

クッキングシート-3 (Sample No. 3) のジクロロメタン溶出のトータルイオンクロマトグラム
 (上段はコントロールのクロマトグラム)

○; コントロールにも出たピーク
 ×; 有害性が低いと判断したピーク

クッキングシート-3 (Sample No.3)から検出された有機化学物質のマススペクトルと構造式

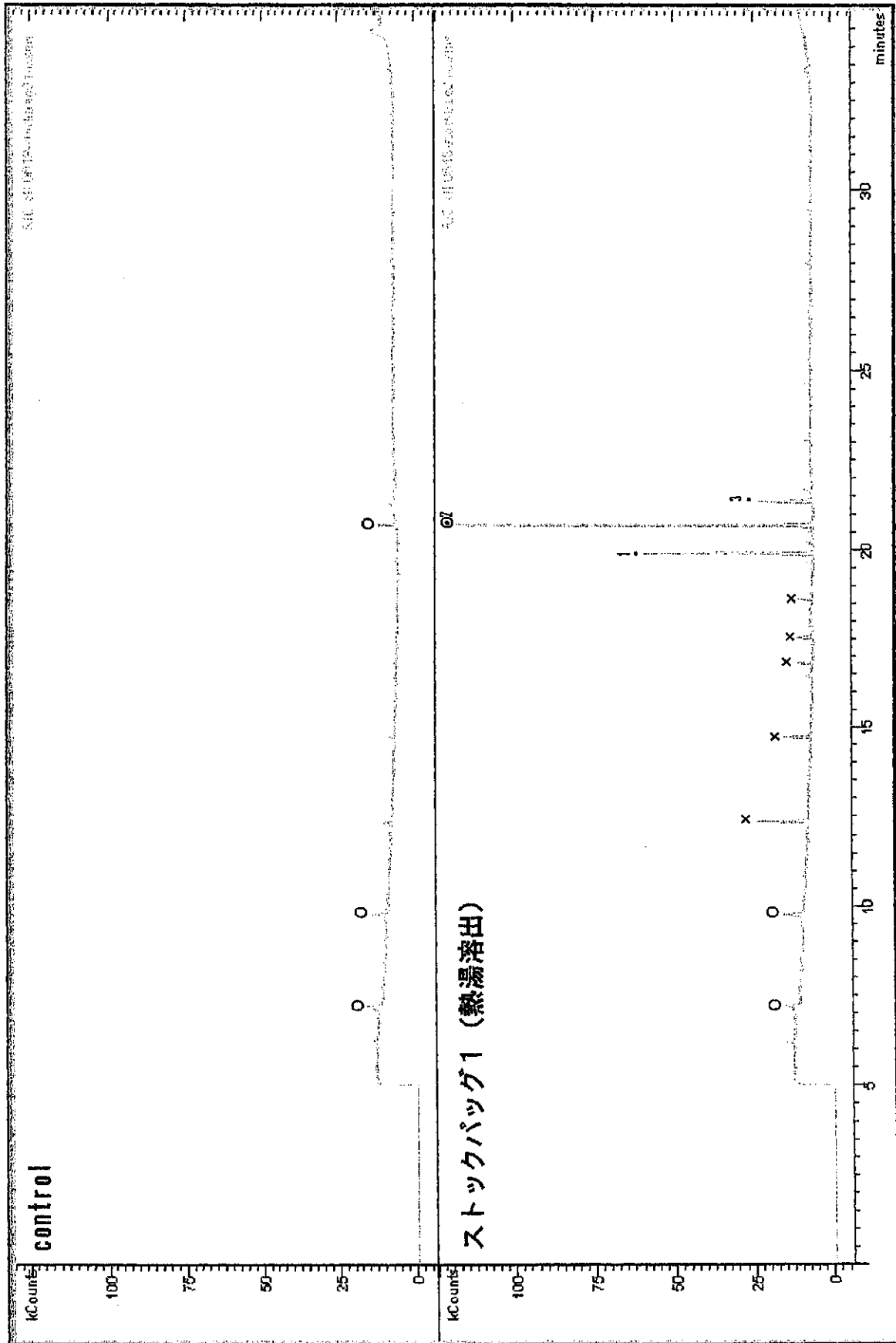
Peak No.	マススペクトル	フラグメンテーションがよく一致した化合物の構造式と化合物名		ピークサイズ		Prob.
		熱湯	DCM			
1	<p>Learned Spect 1 Range 20.525 min. Scan: 1139 Chan: 1 Ion: 5042 us RIC: 37851 BC</p>	<p>methyl 2-benzoylbenzoate</p>	+	++	91.77	
2	<p>Learned Spect 1 Range 21.350 min. Scan: 1182 Chan: 1 Ion: 7683 us RIC: 23044 BC</p>	<p>(M)-1-Cyclohexene-1-carboxylic acid, 4-(1,5-dimethyl-3-oxohexyl)-, methyl ester, [R*(R*), R*]-</p>	+	++	60.89	
3	<p>Learned Spect 1 Range 18.960 min. Scan: 1056 Chan: 1 Ion: 4604 us RIC: 65362 BC</p>	<p>tert-Amylbenzene</p>	-	++	4.28	
4	<p>Learned Spect 1 Range 19.029 min. Scan: 1108 Chan: 1 Ion: 9555 us RIC: 13388 BC</p>	<p>2,2-Dimethoxy-2-phenylacetophenone(DMPA)</p>	-	++	14.69	

Peak No.	マススペクトル	フラグメンテーションがよく一致した化合物の構造式と化合物名	ピークサイズ		Prob.
			熱湯	DCM	
5	<p>Learned Spect 1 Range: 28.038 min. Scan: 1520 Chan: 1 Ion: 10071 us RIC: 9258 BC</p>	<p>Diocetyl phthalate (DOP)</p>		++	0.78

- ; 1k カウント未満または不検出

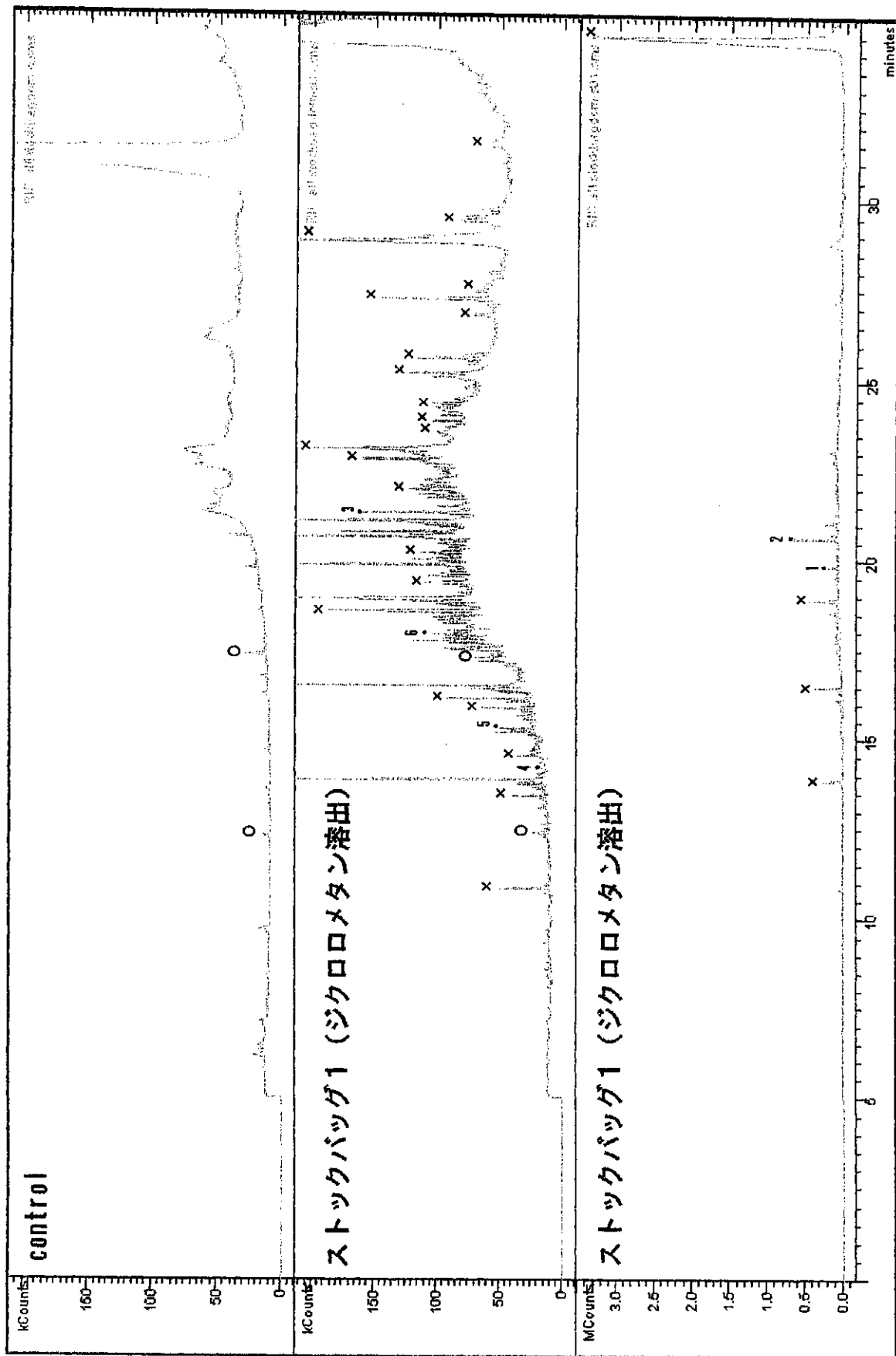
+ ; 1~9k カウント, ++ ; 10~99k カウント

+++ ; 100k~999k カウント, ++++ ; 1M カウント以上



ストックバッグ-1 (Sample No. 4)の熱湯溶出のトータルイオンクロマトグラム
(上段はコントロールのクロマトグラム)

O ; コントロールにも出たピーク
X ; 有害性が低いと判断したピーク



ストックバッグ-1 (Sample No. 4) のジクロロメタン溶出のトータルクロマトグラム
(上段はコントロールのクロマトグラム)

O ; コントロールにも出たピーク
X ; 有害性が低いと判断したピーク

ストックバッグ-1 (Sample No.4)から検出された有機化学物質のマススペクトルと構造式

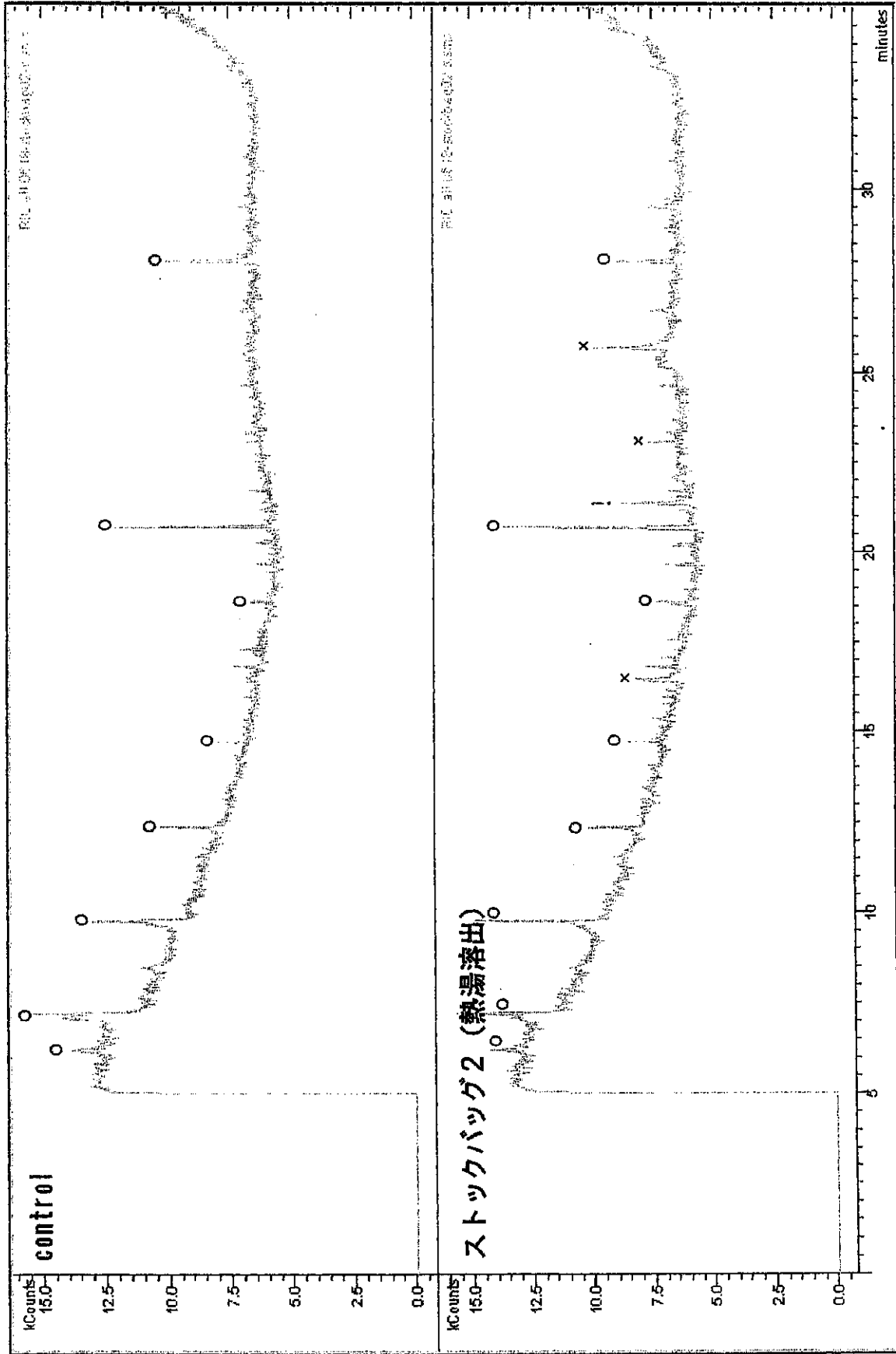
Peak No.	マススペクトル	フラグメンテーションがよく一致した化合物の構造式と化合物名	ピークサイズ		Prob.
			熱湯	DCM	
1	<p>Learned Spect 1 Range 19.863 min. Scan: 1087 Chan: 1 Ion: 1591 us RIC: 181138 BC</p>	 2,2-Dimethoxy-2-phenylacetophenone(DMPA)	++	+++	95.17
2	<p>Learned Spect 1 Range 20.647 min. Scan: 1128 Chan: 1 Ion: 485 us RIC: 614387 BC</p>	 Dibutyl phthalate	+++	+++	47.02
3	<p>Learned Spect 1 Range 21.298 min. Scan: 1162 Chan: 1 Ion: 2612 us RIC: 121037 BC</p>	 (M)-1-Cyclohexene-1-carboxylic acid, 4-(1,5-dimethyl-3-oxohexyl)-, methyl ester, [R*(R*), R*]-	++	++	78.37
4	<p>Learned Spect 1 Range 14.169 min. Scan: 788 Chan: 1 Ion: 16657 us RIC: 4366 BC</p>	 (+)-longifolene	-	+	19.40

Peak No.	マススペクトル	フラグメンテーションがよく一致した化合物の構造式と化合物名	ピークサイズ		Prob.
			熱湯	DCM	
5	<p>Learned Spect 1</p> <p>Range: 15.307 min. Scan: 848 Chan: 1 Ion: 8346 us RIC: 32655 BC</p>	<p>2,6-Di-tert-butyl-4-methylphenol(BHT)</p>	-	++	57.74
6	<p>Learned Spect 1</p> <p>Range: 17.920 min. Scan: 985 Chan: 1 Ion: 3211 us RIC: 82651 BC</p>	<p>2,4,6-Trimethoxyacetophenone</p>	-	++	12.60

- ; 1k カウント未満または不検出

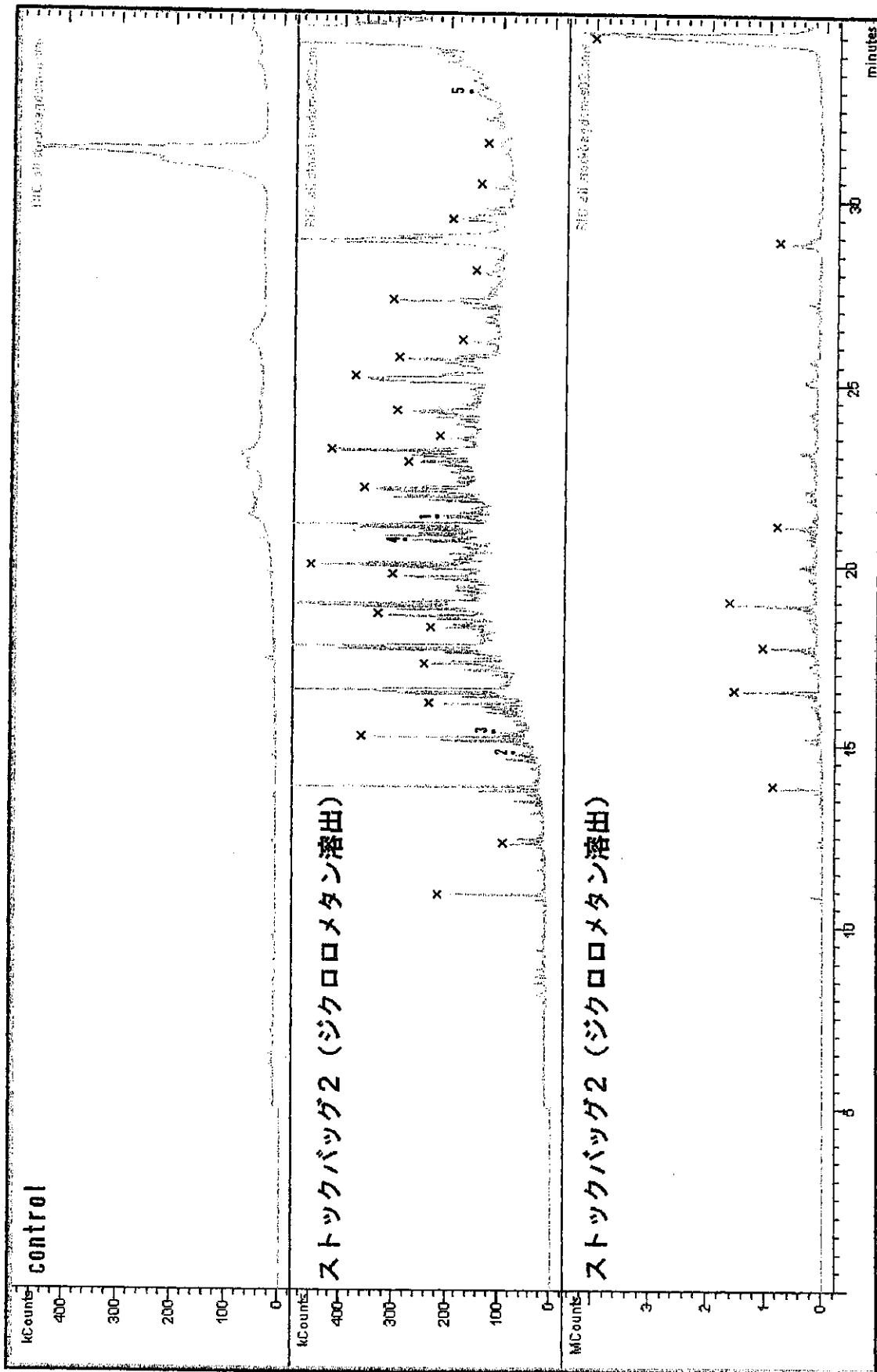
+ ; 1~9k カウント, ++ ; 10~99k カウント

+++ ; 100k~999k カウント, ++++ ; 1M カウント以上



ストックバッグ-2 (Sample No. 5)の熱湯溶出のトータルイオンクロマトグラム
 (上段はコントロールのクロマトグラム)

O: コントロールにも出たピーク
 X: 有害性が低いと判断したピーク



ストックバッグ-2 (Sample No. 5) のジクロロメタン溶出のトータルイオンクロマトグラム
(上段はコントロールのクロマトグラム)

○; コントロールにも出たピーク
 ×; 有害性が低いと判断したピーク

ストックバッグ-2 (Sample No.5)から検出された有機化学物質のマススペクトルと構造式

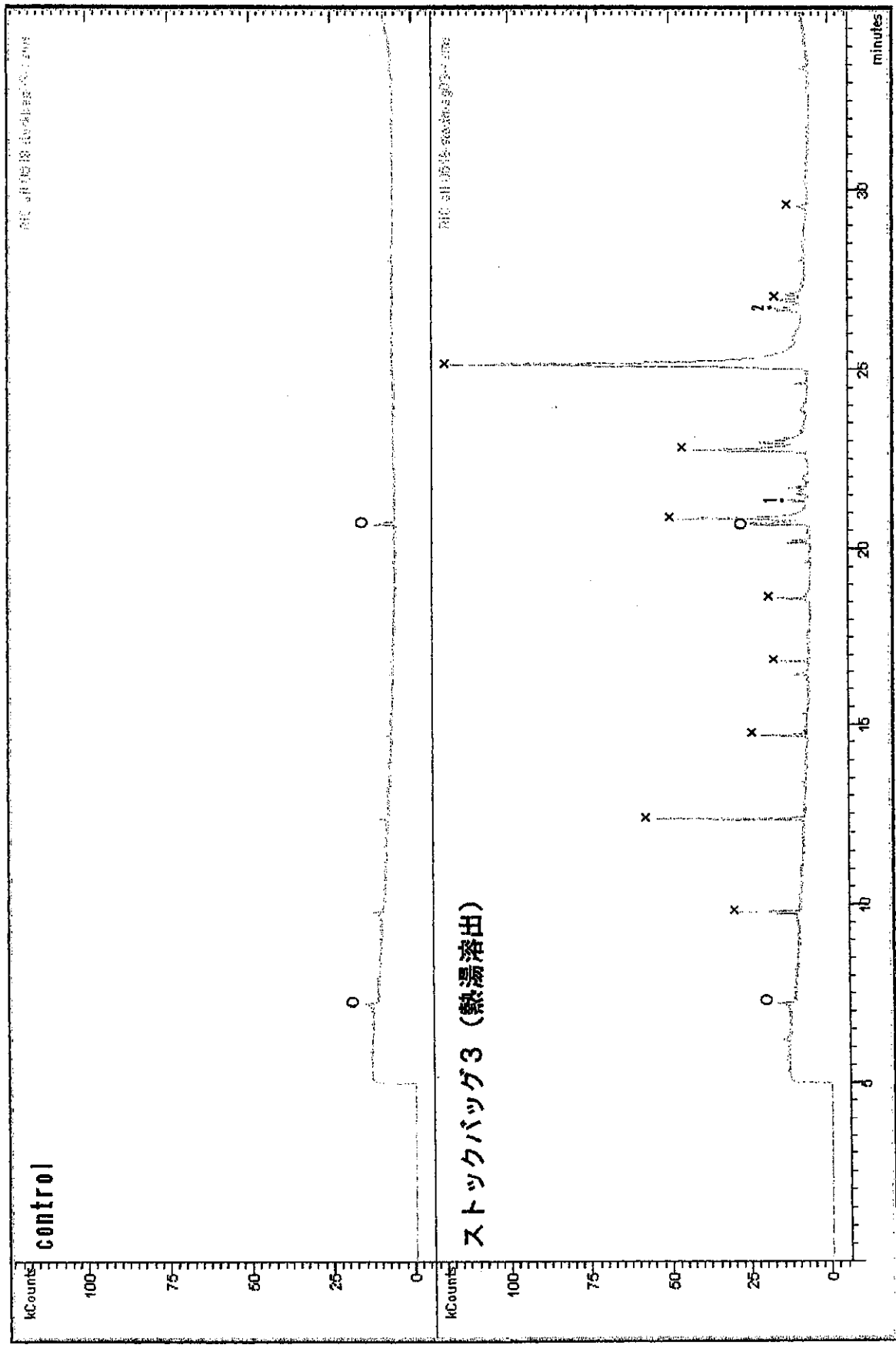
Peak No.	マススペクトル	フラグメンテーションがよく一致した化合物の構造式と化合物名	ピークサイズ		Prob.
			熱湯	DCM	
1	<p>Learned Spect 1 Range 21.352 min. Scan: 1181 Chan: 1 Ion: 24031 us RIC: 3630 EBC</p>	<p>(M)-1-Cyclohexene-1-carboxylic acid, 4-(1,5-dimethyl-3-oxohexyl)-, methyl ester, [R-(R*, R*)]-</p>	+	++	78.98
2	<p>Learned Spect 1 Range 14.769 min. Scan: 817 Chan: 1 Ion: 6915 us RIC: 28301 BC</p>	<p>2,6-Di-tert-butyl-p-benzoquinone</p>	.	++	76.05
3	<p>Learned Spect 1 Range 15.331 min. Scan: 848 Chan: 1 Ion: 4041 us RIC: 37438 BC</p>	<p>2,4-Di-tert-butylphenol</p>	.	++	23.91
4	<p>Learned Spect 1 Range 20.632 min. Scan: 1119 Chan: 1 Ion: 1536 us RIC: 183063 BC</p>	<p>(M)-1,2-Benzenedicarboxylic acid, bis(4-methylpentyl) ester</p>	.	+++	0.34

Peak No.	マススペクトル	フラグメンテーションがよく一致した化合物の構造式と化合物名	ピークサイズ		Prob.
			熱湯	DCM	
5	<p>Learned Speed 1</p> <p>Range 32.914 min. Scan: 1750 Chan: 1 Ion: 2985 us RIC: 36132 BC</p> <p>442</p> <p>57 147 647</p>	<p>(M)21h,23H-Porphine,2,3,10,17,18,22-hexahydro-2,2,7,8,12,13,15,17,17-nonamethyl-</p>	-	++	58.47

- ; 1k カウント未満または不検出

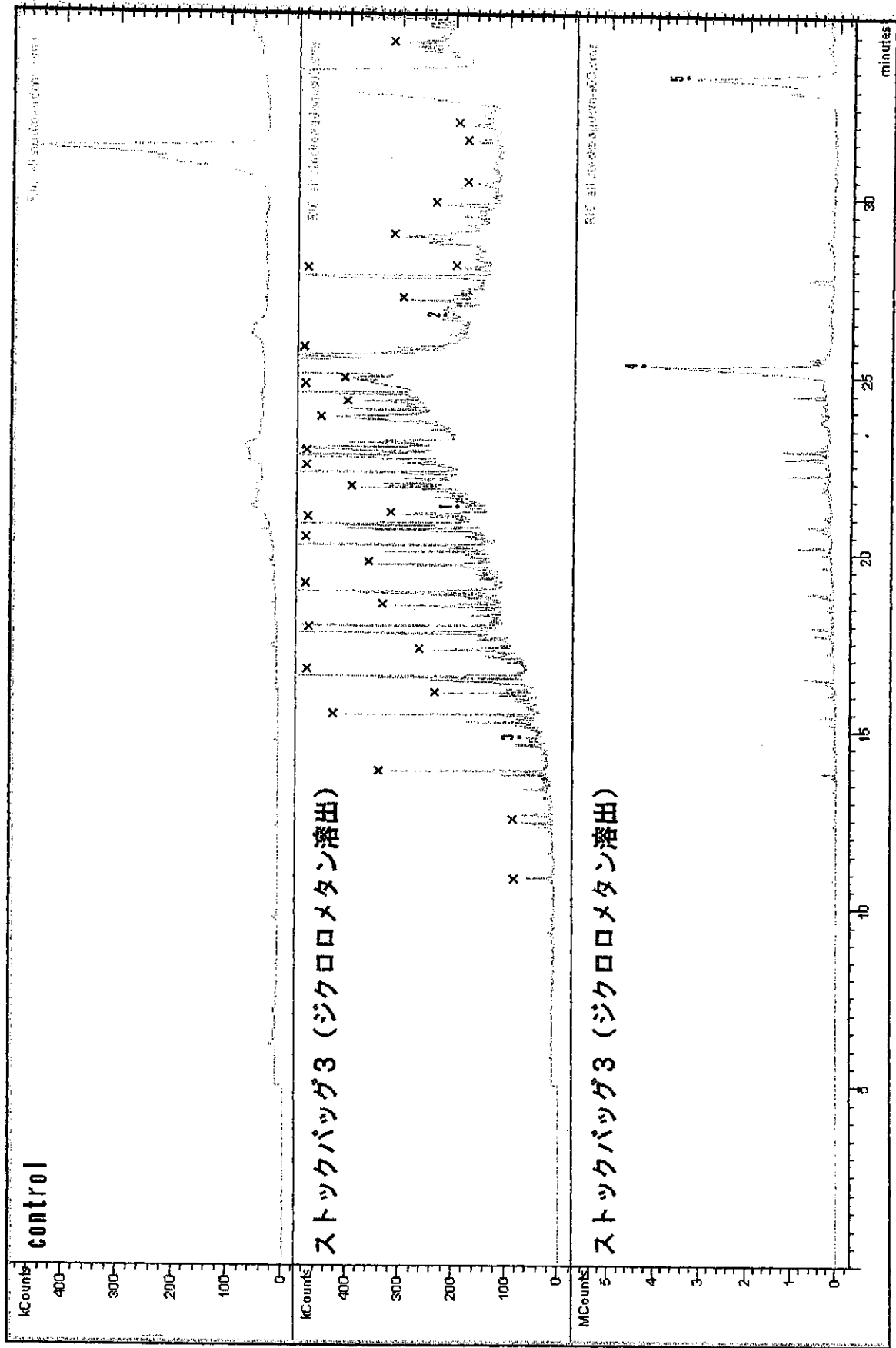
+ ; 1~9k カウント, ++ ; 10~99k カウント

+++ ; 100k~999k カウント, ++++ ; 1M カウント以上



ストックバッグ-3 (Sample No. 6)の熱湯溶出のトータルイオンクロマトグラム
 (上段はコントロールのクロマトグラム)

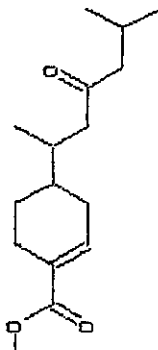
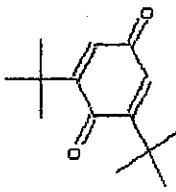
O: コントロールにも出たピーク
 X: 有害性が低いと判断したピーク



ストックバッグ-3 (Sample No. 6) のジクロロメタン溶出のトータルイオンクロマトグラム
 (上段はコントロールのクロマトグラム)

○ ; コントロールにも出たピーク
 × ; 有害性が低いと判断したピーク

ストックバッグ-3 (Sample No.6)から検出された有機化学物質のマススペクトルと構造式

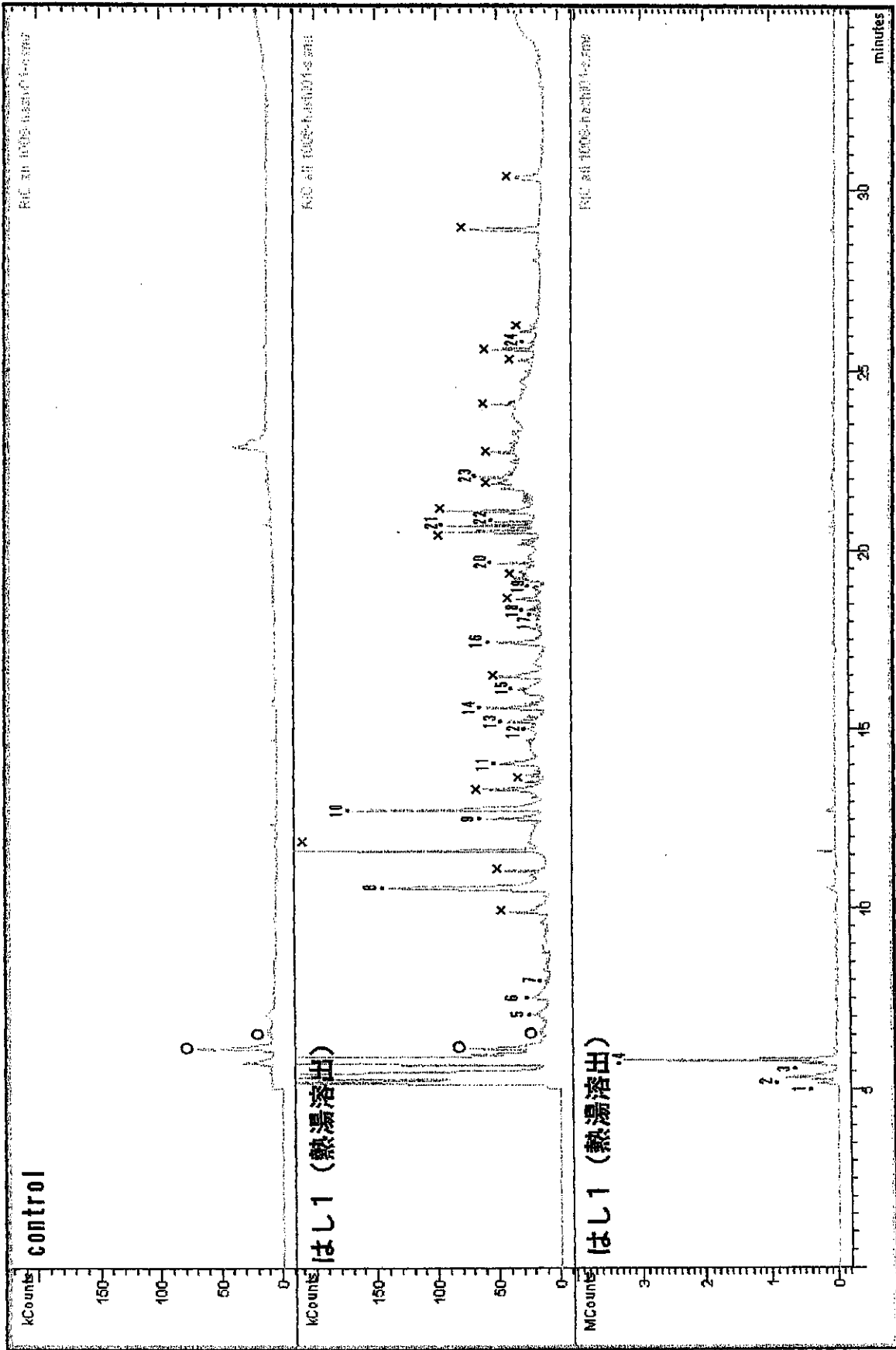
Peak No.	マススペクトル	フラグメンテーションがよく一致した化合物の構造式と化合物名	ピークサイズ		Prob.
			熱湯	DCM	
1	<p>Learned Spect 1 Range 21.331 min. Scan: 1174 Chan: 1 Ion: 16811 us RIC: 8118 EBC</p>	 <p>(M)-1-Cyclohexene-1-carboxylic acid, 4-(1,5-dimethyl-3-oxohexyl)-, methyl ester, [R-(R*,R*)]-</p>	+	++	72.71
3	<p>Learned Spect 1 Range 14.776 min. Scan: 818 Chan: 1 Ion: 5635 us RIC: 33117 BC</p>	 <p>2,6-Di-tert-butyl-p-benzoquinone</p>	-	++	82.75
4	<p>Learned Spect 1 Range 25.266 min. Scan: 1369 Chan: 1 Ion: 56 us RIC: 3464665 BC</p>				

Peak No.	マススペクトル	フラグメンションパターンがよく一致した化合物の構造式と化合物名	ピークサイズ		Prob.
			熱湯	DCM	
5	<p>Learned Spect 1 Range 33.331 min. Scan: 1772 Chan: 1 Ion: 176 us RIC: 3088078 BC</p> <p>442 57 147 648</p>	<p>(M)21h,23H-Porphine, 2,3,10,17,18,22-hexahydro-2,7,8,12,13,15,17,17-nonamethyl-</p>	-	++++	33.06

- ; 1k カウント未満または不検出

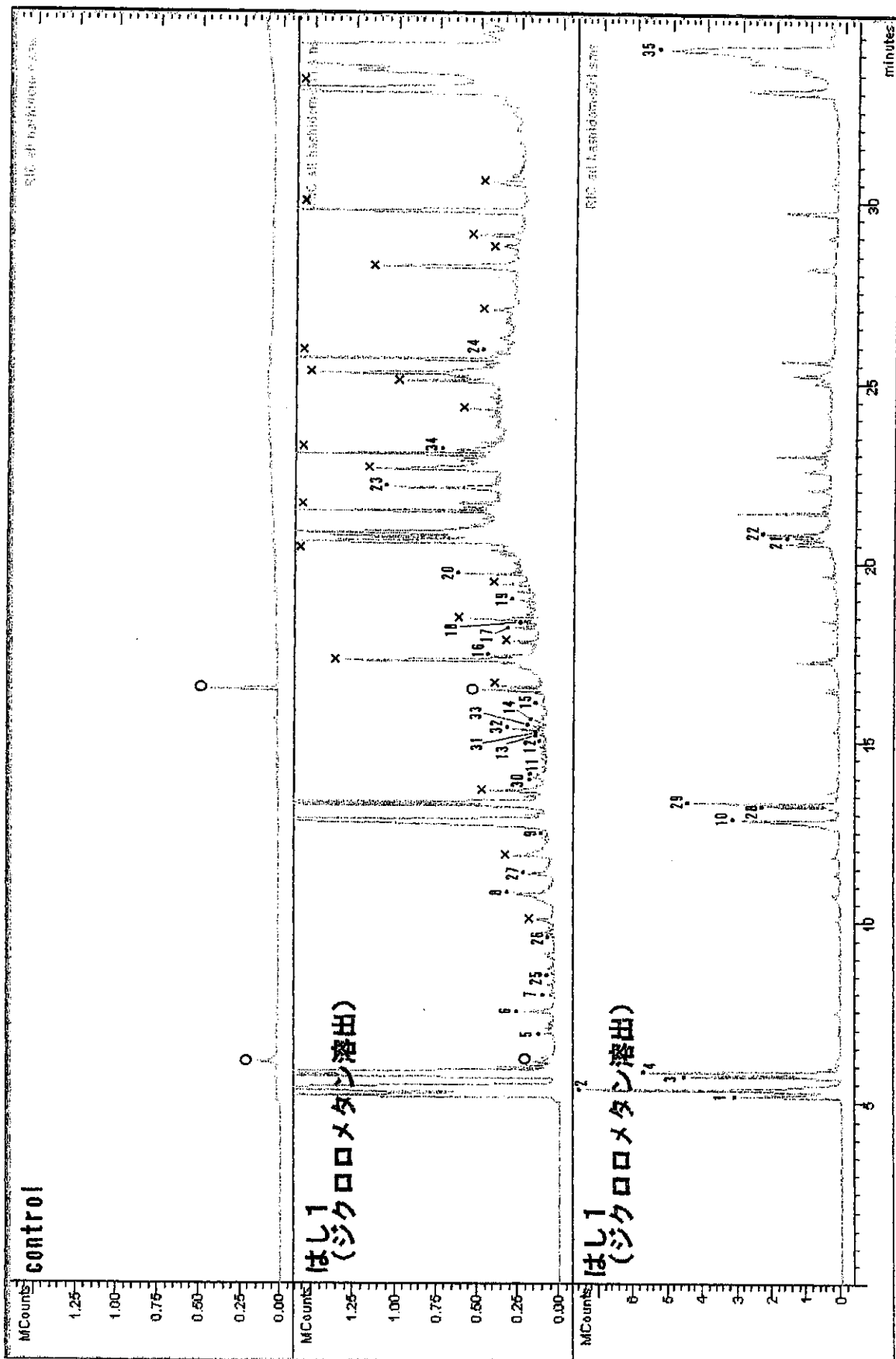
+ ; 1~9k カウント, ++ ; 10~99k カウント

+++ ; 100k~999k カウント, ++++ ; 1M カウント以上



はし-1 (Sample No. 7) の熱湯溶出のトータルイオンクロマトグラム
 (上段はコントロールのクロマトグラム)

○: コントロールにも出たピーク
 ×: 有害性が低いと判断したピーク



はし-1 (Sample No. 7) のジクロロメタン溶出のトータルイオンクロマトグラム
 (上段はコントロールのクロマトグラム)

○; コントロールにも出たピーク
 ×; 有害性が低いと判断したピーク

はし-1 (Sample No.7)から検出された有機化学物質のマススペクトルと構造式

Peak No.	マススペクトル	フラグメンテーションがよく一致した化合物の構造式と化合物名	ピークサイズ		Prob.
			熱湯	DCM	
1	<p>Learned Spect 1 Range 5.172 min. Scan: 310 Chan: 1 Ion: 102 us RIC: 2905631 EBC</p>	 o-Xylene	+++	++++	16.22
2	<p>Learned Spect 1 Range 5.322 min. Scan: 318 Chan: 1 Ion: 65 us RIC: 6368131 EBC</p>	 m-Xylene	+++	++++	36.42
3	<p>Learned Spect 1 Range 5.692 min. Scan: 337 Chan: 1 Ion: 633 us RIC: 423468 EBC</p>	 p-Xylene	+++	++++	31.13
4	<p>Learned Spect 1 Range 5.806 min. Scan: 343 Chan: 1 Ion: 120 us RIC: 3289912 EBC</p>	 1,1'-bi(cyclohexyl)-1,1'-diol	++++	++++	42.68

Peak No.	マススペクトル	フラグメンテーションがよく一致した化合物の構造式と化合物名	ピークサイズ		Prob.
			熱湯	DCM	
5	<p>Learned Spect 1 Range 6.894 min. Scan: 400 Chan: 1 Ion: 21584 us RIC: 3400 EBC</p> <p>105 281 503</p>	 <p>p-Ethyltoluene</p>	+	++	11.29
6	<p>Learned Spect 1 Range 7.537 min. Scan: 433 Chan: 1 Ion: 4240 us RIC: 36162 EBC</p> <p>94 284 534</p>	 <p>Phenol</p>	++	+++	18.64
7	<p>Learned Spect 1 Range 7.955 min. Scan: 456 Chan: 1 Ion: 19875 us RIC: 2900 EBC</p> <p>105 237 357 609</p>	 <p>1,2,4-Trimethylbenzene</p>	+	++	20.52
8	<p>Learned Spect 1 Range 10.794 min. Scan: 601 Chan: 1 Ion: 1231 us RIC: 221399 EBC</p> <p>105 328 429</p>	 <p>Benzoic acid</p>	+++	+++	45.55

Peak No.	マススペクトル	フラグメンテーションがよく一致した化合物の構造式と化合物名	ピークサイズ		Prob.
			熟湯	DCM	
9	<p>Learned Spect 1 Range 12.486 min. Scan: 695 Chan: 1 Ion: 3815 us RIC: 46370 EBC</p>	 Indole	++	+	52.96
10	<p>Learned Spect 1 Range 12.732 min. Scan: 708 Chan: 1 Ion: 1606 us RIC: 154656 EBC</p>	 Phthalic anhydride	+++	++++	19.52
11	<p>Learned Spect 1 Range 14.023 min. Scan: 778 Chan: 1 Ion: 5579 us RIC: 34749 EBC</p>	 4-Hydroxy-2-methoxybenzaldehyde	++	++	11.91
12	<p>Learned Spect 1 Range 14.953 min. Scan: 827 Chan: 1 Ion: 14155 us RIC: 6157 EBC</p>	 Methyl 3-hydroxybenzoate	+	+	24.33