



図1 ETT2(*eivA-F* 遺伝子群)に対するサザンブロット

ウシ及びヒト由来代表株における *eivA-F* 配列の保有をサザンブロットにより検討した。

表 1 ETT2 領域の遺伝子保有状況

由来	菌株数	ETT2		
		L(6.6kb)	D (2.6kb)	C (5.5kb)
ウシ	129	129	129	126
ヒト	66	66	66	66
計	195	195	195	192

ETT2 内の 3 領域の保有状況について PCR 法により調査を行った。結果は陽性数として表している。