet Laboratories and 6H4 from Prionics AG. Fetal calf serum (FCS), horseradish peroxidase (HRP)-conjugated goat anti-mouse IgG, HRP-conjugated goat antirabbit IgG, HRP-conjugated rabbit anti-chicken IgG, aprotinin, leupeptin, PMSF, 4-methylumbelliferyl-β-D-galactoside (4-MUG) and mouse IgG were purchased from Sigma. PK was purchased from Merck and 4-(2-aminoethyl)-benzenesulfonyl fluoride hydrochloride (AEBSF) from Roche Diagnostics. SuperScript II reverse transcriptase and random primers were purchased from Invitrogen. β-Galactosidase-conjugated goat anti-mouse IgG was purchased from American Qualex, DNase I from Takara, KOD-Plus-DNA polymerase from Toyobo and 1,4-diazabicyclo[2.2.2]octane (DABCO) from Nacalai Tesque.

Preparation of antibodies. The preparation of chicken mAb HUC2-13 (IgG) against human PrP peptide residues 25–49 was reported previously (Matsuda *et al.*, 1999). The preparation of rabbit polyclonal antibody HPC2 (IgG) against human PrP peptide residues 214–230 was also reported previously (Kikuchi *et al.*, 2002).

Cell culture. Human glioblastoma cell line T98G (JCRB9041) at nominal passage level 433 was provided by the Japanese Cancer Research Resources Bank (Tokyo, Japan). Human astrocytoma U373MG cells were kindly provided by Dr T. Kasahara (Kyoritsu College of Pharmacy, Tokyo, Japan). Cell cultures stored in liquid nitrogen were thawed as passage 0 (P0) and cultured at 37 °C in monolayers on a T75 plastic tissue-culture flask in RPMI 1640 medium supplemented with 10 % (v/v) heat-inactivated FCS, 60 μg kanamycin ml⁻¹ and 10 mM HEPES/NaOH, pH 7·2. All cell lines were subcultivated routinely at a 1:5 or 1:10 split ratio once a week.

PCR direct sequencing and RFLP analysis. Extraction of total RNA from the cells and RT-PCR analysis were performed according to a published method (Kikuchi *et al.*, 2002) with slight modifications. Briefly, 5 μg total RNA was treated with DNase I for 15 min at room temperature. Random primers and SuperScript II reverse transcriptase were added to 20 μl (2·5 μg total RNA) and the mixture was incubated at 42 °C for 60 min to synthesize cDNA. Subsequently, 10 μl cDNA solution was subjected to PCR in a total volume of 50 μl, which included 0·2 mM dNTPs, 1 mM MgSO₄, 1 U KOD-Plus-DNA polymerase and 50 pmol sense and antisense primers. The amplification programme was as follows: denaturation at 94 °C for 20 s, annealing at 60 °C for 30 s and elongation at 68 °C for 60 s for 40 cycles. Final elongation was performed at 68 °C for 1 min. PCR was carried out in a GeneAmp PCR system 2400 (Applied Biosystems). PCR direct sequencing was performed with a

CEQ 2000XL DNA Analysis system (Beckman Coulter) using the primer set for human PrP CDS and an internal primer. Codon 129 polymorphisms were detected by RFLP analysis; the PCR product (200 ng DNA) was digested with 5 U BsaAI for 60 min at 37 °C; after incubation for 20 min at 80 °C, restriction fragments were separated by electrophoresis in 2% agarose gels and visualized following ethidium bromide staining.

Preparation of whole-cell lysates. All cell lines were plated at 5.0×10^5 cells per 9 cm dish (55 cm²) in 10 ml medium on day 0 (D0). The medium was changed every 4 days. At the indicated times, cells were washed twice with ice-cold PBS and scraped into lysis buffer [1.8×10^4 cells μ l⁻¹; 10 mM Tris/HCl (pH 7·5), 150 mM NaCl, 1% sodium deoxycholate, 0·1% SDS, 1% NP-40, 10 mM NaF, 1 mM EDTA, 0·5 mM Na₃VO₃, 10 mM tetrasodium pyrophosphate] with protease inhibitor cocktail [0·06 trypsin inhibitor units (TIU) aprotinin ml⁻¹, 20 μ M leupeptin and 1 mM PMSF]. After sonication, insoluble material was pelleted by centrifugation at 500 g for 15 min at 4°C to yield whole-cell lysates. Protein concentration was determined by the BCA protein assay.

Subcellular fractionation. At the indicated times, cells were washed twice with ice-cold PBS and scraped into PBS/2.5 mM EDTA with the protease inhibitor cocktail. After sonication, insoluble material was pelleted by centrifugation at 500 g for 15 min at 4 °C to yield homogenates. The postnuclear fraction was centrifuged at 100 000 g for 60 min at 4 °C to obtain a cytosolic fraction and a membrane fraction. The membrane fraction was dissolved in PBS/2.5 mM EDTA with the protease inhibitor cocktail. Protein concentration was determined by the BCA protein assay.

Detergent solubility test. A detergent solubility test was carried out according to a described method (Capellari *et al.*, 2000) with slight modifications. Cells were washed twice with ice-cold PBS and scraped into PBS/2·5 mM EDTA with the protease inhibitor cocktail. After sonication, insoluble material was pelleted by centrifugation at 500 g for 15 min at 4°C to yield homogenates. The postnuclear fraction was dissolved in 9 vols 0·5% NP-40/0·5% deoxycholate/PBS with the protease inhibitor cocktail and centrifuged at 100 000 g for 60 min at 4°C to obtain a detergent-insoluble pellet fraction and a soluble supernatant fraction. The supernatant fraction was precipitated with 4 vols methanol for 16 h at -20°C. Both fractions were resuspended in the same volume of lysis buffer.

Protease-resistant PrP assay. To generate material for the protease-resistant PrP assay, aliquots of the sample (50 μ g protein) were precipitated with 4 vols methanol for 16 h at $-20\,^{\circ}$ C to remove the protease inhibitor cocktail (Capellari *et al.*, 2000), centrifuged at 14 000 g for 15 min at 4 °C and the pellet was dissolved in 50 mM Tris/HCl (pH 7·2). Samples were treated with PK (at 10 μ g ml⁻¹ unless stated otherwise) at 37 °C for 30 min, according to a described method (Caughey *et al.*, 1999). After incubation, digestion was stopped by the addition of AEBSF to 4 mM. Samples were prepared with the protease inhibitor cocktail at a concentration that did not inhibit the activity of PK (Fig. 1a, lane 1).

Enzymic deglycosylation. For the removal of Asn-linked oligosaccharides, aliquots of whole-cell lysates were treated with PNGase F as follows (Kikuchi *et al.*, 2002): lysates (50 μg protein) were denatured by boiling for 10 min in 0.5 % SDS, 1 % 2-mercaptoethanol. After addition of NP-40 to 1 %, the lysates were incubated at 37 °C for 2 h with 0.77 IUB mU PNGase F in 50 mM phosphate buffer (pH 7.5).

Immunoblotting. Usually, 50 μg total protein (prepared from approximately 1.7×10^5 cells) was subjected to SDS gel electrophoresis. Briefly, aliquots of the samples were mixed with $2 \times$ electrophoresis sample buffer. After boiling for 10 min, the samples

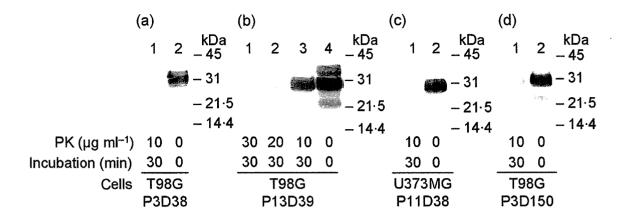


Fig. 1. Formation of a protease-resistant form of PrP in T98G cells is increased in a long-term incubation after repeated passages. T98G cells and U373MG cells were incubated under the following conditions with 10% FCS/RPMI 1640 and whole-cell, methanol-precipitated lysates (50 μg protein) were treated with PK (10 μg ml⁻¹ unless stated otherwise) at for 30 min at 37 °C. (a) T98G cells were incubated for 38 days after 3 passages (P3D38); lysates were treated with PK (lane 1) or left undigested (lane 2). (b) T98G cells were incubated for 39 days after 13 passages (P13D39); lysates were treated with 10, 20 or 30 μg PK ml⁻¹ (lanes 1–3) or left undigested (lane 4). (c) U373MG cells were incubated for 38 days after 11 passages (P11D38); lysates were treated with PK (lane 1) or left undigested (lane 2). (d) T98G cells were incubated for 150 days after 3 passages; lysates were treated with PK (lane 1) or left undigested (lane 2). PK-treated lysates were subjected to immunoblot with the 6H4 antibody as described in Methods.

were electrophoresed on 12.5% acrylamide gel and the proteins were transferred onto PVDF membranes. The membranes were blocked with 0.5% casein in PBS (casein/PBS) and incubated with anti-prion antibodies in casein/PBS. Immunoreactive bands were visualized with HRP-conjugated anti-IgG and SuperSignal West Femto Maximum Sensitivity substrate, according to the manufacturer's instructions (Pierce Biotechnology).

Indirect immunofluorescence staining. T98G cell monolayers grown on a 15 mm glass coverslip (Matsunami) in a 9 cm dish (55 cm²) were maintained in 10 ml medium. At the indicated times, cells were washed twice with ice-cold PBS and then fixed with 3.7% formaldehyde in PBS for 30 min at 4 °C. The fixed cells were washed twice with PBS and then treated with 0.2% Triton X-100 in PBS for 15 min at room temperature. The cells were blocked with 10% normal goat serum in PBS (NGS/PBS) for 60 min and incubated with antibody (100 ng ml $^{-1}$) for 16 h at 4 °C. After extensive washing with 0.05% Tween 20/PBS, cells were treated with Alexa 594 goat anti-mouse IgG (H+L) conjugate (5 μ g ml $^{-1}$) (Molecular Probes) in NGS/PBS for 1 h at 4 °C, washed with 0.05% Tween 20/PBS and mounted with 2.5% DABCO/90% glycerin/PBS. The stained cells were observed and photographed with the aid of a fluorescence microscope (Olympus).

Competitive ELISA. ELISA was carried out according to a method described previously (Kikuchi *et al.*, 1991). For a dilution buffer, casein/PBS was used throughout the present study. Briefly, the wells were coated with 100 ng recombinant bovine PrP (rBoPrP) (Takekida *et al.*, 2002) in PBS and left at 4 °C overnight. Appropriately diluted standard rBoPrP solutions or samples were added to the antigencoated wells and incubated at room temperature for 60 min, in a total volume of 50 μ l, with 6H4 antibody (460 pg). The wells were washed, incubated with β -galactosidase-conjugated goat anti-mouse IgG for 60 min, washed again and then incubated with 4-MUG as a substrate at 37 °C for 60 min. Enzyme activity was determined by fluorescence intensity measurements.

RESULTS

Production of protease-resistant isoform of PrP in T98G cells

We analysed whole-cell lysates of long-term cultured T98G cells by immunoblotting with anti-PrP antibodies. When we cultured the cells for 38 days after 3 passages [passage 3, day 38 (P3D38)], the lysates revealed two bands (35 and 31 kDa) that reacted with mouse anti-human PrP mAb 6H4 (Fig. 1a, lane 2) and were destroyed completely after digestion with PK (Fig. 1a, lane 1). When lysates from cells that were cultured for 39 days after 13 passages [passage 13, day 39 (P13D39)] were digested with PK (10, 20 or 30 µg ml⁻¹), the 35 kDa band, but not the 31 kDa band, was diminished (Fig. 1b), indicating the presence of PrPres. We then attempted to detect PrPres formation in longterm cultures of another human glial cell line, U373MG, an astrocytoma line that expresses consistently high levels of PrP^C mRNA (Satoh et al., 1998). The lysates from P11D38 U373MG cells exhibited the 31 kDa band that reacted with the 6H4 antibody and disappeared after digestion with PK (Fig. 1c). Lysates from P3D150 T98G cells showed a faint 31 kDa band after PK treatment (Fig. 1d). In contrast, P13D39 T98G cells had produced highly PK-resistant PrP. These data indicated that PrPres propagation in T98G cells required not only long-term culture, but also a high passage number.

Examination of phenotypic variants of PrPres

We first asked whether an inherited or a sporadic CJD-like form of PrP^{res} was propagated in T98G cells. Inherited prion

http://vir.sgmjournals.org 3451

diseases are determined by mutations in the 762 bp CDS of the prion protein gene (PRNP) (Kovács et al., 2002). We performed PCR direct sequencing of the PRNP mRNA that was expressed in short- and long-term cultured T98G cells and found no mutations other than the presence of both adenine and guanine at the first position of codon 129 (the basis of the common M129V polymorphism) (data not shown). When digested by BsaAI, the 806 bp PCR product from the M129V haplotype (Fig. 2a, lane 1) yielded products of 402 and 404 bp and also undigested wild-type product (Fig. 2a, lane 2), which we confirmed by RFLP analysis. These results indicated that T98G cells were heterozygotes, having both methionine and valine at codon 129 of PRNP with no coding-region mutation.

Next, to estimate the size of the deglycosylated PrP^{res}, we treated the lysates from P40D40 T98G cells with PK and/or PNGase F. PNGase F yields a full-length (25 kDa) and an N-terminally truncated (18 kDa) form of PrP^C (Kikuchi et al., 2002). As shown in Fig. 2b, PNGase F treatment reduced the glycosylated 35 and 31 kDa bands (lane 4) to 25 and 18 kDa (lane 3), representing the deglycosylated full-length and N-terminally truncated forms. An additional PNGase F treatment changed fully glycosylated (31 kDa) and partially glycosylated (23 kDa) forms of PrP^{res}, detectable after digestion with PK (lane 2), to an unglycosylated form of 18 kDa (lane 1). These results established that the size of the deglycosylated PK-resistant fragment in T98G cells was approximately 18 kDa.

Confirming heterogeneity of PrP^{res} by immunoblotting with sets of anti-PrP antibodies

To further investigate the heterogeneity of PrPres from long-term cultured T98G cells, we determined the antigenicity of PrPres. By immunoblotting with sets of antibodies to PrP (Kikuchi et al., 2002), we detected a full-length PrP (35 kDa) in lysates from P40D40 T98G cells that reacted with the anti-N terminus PrP antibody HUC2-13 (Fig. 3a, lane 2), as well as with the 6H4 antibody (Fig. 3c, lane 2). Following PK treatment of the lysates, the 31 kDa band was still detected by 6H4 antibody (Fig. 3c, lane 1), but not by HUC2-13 antibody (Fig. 3a, lane 1), indicating that PK treatment had cleaved the N terminus of PrPres. The 31 kDa band was also detected by the anti-C terminus PrP antibody HPC2 (Fig. 3d, lane 1). HPC2 antibody, which reacts strongly with the deglycosylated form of PrP^C, but weakly with the glycosylated form (Kikuchi et al., 2002), also recognized the N-terminally truncated form of PrPres. Surprisingly, the 3F4 antibody, which recognizes residues 109-112, failed to detect the N-terminally truncated form of PrPres (Fig. 3b), such as is seen with the HUC2-13 antibody (Fig. 3a). These experiments showed that the Nterminally truncated form of PrPres in T98G cells lacks the epitope that is recognized by the 3F4 antibody.

Subcellular localization and detergent solubility of PrP^{res} in T98G cells

To determine the subcellular localization of PrP^{res}, we studied the distribution of PrP in P40D40 T98G cells

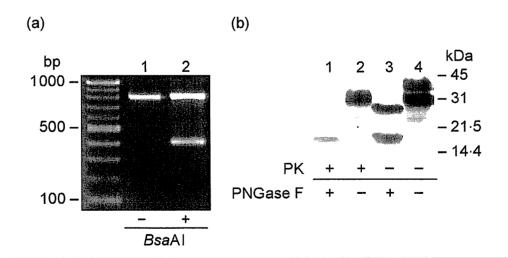


Fig. 2. Molecular analysis of PrP^{res} in T98G cells. (a) Detection of polymorphism at codon 129 on PrP mRNA in T98G cells. T98G cells were incubated with 10% FCS/RPMI 1640 for 5 days after 43 passages (P43D5) and total RNA was prepared, reverse-transcribed and PCR-amplified as described in Methods and digested with BsaAl (lane 2) or left undigested (lane 1). A DNA size marker (100 bp ladder) is shown on the left. (b) Analysis of deglycosylated forms of PrP in T98G cells. T98G cells were incubated with 10% FCS/RPMI 1640 for 40 days after 40 passages (P40D40); whole-cell, methanol-precipitated lysates were treated with PK (lanes 1 and 2) or left undigested (lanes 3 and 4). All lysates were incubated with (lanes 1 and 3) or without (lanes 2 and 4) PNGase F for 120 min. PK-treated lysates were subjected to immunoblot with the 6H4 antibody as described in Methods.

3452 Journal of General Virology 85

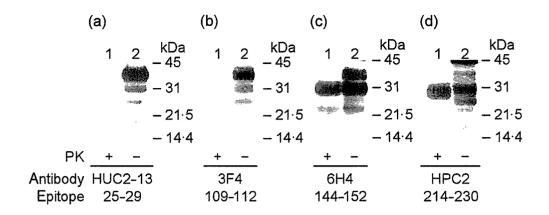


Fig. 3. Immunoblot analysis using anti-PrP antibodies for the protease-resistant form of PrP in T98G cells. T98G cells were incubated with 10% FCS/RPMI 1640 for 40 days after 40 passages (P40D40); whole-cell, methanol-precipitated lysates were treated with PK (lane 1) or left undigested (lane 2). PK-treated lysates were subjected to immunoblot with the HUC2-13 (a), 3F4 (b), 6H4 (c) or HPC2 (d) antibodies as described in Methods. Epitope recognition sites located within PrP are shown as amino acid numbers.

by indirect immunofluorescence staining. Immunoreactive PrP with 6H4 antibody was observed on the cell surface as a bright fluorescent signal (Fig. 4a), whereas little signal was observed with mouse IgG, a control antibody purified from normal mouse serum (data not shown). We next prepared membrane and cytosolic fractions from homogenates of P40D40 T98G cells and measured the amount of PrP by competitive ELISA using the 6H4 antibody. PrP was recovered predominantly in the membrane fraction (Table 1). As shown in Fig. 4b, the distribution of PrP^{res} in P40D40 T98G cells (left panel) was similar to that of PrP^C

in P3D36 T98G cells (right panel); PrP^{res} was detected in the membrane fraction (left panel, lane 3), as well as in homogenates (left panel, lane 1), but no PrP was detected in the cytosolic fraction (left panel, lanes 5 and 6). These data indicated that most PrP^{res} was in the membrane fraction, probably on the plasma membrane. To test the detergent solubility of PrP, the homogenates of P40D40 T98G cells were centrifuged in non-ionic detergents. A large proportion of immunoreactive PrP was found in the supernatant fraction (Fig. 4c, lane 3), but no PrP was detected in the pellet fraction (Fig. 4c, lane 2). These

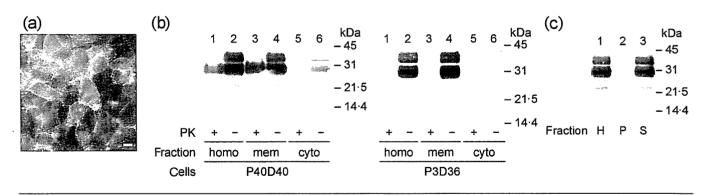


Fig. 4. Subcellular localization and detergent solubility of PrP^{res} in long-term cultured T98G cells. T98G cells were incubated with 10% FCS/RPMI 1640 in the long-term incubation after repeated passages. (a) T98G cells for 40 days after 40 passages (P40D40) on a 15 mm glass coverslip were subjected to indirect immunofluorescence staining with the 6H4 antibody as described in Methods. Bar, 10 μm. (b) T98G cells for 40 days after 40 passages (P40D40, left panel) and for 36 days after 3 passages (P3D36, right panel) were scraped into PBS/2·5 mM EDTA and sonicated. Homogenates (homo) were separated into a membrane fraction (mem) and a cytosolic fraction (cyto). Methanol-precipitated lysates were treated with PK (lanes 1, 3 and 5) or left undigested (lanes 2, 4 and 6). PK-treated samples were subjected to immunoblotting with the 6H4 antibody as described in Methods. (c) T98G cells for 40 days after 40 passages (P40D40) were scraped into PBS/2·5 mM EDTA and sonicated. Homogenates (H) of 50 μg protein were centrifuged as described in Methods to obtain a non-ionic detergent-insoluble pellet (P) and a soluble supernatant fraction (S). Homogenates, pellet and supernatant fractions (50 μg protein each) were subjected to immunoblot with the 6H4 antibody as described in Methods.

http://vir.sgmjournals.org 3453

Table 1. Subcellular localization of PrP in long-term cultured T98G cells

The amount of PrP is expressed as recombinant bovine PrP equivalents per 10^7 cells. Values are means + SEM (n=4).

Sample	PrP content			
	pmol	%		
Homogenate	263·4±20·9	100.0		
Membrane fraction	228.9 ± 17.5	86.9		
Cytosolic fraction	9·9±0·5	3.8		

experiments indicated that PrP^{res} in T98G cells was non-ionic detergent-soluble.

DISCUSSION

The mechanism of the conversion of PrP has not been studied in human cell cultures, due to the lack of a model system. In the present study, we developed such a system by culturing human glioblastoma T98G cells, which express endogenous PrP^C constitutively. After reaching a high passage number, long-term cultured T98G cells converted PrP^C into PrP^{res}.

Direct sequencing of amplified PRNP mRNA and RFLP analysis indicated that the T98G cells were heterozygotes at codon 129 (129M/V) and that no new coding mutations were present in cells that had been subjected to long-term cultures. The deglycosylated form of PK-treated PrPres in T98G cells migrated at approximately 18 kDa. In human prion diseases, two major types of PrPres can be identified, based on electrophoretic migration; the relative molecular mass of the unglycosylated form is approximately 21 kDa (described as type 1) or 19 kDa (described as type 2) (Parchi et al., 1997). Accordingly, PrPres in T98G cells is similar to the previously described MV2 phenotypic variant (Parchi et al., 1999a). However, the size of the deglycosylated PKresistant fragment in T98G cells was smaller than that of the corresponding fragments observed in type 2 PrP^{res}. Most importantly, the 3F4 antibody, which is a wellcharacterized antibody known to target residues 109-112 as its epitope (Kascsak et al., 1987; Matsunaga et al., 2001), did not react with PK-digested PrPres in T98G cells, suggesting that the N-terminal PrP region up to residue 109 might be absent in PK-treated PrPres in T98G cells. Human PrPres peptide is divided into three regions that are defined by their PK-cleavage patterns: an N-terminal region (residues 23-73) that is invariably PK-sensitive, a C-terminal region (residues 103-231) that is invariably PK-resistant and a variably digested region (residues 74-102), where the major cleavage sites are at G82 in type 1 and at S97 in type 2 (Parchi et al., 2000). The 3F4 antibody was used to type PrPres (Parchi et al., 2000). Therefore, there are striking differences in the antigenicity, which reflect the PK-cleavage patterns, between type 2 PrPres in sporadic CJD brain and in T98G cells. It is unlikely, but not impossible, that PK

treatment generated conformational changes in the midregion of PrP^{res} that interfered with epitope recognition by the 3F4 antibody. Further studies are needed to classify the type of PrP^{res} in lysates from long-term cultured T98G cells.

So far, human PrPSc has been analysed on immunoblots with the 3F4 antibody. Our finding may explain why previous studies have failed to detect PrPres in cultured cells. Interestingly, an N-terminally truncated 18 kDa fragment of PrP (designated C1) in normal and sporadic CJD brains has similar properties except that it is PK-sensitive; it is recognized by the anti-C terminus antibody, but not by the 3F4 antibody, is cleaved around residue 111 and is associated with cell membranes (Chen et al., 1995). PrP^C from human brain homogenates (n=6) originally displayed a partial PK resistance (20 µg ml⁻¹ for 10 min) and has been detected by the antibody that recognizes residues 145-163, but not by the 3F4 antibody (Buschmann et al., 1998). Taking the data from the various studies of PrP immunoreactivity into consideration, we believe that it would be better to incorporate an additional antibody that recognizes the C terminus of PrP into the standardly used protease resistance-dependent PrPSc assay.

Among the sets of antibodies used in this study, the anti-N-terminal portion antibodies (HUC2-13 and 3F4) reacted strongly with the fully glycosylated form and moderately with the partially glycosylated form. In contrast, the antibodies against the C-terminal portion of PrP (6H4 and HPC) reacted moderately with the fully glycosylated form and strongly with the partially glycosylated form. It is possible that PK digestion induces a conformational change of digested PrP and enhances its immunoreactivity to the anti-C-terminal antibodies. Recently, it has been reported that the amino acid motif Tyr-Tyr-Arg (YYR), located in a β -sheet, is exposed in PrP^{Sc}, whilst it is cryptic in PrP^C, and that antibodies recognize YYR in PrP^{Sc}, but not in PrP^C (Paramithiotis et al., 2003). Another paper has reported that PK digestion enhances immunoreactivity to the anti-PrP antibody that recognizes the epitope YYR, located in a β -sheet (Brun et al., 2004). These reports suggest that conformation of the C-terminal portion of PrPSc is essential for immunoreactivity of anti-YYR antibodies. The 6H4 antibody also recognizes residues 144-152 of PrP, including a YYR motif that is located in an α -helix, not in a β -sheet (Korth et al., 1997). Further study is needed to clarify the immunoreactivity of anti-C-terminal PrP antibodies.

It has been proposed that PrP^C is converted into PrP^{res} either on the cell surface or in endocytic cellular compartments. PrP^C is a surface protein that contains a glycosylphosphatidylinositol anchor (Stahl *et al.*, 1987). A portion of PrP^{Sc} is also localized on the cell surface of scrapie-infected mouse neuroblastoma ScN2a cells (Naslavsky *et al.*, 1997; Vey *et al.*, 1996), although it is also found in lysosomes (Taraboulos *et al.*, 1990). Subcellular localization of PrP^{res} in long-term cultured T98G cells was similar to that of PrP^{Sc}-infected cells, being present on the cell surface.

PrP^{Sc} in ScN2a cells is sedimented by centrifugation in non-ionic detergents (Caughey *et al.*, 1991). Mutant PrP in stably transfected Chinese hamster ovary cells, which express murine homologues associated with human inherited prion diseases, is also non-ionic detergent-insoluble (Lehmann & Harris, 1996). However, the PrP^{res} in T98G cells is detergent-soluble. PrP^{res} in the human neuroblastoma cell line M-17 BE(2)C carrying the familial subtype CJD, the glutamic acid to lysine substitution at codon 200 (E200K), is also partially non-ionic detergent-insoluble (Capellari *et al.*, 2000). The present study indicates that not all PrP^{res} is non-ionic detergent-insoluble.

Many cultured cells that express PrPres mutants carrying substitutions of inherited prion disease show considerably less protease resistance (up to 3·3 μg ml⁻¹ for 10 min), compared with PrPres mutants isolated from the human brain (Capellari et al., 2000; Harris, 2001). In contrast, the PrPres in T98G cells displayed a high resistance to digestion with PK (10 μ g ml⁻¹ for 30 min), but was less resistant than PrPres in brain homogenates of sporadic CJD (up to 100 μg ml⁻¹ for 24 h). Sporadic CJD is typically characterized by widespread spongiform degeneration with loss of neurons, gliosis and formation of amyloid plaques (Parchi et al., 1999a). It has recently been reported that six cases of sporadic fatal insomnia, a prion disease mimicking fatal familial insomnia, had no coding-region mutation of PRNP with the 129 M/M genotype and an approximately 19 kDa deglycosylated PrPres, the same as that of type 2 (Mastrianni et al., 1999; Parchi et al., 1999b). Familial progressive subcortical gliosis may also be a prion disease, characterized by astrogliosis at the cortex-white matter junction (Petersen et al., 1995). All patients from two families with that disease showed no coding-region mutation of PRNP, the 129 M/M genotype and the 18·1-19.3 kDa form of deglycosylated PrPres (Petersen et al., 1995). T98G cells were grown out of human glioblastoma multiforma tumour tissue of a 61-year-old Caucasian man (Stein, 1979). We consider it possible that he also had a sporadic form of prion disease.

Conversion from PrP^C into PrP^{res} is an important process, because most prion diseases are characterized by presence of PrPres. Some knowledge of the conversion mechanism is based on studies of scrapie-infected cells. Recently, it has been reported that several conditions can induce the formation of PrPres in cultured cells. Proteasome inhibitors cause accumulation of the unglycosylated form of PrPres in treated cells (Lehmann & Harris, 1997; Ma & Lindquist, 1999; Yedidia et al., 2001). PrP that misfolds during maturation in the endoplasmic reticulum is delivered to the cytosol for degradation by proteasomes (Béranger et al., 2002; Ma & Lindquist, 2001; Yedidia et al., 2001). It has been hypothesized the conversion into PrPres might occur when the number of PrP molecules exceeds the capacity of the cell to degrade them (Ma & Lindquist, 2002). Another study showed that manganese-treated mouse astrocytes express the glycosylated form of PrPres (Brown et al., 2000). Here, we report for the first time the conversion of PrP^C into PrP^{res} in the widely used human glioblastoma cell line T98G; a large number of passages and prolonged incubation under routine cell-culture conditions are required. *In vitro*-generated PrP^{res} is reportedly not sufficient for the production of infectivity (Caughey *et al.*, 2001; Hill *et al.*, 1999) and further study is needed to clarify the infectivity of PrP^{res} in T98G cells (indeed, caution should be taken with T98G cells in the laboratory). Infectivity assays of PrP^{res} in T98G cells are now in progress in transgenic mice.

In conclusion, T98G cells should be a useful model for studying the mechanisms of PrP^C conversion into PrP^{res}.

ACKNOWLEDGEMENTS

This work was supported by grants from Research on Hepatitis and BSE (H14-BSE-002) and Risk Analysis Research on Food and Pharmaceuticals (H14-BSE-001 and 003) from the Ministry of Health, Labor and Welfare, Japan.

REFERENCES

Archer, F., Bachelin, C., Andreoletti, O. & 8 other authors (2004). Cultured peripheral neuroglial cells are highly permissive to sheep prion infection. *J Virol* 78, 482–490.

Béranger, F., Mangé, A., Goud, B. & Lehmann, S. (2002). Stimulation of PrP^C retrograde transport toward the endoplasmic reticulum increases accumulation of PrP^{Sc} in prion-infected cells. *J Biol Chem* **277**, 38972–38977.

Birkett, C. R., Hennion, R. M., Bembridge, D. A., Clarke, M. C., Chree, A., Bruce, M. E. & Bostock, C. J. (2001). Scrapie strains maintain biological phenotypes on propagation in a cell line in culture. *EMBO J* 20, 3351–3358.

Brown, D. R., Hafiz, F., Glasssmith, L. L., Wong, B.-S., Jones, I. M., Clive, C. & Haswell, S. J. (2000). Consequences of manganese replacement of copper for prion protein function and proteinase resistance. *EMBO J* 19, 1180–1186.

Brun, A., Castilla, J., Ramírez, M. A. & 8 other authors (2004). Proteinase K enhanced immunoreactivity of the prion protein-specific monoclonal antibody 2A11. *Neurosci Res* 48, 75–83.

Buschmann, A., Kuczius, T., Bodemer, W. & Groschup, M. H. (1998). Cellular prion proteins of mammalian species display an intrinsic partial proteinase K resistance. *Biochem Biophys Res Commun* 253, 693–702.

Butler, D. A., Scott, M. R. D., Bockman, J. M., Borchelt, D. R., Taraboulos, A., Hsiao, K. K., Kingsbury, D. T. & Prusiner, S. B. (1988). Scrapie-infected murine neuroblastoma cells produce protease-resistant prion proteins. *J Virol* 62, 1558–1564.

Capellari, S., Parchi, P., Russo, C. M., Sanford, J., Sy, M. S., Gambetti, P. & Petersen, R. B. (2000). Effect of the E200K mutation on prion protein metabolism. Comparative study of a cell model and human brain. *Am J Pathol* 157, 613–622.

Caughey, B. & Raymond, G. J. (1993). Sulfated polyanion inhibition of scrapie-associated PrP accumulation in cultured cells. *J Virol* 67, 643–650.

Caughey, B., Raymond, G. J., Ernst, D. & Race, R. E. (1991). N-terminal truncation of the scrapie-associated form of PrP by lysosomal protease(s): implications regarding the site of conversion of PrP to the protease-resistant state. *J Virol* 65, 6597–6603.

http://vir.sgmjournals.org 3455

- Caughey, B., Horiuchi, M., Demaimay, R. & Raymond, G. J. (1999). Assays of protease-resistant prion protein and its formation. *Methods Enzymol* 309, 122–133.
- Caughey, B., Raymond, G. J., Callahan, M. A., Wong, C., Baron, G. S. & Xiong, L.-W. (2001). Interactions and conversions of prion protein isoforms. *Adv Protein Chem* 57, 139–169.
- Chen, S. G., Teplow, D. B., Parchi, P., Teller, J. K., Gambetti, P. & Autilio-Gambetti, L. (1995). Truncated forms of the human prion protein in normal brain and in prion diseases. *J Biol Chem* 270, 19173–19180.
- Clarke, M. C. & Haig, D. A. (1970). Evidence for the multiplication of scrapie agent in cell culture. *Nature* 225, 100–101.
- **Doh-Ura, K., Iwaki, T. & Caughey, B. (2000).** Lysosomotropic agents and cysteine protease inhibitors inhibit scrapie-associated prion protein accumulation. *J Virol* **74**, 4894–4897.
- Follet, J., Lemaire-Vieille, C., Blanquet-Grossard, F. & 8 other authors (2002). PrP expression and replication by Schwann cells: implications in prion spreading. *J Virol* 76, 2434–2439.
- Harris, D. A. (2001). Biosynthesis and cellular processing of the prion protein. Adv Protein Chem 57, 203-228.
- Hill, A. F., Antoniou, M. & Collinge, J. (1999). Protease-resistant prion protein produced *in vitro* lacks detectable infectivity. *J Gen Virol* 80, 11–14.
- Kascsak, R. J., Rubenstein, R., Merz, P. A., Tonna-DeMasi, M., Fersko, R., Carp, R. I., Wisniewski, H. M. & Diringer, H. (1987). Mouse polyclonal and monoclonal antibody to scrapie-associated fibril proteins. *J Virol* 61, 3688–3693.
- Kikuchi, Y., Irie, M., Yoshimatsu, K. & 8 other authors (1991). A monoclonal antibody to scopolamine and its use for competitive enzyme-linked immunosorbent assay. *Phytochemistry* 30, 3273–3276.
- Kikuchi, Y., Kakeya, T., Yamazaki, T. & 7 other authors (2002). G₁-dependent prion protein expression in human glioblastoma cell line T98G. *Biol Pharm Bull* 25, 728–733.
- Korth, C., Stierli, B., Streit, P. & 14 other authors (1997). Prion (PrPSc)-specific epitope defined by a monoclonal antibody. *Nature* 390, 74–77.
- Kovács, G. G., Trabattoni, G., Hainfellner, J. A., Ironside, J. W., Knight, R. S. G. & Budka, H. (2002). Mutations of the prion protein gene phenotypic spectrum. *J Neurol* 249, 1567–1582.
- Ladogana, A., Liu, Q., Xi, Y. G. & Pocchiari, M. (1995). Proteinase-resistant protein in human neuroblastoma cells infected with brain material from Creutzfeldt-Jakob patient. *Lancet* 345, 594–595.
- **Lehmann, S. & Harris, D. A. (1996).** Mutant and infectious prion proteins display common biochemical properties in cultured cells. *J Biol Chem* **271**, 1633–1637.
- **Lehmann, S. & Harris, D. A. (1997).** Blockade of glycosylation promotes acquisition of scrapie-like properties by the prion protein in cultured cells. *J Biol Chem* **272**, 21479–21487.
- Ma, J. & Lindquist, S. (1999). De novo generation of a PrP^{Sc}-like conformation in living cells. *Nat Cell Biol* 1, 358–361.
- Ma, J. & Lindquist, S. (2001). Wild-type PrP and a mutant associated with prion disease are subject to retrograde transport and proteasome degradation. *Proc Natl Acad Sci U S A* 98, 14955–14960.
- **Ma, J. & Lindquist, S. (2002).** Conversion of PrP to a self-perpetuating PrP^{Sc}-like conformation in the cytosol. *Science* **298**, 1785–1788.
- Mastrianni, J. A., Nixon, R., Layzer, R., Telling, G. C., Han, D., DeArmond, S. J. & Prusiner, S. B. (1999). Prion protein conformation in a patient with sporadic fatal insomnia. *N Engl J Med* 340, 1630–1638.

- Matsuda, H., Mitsuda, H., Nakamura, N., Furusawa, S., Mohri, S. & Kitamoto, T. (1999). A chicken monoclonal antibody with specificity for the N-terminal of human prion protein. FEMS Immunol Med Microbiol 23, 189–194.
- Matsunaga, Y., Peretz, D., Williamson, A., Burton, D., Mehlhorn, I., Groth, D., Cohen, F. E., Prusiner, S. B. & Baldwin, M. A. (2001). Cryptic epitopes in N-terminally truncated prion protein are exposed in the full-length molecule: dependence of conformation on pH. *Proteins* 44, 110–118.
- Moser, M., Colello, R. J., Pott, U. & Oesch, B. (1995). Developmental expression of the prion protein gene in glial cells. *Neuron* 14, 509–517.
- Naslavsky, N., Stein, R., Yanai, A., Friedlander, G. & Taraboulos, A. (1997). Characterization of detergent-insoluble complexes containing the cellular prion protein and its scrapie isoform. *J Biol Chem* 272, 6324–6331.
- Nishida, N., Harris, D. A., Vilette, D., Laude, H., Frobert, Y., Grassi, J., Casanova, D., Milhavet, O. & Lehmann, S. (2000). Successful transmission of three mouse-adapted scrapic strains to murine neuroblastoma cell lines overexpressing wild-type mouse prion protein. *J Virol* 74, 320–325.
- Paramithiotis, E., Pinard, M., Lawton, T. & 19 other authors (2003). A prion protein epitope selective for the pathologically misfolded conformation. *Nat Med* 9, 893–899.
- Parchi, P., Capellari, S., Chen, S. G. & 8 other authors (1997). Typing prion isoforms. *Nature* 386, 232–234.
- Parchi, P., Giese, A., Capellari, S. & 15 other authors (1999a). Classification of sporadic Creutzfeldt-Jakob disease based on molecular and phenotypic analysis of 300 subjects. *Ann Neurol* 46, 224–233.
- Parchi, P., Capellari, S., Chin, S. & 7 other authors (1999b). A subtype of sporadic prion disease mimicking fatal familial insomnia. *Neurology* 52, 1757–1763.
- Parchi, P., Zou, W., Wang, W. & 10 other authors (2000). Genetic influence on the structural variations of the abnormal prion protein. *Proc Natl Acad Sci U S A* 97, 10168–10172.
- Petersen, R. B., Tabaton, M., Chen, S. G. & 10 other authors (1995). Familial progressive subcortical gliosis: presence of prions and linkage to chromosome 17. *Neurology* 45, 1062–1067.
- Prusiner, S. B. (2001). Prions. In *Fields Virology*, 4th edn, pp. 3063–3087. Edited by D. M. Knipe & P. M. Howley. Philadelphia, PA: Lippincott Williams & Wilkins.
- Race, R. E., Fadness, L. H. & Chesebro, B. (1987). Characterization of scrapie infection in mouse neuroblastoma cells. *J Gen Virol* 68, 1391–1399.
- Rubenstein, R., Carp, R. I. & Callahan, S. M. (1984). *In vitro* replication of scrapie agent in a neuronal model: infection of PC12 cells. *J Gen Virol* 65, 2191–2198.
- Satoh, J., Kurohara, K., Yukitake, M. & Kuroda, Y. (1998). Constitutive and cytokine-inducible expression of prion protein gene in human neural cell lines. *J Neuropathol Exp Neurol* 57, 131–139.
- Schätzl, H. M., Laszlo, L., Holtzman, D. M., Tatzelt, J., DeArmond, S. J., Weiner, R. I., Mobley, W. C. & Prusiner, S. B. (1997). A hypothalamic neuronal cell line persistently infected with scrapie prions exhibits apoptosis. *J Virol* 71, 8821–8831.
- Stahl, N., Borchelt, D. R., Hsiao, K. & Prusiner, S. B. (1987). Scrapie prion protein contains a phosphatidylinositol glycolipid. *Cell* 51, 229–240
- **Stein, G. H. (1979).** T98G: an anchorage-independent human tumor cell line that exhibits stationary phase G_1 arrest in vitro. *J Cell Physiol* **99**, 43–54.