

厚生労働科学研究
(子ども家庭総合研究事業)

成長ホルモン治療の適正化に関する研究

平成14年度研究報告書

平成15年3月

主任研究者 田中敏章

目 次

I	総括研究報告書 成長ホルモン治療の適正化に関する研究 田中敏章	5
II	分担研究報告書	
1.	成長ホルモン測定値の標準化に関する研究 斎藤友博	9
2.	血中成長ホルモン測定値のキット間較差の解消に向けての研究 立花克彦	23
3.	Prader-Willi 症候群の診断と成長ホルモン治療基準に関する研究 藤枝憲二	28
4.	成長ホルモン治療の現状と評価に関する研究 田中敏章	32
III	研究成果の刊行に関する一覧表	38

平成14年度厚生労働科学研究費補助金（子ども家庭総合研究事業）

総括研究報告書

「成長ホルモン治療の適正化に関する研究」

主任研究者 田中 敏章 国立成育医療センター

内分泌代謝科 医長

研究要旨

小児慢性特定疾患において成長ホルモン治療の助成の判定は、各自治体における審議会でおこなわれているが、必ずしも成長ホルモン治療の専門家が審議しているとは限らない。成長ホルモン治療が適正におこなわれるために、新しい診断基準の適応、審議会における審議内容を適切に指導する必要があり、そのための指針を作成することにより、成長ホルモン治療の適正化をはかる。

本年度は、1. 成長ホルモン測定値の標準化に関する研究（分担研究者 齊藤友博）
2. 血中成長ホルモン測定値のキット間較差の解消に向けての研究（分担研究者 立花克彦）
3. Prader-Willi 症候群の診断とGH治療基準に関する研究（分担研究者 藤枝憲二）
4. 成長ホルモン治療の現状と評価に関する研究（主任研究者 田中敏章）の各分担研究課題について研究を行った。

分担研究者氏名

立花 克彦 神奈川県立こども医療センター小児内科 部長

齊藤 友博 国立成育医療センター研究所

成育社会医学研究部 成育疫学研究室長

藤枝 憲二 旭川医科大学小児科 教授

1. 成長ホルモン測定値の標準化に関する研究（分担研究者 齊藤友博）

成長ホルモン分泌不全症を始めとする小児の疾患の診断と治療には成長ホルモン血中濃度の正確な測定が欠かせないにもかかわらず、必ずしも測定が正確に行われていない現状がある。現在日本では抗原抗体反応を利用した数種の測定キットが臨床現場で利用されているが、測定キットにより測定値が異なるという問題が指摘されている。しかもこのキット間の測定値の違いが、成長ホルモン治療の可否の決定に影響を及ぼすことも知られている。実際に、成長ホルモン分泌不全性低身長症診断のために不可欠な成長ホルモン分泌刺激試験における成長ホルモンの測定が、測定キットによって約2倍の開き

があり、キットによって診断が異なって来るという問題がある。

成長科学協会では、GH 治療適応に不公平がないように毎年全キットを用いて補正式を作成しているが、今年度も本班との協力で補正式を作成した。健常成人にG R F テストを行つて得た60検体を、総てのキットで測定し検討した。用いたキットは本邦で承認されている6キットで、栄研化学 immunoradiometric assay (IRMA) キット（以下栄研 IRMA と略す）、第一アイソトープ研究所 IRMA キット（第一 IRMA）、東ソー immunoenzymatic assay(IEMA) キット（東ソーIEMA）、日立化成 chemiluminescence enzyme immunoassay(CLEIA) キット（日立 CLEIA）、協和メディクス chemiluminescence immunoassay(CLIA) キット（協和 CLIA）、ヤトロン chemiluminescence enzyme immunoassay (CLEIA) キット（ヤトロン CLEIA）である。

各キットについている標準品を用いて測定すると、検体によっては値は約2倍の開きがあった。各キットとも値の相関は非常に良いため、キットによる診断の不公正をなくすために、各検体の測定値の平均値に補正する1次関数による補正式を線形関係式を用いて作成した。

AB ピース・ HGH 栄研	$Y=0.88X+0.02$
GH キット第一	$Y=0.64X+0.07$
E テスト[TOSOH]II[HGH]	$Y=1.15X-0.49$
ヒタザイム CL	$Y=1.16X+1.05$
イムライス hGH	$Y=1.21X+0.47$
アレグロライト HGH	$Y=1.24X-0.30$

この補正式を用いることによって、キットによる測定値の差はなくなり、成長ホルモン分泌不全性低身長症の診断が公正に行えるので、小児慢性特定疾患の助成基準にも毎年取り入れるべきであろう。

2. 血中成長ホルモン測定値のキット間較差の解消に向けての研究（分担研究者 立花克彦）

成長ホルモンキットにより測定値に約2倍の差ができる主なる原因是、各キットで用いている標準品の違いであることは、前より指摘されていた。現在、各測定キットの標準品はWHOの基準品を一次標品とし、それに対して各メーカーは二次標品を作成し、キット添付の標準品は二次標品に対して検定されている。しかし、同じWHO基準品といつても、全く同一のWHO基準品が用いられているわけではない。現在日本で市販されているGH測定キットで用いられている標準品は、2種のWHO基準品 (66/217、80/505) に準拠している。これら二種の基準品はいずれも下垂体抽出品であるが、GH含有量に差がある。即ち、違うGH含有量の基準を用いているのであるから測定値が異なるのは当然のことといえる。そこで各測定キットで測定する際、日本ケミカルリサーチ (JCR) 社より入手したリコンビナント22Kヒト成長ホルモンを希釈して標準品として、測定値を求め、比較した。このJCR社製リコンビナントGHは国立衛生試験所(現在、国立医薬品食品衛生研究所)のヒト成長ホルモン標準品(Control 951)或いはNIBSC Code No. 88/624を基準に同社の社内標準品を検定し、更にこの社内標準品を基準に定量されたものである。

今年を含めて、同じ標準品を用いて測定したときの値と、その時の補正式による基準

値（各キットによる平均値）を表に示した。年度毎に多少の差はあるが、同一検体の測定値は各測定キットによってほぼ一致した。現在市販されているGH測定キット間の測定値の乖離の原因の（すべてではないにせよ）大部分は、この標準品の実際のGH含有量の違いに起因すると思われる。

しかしながら表に示すごとく、リコンビナントGHを用いての測定値は補正值の約0.6倍である。したがって、リコンビナントGHを用いての測定の場合、現在のGHD診断の手引きなどに見られるGH頂値の10ng/ml、5ng/mlといったカットオフ値は6ng/ml、3ng/mlと読み替えるのが妥当かと思われる。この際混乱を避けるため、リコンビナントGHを標準にした場合の測定値についてはng(rGH)/mlといった表示とすることを提案したい。

また日本ケミカルリサーチ社のリコンビナントGHは、キットの標準品としても十分使用可能であることも、本研究班の研究により明らかになった。

表：リコンビナントGHを標準としての測定値と補正值の相関

	2000年6月測定	2001年12月測定	2002年12月測定
栄研	Y= 0.746 X - 0.085	Y= 0.481 X + 0.143	Y= 0.531 X + 0.104
第一	Y= 0.672 X + 0.342	Y= 0.535 X + 0.271	Y= 0.722 X - 0.014
東ソー	Y= 0.728 X + 0.807	Y= 0.594 X + 0.155	Y= 0.554 X + 0.271
日立	Y= 0.843 X + 0.204	Y= 0.582 X + 0.079	Y= 0.521 X - 0.357
ヤトロン	Y= 0.730 X - 0.009	Y= 0.691 X - 0.245	Y= 0.594 X - 0.201
協和		Y= 0.562 X - 0.195	Y= 0.673 X + 0.137
平均	Y= 0.745 X + 0.240	Y= 0.568 X + 0.033	Y= 0.600 X - 0.017

Y: リコンビナント X: 補正值

3. Prader-Willi症候群の診断とGH治療基準に関する研究（分担研究者 藤枝憲二）

Prader-Willi症候群の成長ホルモン療法が保険適応となり、治療により身長増加が期待される一方過食、肥満に伴った糖尿病の発症が危惧される。このため真に治療対象となるべき患者のみを特定する必要があり昨年度の研究で臨床徵候並び染色体分析・遺伝子解析に基づく診断基準、さらには安全にかつ有効に治療をうけるための治療基準も作成した。今年度は、成長科学協会への成長ホルモン治療適応判定を申請した症例を対象に診断基準の妥当性を検討した。

臨床徵候と染色体分析・遺伝子解析結果との関係についての解析から、作成した診断基準の有用性を確認した。今回の検討で臨床徵候の発現に関して染色体分析・遺伝子解析にてのPWS確実例と遺伝子異常が同定されない群との間には統計学的に有意差が認められなかった。このことは臨床徵候だけからはPWSと診断することが難しいことが示唆される。従って、臨床徵候と染色体欠失・遺伝的異常の同定により確定診断を行い成長ホルモン療法の適応となる患者の同定を行うことの妥当性が認められたと考える。

染色体・遺伝子異常の割合は染色体欠失が74%、DNAメチル化異常が23%で認められた。この割合は従来の報告と一致していた。このことは本症を確実に同定するためにDNAメチル化試験は必須であることを示している。そのため保険適応となっていない本検査が

早急に保険適応となることが望まれる。

4. 成長ホルモン治療の現状と評価に関する研究（主任研究者 田中敏章）

非内分泌性低身長症に対する成長ホルモン治療が、最終身長を改善するかどうか、成長科学協会の治療データを用い、対照として秋田県の疫学的データによる低身長児を用いて検討した。

GH治療群の治療開始時と未治療群の6歳時身長SDSは未治療群が有意に高かったが、最終身長までのSDSの変化には差が無く、またGH治療群の最終身長が1cm高かったとしても、同様の結果であった。また、GH治療群の治療開始時と未治療群の6歳時身長SDSをあわせたケースコントロール・スタディーでも、身長SDSの変化に差はなく、非内分泌性低身長症に対する成長ホルモン治療は、現在の定義で現在の治療量を用いている限りにおいては、最終身長を改善しないと考えられた。

欧米では最終身長に対しても治療効果が認められており、その差は治療量がわが国では低いため、GHによる思春期誘発作用が早期のcatch-upの効果を相殺してしまうと考えられた。しかし、今回の症例の中には、昔の成長科学協会のGHD適法判定基準で、1つGH分泌刺激試験だけがGH頂値が10ng/ml以下だが他のIGF-I値や骨年齢で6ヶ月の試行治療が認められた症例と、現在の間脳下垂体障害調査研究班の「成長ホルモン分泌不全性低身長症 診断の手引き」で中等症と診断されている症例が含まれているので、その2つの群に差があるのかどうかの検討が必要である。さらに、対照とした無治療群は疫学調査による低身長児であり、低身長を主訴に病院を訪れる群とは異なっていることが指摘されている。従って、対照を病院を訪れる低身長児にして比較する必要がある。

GH治療の目的は、最終身長の改善だけではなく、短期的でも低身長が改善することにより低身長による心理社会的問題の改善を計ることにある。近年これらQOLに対する重要性が指摘されており、評価の試みが行われているがまだ十分でない。今後、QOLの改善という面からのGH治療の有用性についての評価も行われる必要があると思われる。

本研究班が検討したこれらの指針に基づいて、各審議会が適応判定を行うことによって、成長ホルモン治療の適正使用が実現されると思われる。また、厚生労働省の指導財団である成長科学協会では、これらの指針を取り入れた形での適応判定事業を、専門家集団としてのセカンドオピニオンという位置づけでおこなっている。具体的には、成長ホルモンの測定値のコピーの添付とこの補正式を用いた成長ホルモン分泌不全性低身長症の適応判定、ターナー症候群における染色体分析のコピーの添付、軟骨低形成症・軟骨無形成症のレントゲン写真および全身写真の送付と専門委員4名による診断、およびPrader-Willi症候群における染色体検査のコピーの添付および保険で認められていないメチレーションテストの助成など、審議会以上の厳格な判定作業をおこなっている。これらの作業を、各自治体の審議会で同じように行うのは不可能であるので、審議会の判定作業を成長科学協会の適応判定書を利用することが望ましい。

厚生労働科学研究費補助金（子ども家庭総合研究事業）

平成14年度厚生労働科学研究費補助金（子ども家庭総合研究事業）

分担研究報告書

「成長ホルモン治療の適正化に関する研究」

分担研究「成長ホルモン測定値の標準化に関する研究」

分担研究者 斎藤友博 国立成育医療センター研究所

成育社会医学研究部・成育疫学研究室長

研究要旨

成長ホルモンの測定は数種の方法により行われるが、その測定値は一致しない。そこで測定値の統一を計るために、各測定法から基準値へ変換式を線形関係式によって作成してきた。今回その換算式を新たに作成するとともに、濃度が既知の統一標準溶液を用いて各測定法の調整をした上で同一標本を測定し、各検査法による測定値のばらつきの要因を検討した。

A. 研究目的

成長ホルモン分泌不全症の小児に対して成長ホルモン治療が行われているが、その診断には成長ホルモンの血中濃度測定が不可欠である。診断には単に成長ホルモンの血中濃度を測定するのみでなく、各種の成長ホルモン分泌刺激試験も行われ、その場合には一定時間毎の血中濃度の測定がされるが、その測定値の幅もかなり広いものとなる。

このように成長ホルモン分泌不全症を始めとする小児の疾患の診断と治療には成長ホルモン血中濃度の正確な測定が欠かせないにもかかわらず、必ずしも測定が正確に行われていない現状がある。現在日本では抗原抗体反応を利用した数種の測定キットが臨床現場で利用されているが、測定キットにより測定値が異なるという問題が指摘されている。しかもこのキット間の測定値の違いが、成長ホルモン治療の可否の決定に少なからぬ影響を及ぼすほど大きいことも知られている。

そこで、成長科学協会の専門委員会によってこの問題が検討され、平成3年

度以降は各種のキット測定値の違いを補正して統一した値とすることが行われてきた。すなわち、同一の血液サンプルを数種の測定キットで測定し、その値から補正式を作成するという方法である。具体的には、成長ホルモン分泌刺激試験を行った複数の健常成人ボランティアの、刺激後一定時間毎の複数の血液について、同一サンプルを数種の測定キットで測定する。その上で各々の血液サンプルについて各種キットによる測定値の平均値を算出する。そして、それぞれのキットの測定値と算出された平均値について、平均値を縦軸すなわち従属変数、各キット測定値を横軸すなわち独立変数として、平均値への線形回帰式を各測定キット毎に算出する。その線形回帰式を用いて最終的に各種の測定キット測定値を平均値の値へと変換することによって統一を計るという方法が行われてきた。

しかし、この方法にはいくつかの問題がある。第一に、測定値間の関係を求めるのに線形回帰式を利用するには理論的に見て誤っている。線形回帰式では独立変数には誤差項がモデルに含まれていない。従属変数にのみ誤差項が含まれている。各種測定キットによる測定値の間の関係をみる場合、理論的には従属変数にのみ誤差項が組み込まれた線形回帰式モデルではなく、双方の測定値に誤差項を組み込んだ線形関係式 (Linear Structural Relationship) を用いる必要がある。ともに測定値であることを考えれば、当然測定誤差は双方に伴うのであり、一方の変数のみに誤差項を設けた線形回帰式を用いることが理論的に正しくないのは容易に理解できるはずである。この問題は世界的には 1970 年代に指摘され (1, 2)、日本で指摘されたのは 1986 年が最初である (3)。その指摘が一般的に認識されることはほとんどなく、また、一部で認識されたとしても、医学研究者が用いる通常の統計計算プログラムパッケージには計算プログラムがないため、線形関係式が用いられたものは皆無と言ってよく、線形回帰式がほとんどすべての発表で用いられてきた。

このような状況下、これまで成長科学協会の専門委員会でも長らく変換式として線形回帰式を用いてきた。5 年前にこの点の不備を当研究者が指摘し、それ以降、線形関係式による変換式の作成を行ってきた。今回の研究ではその結果を示した。

第二の問題は、血中成長ホルモン濃度のゴールドスタンダード、すなわち統一した既知の濃度のサンプルがなかったことに付随する問題である。このため、各測定キットによる測定値にばらつきがあるばかりでなく、どの測定値が最も正確度 (Accuracy) が高いか、言い換えれば真の値に近いかが分からなかつた。そこで今回は、各検査法キットに付属する標準液によって調整した従来の測定値に加えて、同一検体をリコンビナント成長ホルモンを用いた既知濃度の標準液 (JCR 標準) を用いて調整した各検査キットによる測定も行った。二つの

標準液の測定値の比較検討から、各検査法測定値のばらつきの原因を探るためである。

最後に、今後の検討課題と解決すべき方向性を論ずることとした。

B. 研究方法

(1) 理論的背景

最初に、線形関係式 (Linear Structural Relationship) モデルについての簡単な説明をしておく。図 1 に線形関係式と線形回帰式の統計モデルの違いを示した。線形回帰式では、通常縦軸に示す従属変数 Y の誤差がモデルに含まれているが、通常横軸に示す独立変数 X には誤差項が含まれていない。比較的なじみのあるモデルである。これに対し、線形関係式では変数 Y と変数 X の双方に誤差項が含まれたモデルとなっている。表に示したモデルでは、変数 X と変数 Y の関係を見るのに、変数 Y を変数 X の一次式で表現している。X の値を Y の値に変換することを考えていることになる。さて、この線形関係式モデルではさらに、変数 X の誤差 δ と変数 Y の誤差 ε ならびに変数 X を表す関数 $f(X)$ がそれぞれお互いに独立であること、式で表すとそれぞれの共分散が 0 であることが条件に加わっている。それぞれが相関していないという条件といえる。ところで、この線形関係式において変数 X の誤差 δ が 0 であれば、この線形関係式が線形回帰式と同様となることが見て取れる。

(1) 線形関係式の計算

実際に線形関係式モデルで傾きと切片の係数、すなわち表 1 の β と α を算出するのには S A S のプロシージャ CALIS を用いた。計算の詳細は S A S のマニュアルに譲る。実際には同一標本を 2 つの測定法で測定した値をデータとして入力し、表 1 で示したようにモデル式を立て、さらに表 1 の最後に示した 2 つの変数の誤差項と X の関数の共分散を定義する。すると、default としてそれぞれの共分散が 0 であること、各項との共分散は標本の共分散と等しいと仮定して、Maximum likelihood method によって、傾きと切片の係数の推定結果が表示される。このほかにも計算オプションで指定すべきものがあるが、その詳細はここでは省略する。

追加として相関係数も算出した。図 2 に相関係数算出の前提と計算法を示したが、相関係数は両変数が誤差を持つ変数と仮定されているので、線形関係式で述べたような問題点はない。ここでは、通常用いられる Product-moment correlation coefficient とも呼ばれ通常 r で表される相関係数を S A S のプロシージャ CALIS にて算出した。

3. 対象

各検査キットで測定する標本は、インフォームドコンセントを得た上で、健常成人ボランティア10人に成長ホルモン分泌刺激試験を実施して得た。分泌刺激試験では0、15、30、60、90、120分に静脈血採血を行い、血清を採取して冷凍保存した。この血清検体を用いて、6種の検査キットにて成長ホルモンの濃度を測定した。用いたキットは栄研化学immunoradiometric assay (IRMA) キット（栄研と略す）、第一アイソトープ研究所RIIRMAキット（第一）、東ソーimmunoenzymatic assay (IEMA) キット（東ソー）、日立化成chemiluminescence enzyme immunoassay (CLEIA) キット（日立）、ヤトロンchemilumin-escence enzyme immunoassay (CLEIA) キット（ヤトロン）、協和chemiluminescence immuno-assay (CLIA) キット（協和）である。

検査検体は10人合計58本であった。15分の採血が2人で行われなかつたことによる。1人が異常な値の変化を示したので対象から除外した。また、6種の検査値の平均が1ng/mL未満、または30ng/mL以上の測定値は線形関係式による解析から除外した。診断や治療基準判定に用いる測定範囲に限定して、その測定範囲でのより正確な線形関係式を求めるためである。最終的に36検体の6種のキットによる測定値が解析された。

C. 結果

線形関係式は6種のキット測定値と6種の平均値との間で傾きと切片の係数を算出した。すなわち各キット測定値を6種のキットの平均値へと変換する式を求めた。相関係数も同様に6種のキット測定値と6種のキットの平均値とのそれぞれの相関を求めた。各検査キットに付属する標準液を用いた場合と、リコンビナント成長ホルモンを用いた既知濃度の標準液（JCR標準）を用いた場合についてそれぞれ算出した。

最初にキット付属標準液の場合の線形関係式モデルによる解析結果を示す。図3に測定キット6種の平均を縦軸、栄研測定値を横軸とし、栄研の測定値を6種のキットの平均値へと変換する式の傾き β と切片 α ならびに相関係数 r の値を表示し、あわせて線形関係式の直線を図示した。傾き β は1に近く、切片 α は0に近く、相関係数 r も1に近い値となり、栄研による測定結果は6種のキット測定値の平均にかなり近い値であったことを示している。

図4に第一による測定値の解析結果を示す。相関係数は0.9929と高いものの、第一測定値を6種キットの平均値へと変換する直線式の傾き β は1から大きくはずれた0.6382、切片は0.0666と、第一による測定値がかなり高い値を示すことを表している。また、傾き β が1よりかなり小さいので、高い濃度になればなるほどより高い値を示し、6種キットの平均値との差が大きくなっていくことを示す。相関係数は低くないのでこの式による変換で得られる値の6種の平

均値との差は大きくならないと考えられる。

図5に東ソーの測定値の解析結果を示す。相関係数rは大きいが、線形関係式の直線の傾き β は1より大きく、 α は0より小さいので、濃度が低い値での6種キットの平均値と東ソーの値の差は小さいものの、高い濃度になればなるほどその差が大きくなり、低めの値となることを示している。相関係数は低くないのでこの式による変換で得られる値の6種の均値との差は大きくならないと考えられるが、高い値でのばらつきは大きい傾向があり、変換式による変換値の正確性はやや悪くなる。

図6に日立の測定値の解析結果を示す。相関係数rは0.9828と他に比べてやや低いがそれでもかなり高い相関係数といえる。線形関係式の傾き β は1よりやや大きく、切片 α も1より大きく、6種キットの平均値よりやや低めの値が出る結果となっている。この傾向は低濃度から高濃度まで言えるが、傾き β がさほど大きくないので、濃度が高くなても6種キットによる測定値の平均と日立の測定値の差が大きく広がっていくことはない。また、図から特に5～10ng/mLの値で低めに出る傾向がみてとれる。

図7にヤトロンの測定値の解析結果を示す。相関係数rは0.9985と高い。線形関係式の直線の傾きは1よりやや大きく、切片 α も大きい。6種のキット測定値の平均より測定範囲全体にわたって低め濃度となる。相関係数が大きいので変換式による値と6種キットの平均値との差は大きくならないと考えられる。

図8に協和の測定値の解析結果を示す。相関係数rは0.9936とやや高い。直線の傾き β は1より一番大きい。切片 α はマイナスでやや大きい。このキットによる測定値は値が高くなると6種のキットの平均値よりかなり低めとなることになる。相関係数は大きいので変換式による値と6種キットの平均値との差は大きくならないと考えられる。

表1に、これまで図に示した線形関係式による傾き β と切片 α 、傾き β および切片 α の標準誤差をまとめて示した。傾き β は第一がかなり小さく、栄研が1より小さいが1に一番近く、東ソーと日立が1よりやや大きめ、ヤトロンと協和は1より大きい。 β の一番小さい第一と、大きいヤトロンや協和との間には2倍近い違いがある。切片 α の値の違いは0.5弱なので、測定範囲の1～30ng/mLに渡って第一の測定値はヤトロンや協和の約2倍高い測定値を示すことになる。この値の違いは無視できないほど大きい。補正は必須といえる。直線の傾き β の標準誤差、切片 α の標準誤差はいずれもすべての測定キットで小さく、推定された傾きと切片は5%有意水準で有意であるといえる。

次に、リコンビナント成長ホルモンを用いた既知濃度の標準液（JCR標準）を用いた場合の解析結果を示す。

図9は栄研の測定値の解析結果である。直線の傾き β は1に極めて近い。切

片 α はやや大きく、高い値でのばらつきがあり相関係数 r はやや小さくなつた。

図10に第一の測定値の解析結果を示す。直線の傾き β は1に近く、切片 α はマイナスで、やはり高い値でのばらつきが大きく相関係数はやや小さくなつた。

図11に東ソーの測定値の解析結果を示す。この解析では1例測定値が0に近いものがあり、測定ミスが考えられるのでそれを除外し、対象は35例であった。直線の傾き β は1に近いが、切片 α は大きくなつた。相関係数は高い。

図12に日立の測定値の解析結果を示す。直線の傾き β は1に極めて近い。切片 α はやや大きく、高い値でのばらつきがあり相関係数 r はやや小さくなつた。

図13にヤトロンの測定値の解析結果を示す。直線の傾き β は1に近くなつた。切片 α はやや大きいが、相関係数は大きい。

図14に協和の測定値の解析結果を示す。直線の傾き β は1よりかなり小さくなり、切片 α もやや大きい。相関は低くないが、10～20ng/mLの範囲でやや高め低めの傾向が見られた。

各測定キット付属の標準液と、リコンビナント成長ホルモンを用いた既知濃度の標準液（JCR標準）を用いた場合の測定値の違いをみるために、得られた線形関係式と相関係数の関連を検討してみた。

図15は、縦軸に付属の標準液を用いた測定値から算出した6種の測定法による平均値への線形関係式の傾き β を、横軸にJCT標準液を用いた測定値から算出した6種の測定法による平均値への線形関係式の傾き β を図示したものである。Eは栄研、Dは第一、Tは東ソー、Hは日立、Yはヤトロン、Kは協和を示す。

JCR標準液を用いた場合の線形関係式の傾きは協和（K）を除いてほぼ1に近い。付属標準では0.6から1.2と幅がひろくばらついている。つまり、各測定キット付属の標準液を用いた測定値では変換式の傾きはさまざまだったが、JCR標準液を用いたところ、協和を除いて傾きがほぼ1に収束する傾向があつた。このことは、濃度が1単位増えた場合、付属標準ではその測定値は1/1.24つまり0.81倍から、1/0.64で1.6倍増加するが、JCR標準を用いた場合は1種類を除く5種の測定法で、その測定値は1単位の増加でほぼ同等の濃度増加値を示すことを意味している。

図16は両標準液を用いて算出した線形関係式の切片 α の変化を示している。付属標準液では-0.48から0.47、JCR標準液では-0.56から1.47とJCR標準の方が幅が広い。両者の相関も日立で一致しているが、他では一致していない。

図17に両標準液を用いて測定した各測定法による測定値と、6種の測定法による平均値との間の相関係数を図示した。いずれも相関係数は高く、線形関

係式の傾き β ならびに切片 α の標準誤差がかなり小さいことと考え合わせると、線形関係式による換算値は 6 種の平均値にかなり近い値を示すといえる。

D. 考察

この研究は、成長ホルモン治療の可否の判定に際し、測定キットによってかなり値が異なることへの対処として始められたものである。測定キットによって大きく異なる値を標準値ともいべきものに変換して統一を計り、成長ホルモン治療可否の判定が、用いる測定キットに左右されないよう変換式を作成することにあった。従来はこの変換式として線形回帰式モデルによって作成したものが用いられていたが、線形回帰式を用いることには理論的には問題があるので、数年前より線形関係式モデルを用いた変換式を作成し、利用に供している。

しかし、いくつかの問題点は残っている。

大きな統計的な問題として、6 種のキット測定値の平均値への変換式を求めたことがある。線形関係式モデルで算出した直線の傾きおよび切片、ならびに相関係数の算出結果とそれらの解釈に問題が残ることになる。6 種のキット測定値の平均値には 6 種のキットそれぞれの測定値が含まれるので、算出された傾き、切片、相関係数には自身の値への関係、相関が含まれてしまっている。言い換えれば、傾きがより 1 に近づき、切片はより 0 へ近づき、相関は 1 により近づくことになる。また、自身の値が含まれた平均値と自身の値との線形関係式における傾き、切片、加えて相関係数の定義と解釈をやや困難なものとする。この問題は、今後リコンビナントの成長ホルモンなどを用いた濃度が既知かつ正確な標準液を希釈して、いくつかの濃度の標準液を作成し、それをゴールドスタンダードとして変換するようにすればよいことになる。この場合には線形関係式モデルを使用せず、線形回帰式モデルを使用することができる。通常横軸になる独立変数に測定誤差を伴わない前提が立てられるからである。希釈した各サンプルを測定キットで複数回測定して分布を得ればよい。

各キットの測定値にかなりの違いがある。昨年度同様に求めた線形関係式の傾き β と切片 α を今年度のものを比較してみると驚くほど近い。ということは測定法の再現性すなわち精密度 (Precision) は各方法とも高いということである。検査として認可されているのであるから、同一検体を複数回測定した値のばらつきが大きくなることは当然ではある。しかし、求めた線形関係式の傾き β と α は測定法間で依然として大きな違いがあり、昨年度からこの違いが是正されていないことの裏返しでもある。

今年度はこの違いの原因の一端を探るべく、付属の標準液を用いた場合のみでなく、リコンビナント成長ホルモンを用いた既知の濃度の J C R 標準液を用

いて調整した場合の測定も行ったのだが、各測定法間に多少違いは残った。J C R 標準液使用の場合には 6 種の測定法のうち 5 種で線形関係式の傾き部 β が 1 にかなり近くなり、検査法による成長ホルモン単位增加あたりの測定値の増加値が収束したことを示した。相関係数がどちらの標準液を用いてもいずれもかなり高いこと、傾き β や切片 α の標準誤差がかなり小さいことを考えると、切片 α は最大のものでせいぜい 1.5 なので、各測定法による違いはその大部分は測定の再現性である各測定法の精密度 (precision) ではなく、真の値に近いか否かの正確度 (Accuracy) に問題があるからではないかと推測できる。今回の J C R 標準液を用いた測定値の解析結果から考えると、今後はこれらリコンビナントの成長ホルモンを用いた既知の濃度の標準液を用いて測定の調整を行うのがよいのではないか、と思われる。

しかし、仮に血液中の成長ホルモン濃度が正確に計れるようになったからといって、これで成長ホルモン濃度とそれに基づく成長ホルモン治療の可否に関する問題がすべてなくなるわけではない。用いる測定キットによる測定値の差はほとんどなくなると考えられるが、新たな問題も現れる。これまでの成長ホルモン濃度と成長ホルモン治療の基準との整合性がなくなることが考えられる。リコンビナント標準品に基づいた測定キットによる血液中の成長ホルモン濃度測定値による、新たな基準作りが必要となる。そのカットオフポイントをどこにするのか、難しい問題を含んでいる。

この新たな問題への対処として、これまでに用いられてきた測定キットと新たに開発された測定キットによって同一標本の測定を行い、換算式を算出しておくことがその一つである。同じ会社の測定キットでも時代によって測定値が異なっていた形跡があるので、できればそれぞれの時代に開発、使用された測定キットについても換算式を作成することが望まれる。

新たな測定法で測定された成長ホルモン濃度に基づく診断、成長ホルモン治療の可否の判断基準作りは早急に検討し直さなければならない。これまでの悩ましい問題が解決される一方、大きな課題が残されたといえる。

E. 結論

成長ホルモン分泌不全症の診断と成長ホルモン治療の可否判定には血中成長ホルモン濃度の測定が欠かせないが、用いる測定キットによって測定値がかなり違っていた。そのため線形回帰式によって各種キットの測定値を標準化するための換算式が作成されてきたが、これは理論的には誤っていた。そこで本来用いるべき線形関係式モデルによって換算式を作成した。換算式によって得られた各測定法による値は、一つの値によく収束すると考えられる。各測定法による測定値の違いは、測定法の精密度 (Precision) よりは正確度 (Accuracy)

の違いによるところが大きいと推測された。線形関係式モデルにて算出された換算式の傾きと切片は、これまで用いられてきた線形回帰式モデルによって算出された傾きと切片の値に極めて近く、理論上はともかく、実用上はさほど問題がなかったともいえる。ここ1, 2年でリコンビナント成長ホルモンを標準としたより正確な測定法が開発されると、これまでの診断基準や治療可否基準との整合性をはかり、それらを見直し、基準を再検討することが早急に求められる。

F. 文献

1. Wakkers PJM et al. Application of statistics in clinical chemistry: a critical evaluation of regression lines. *Clinica Chimica Acta* 64: 173-184, 1975.
2. Cornbleet PJ, Gochman N. Incorrect least-squares regression coefficients in method-comparison analysis. *Clinical Chemistry* 25: 432-438, 1979.
3. 大櫛陽一、丹後俊郎。XYとも誤差を含む場合の直線関係式。医用電子と生体工学 24(特別号): 168, 1986.

図1. 線形回帰式と線形関係式

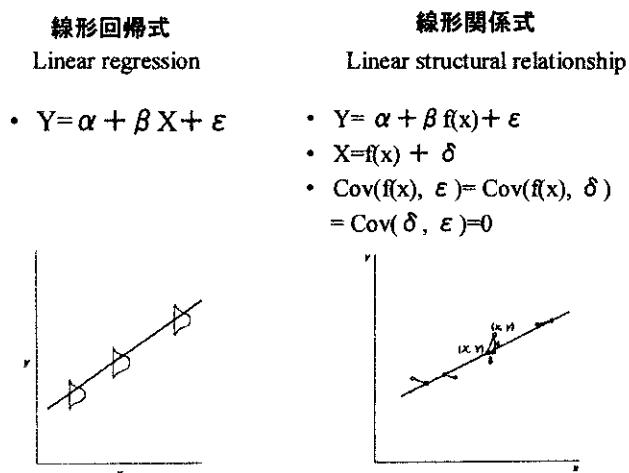


図2. 相関 Correlation

- X, Y : random variables
- $r = \frac{\sum [x - m(x)][y - m(y)]}{\sqrt{\sum [x - m(x)]^2 \sum [y - m(y)]^2}}$
- $r_{y,x}^2$: Variation of y explained by variation of x

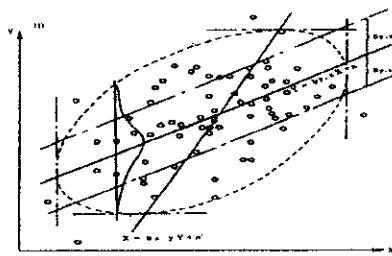


図3. 平均値 VS 栄研

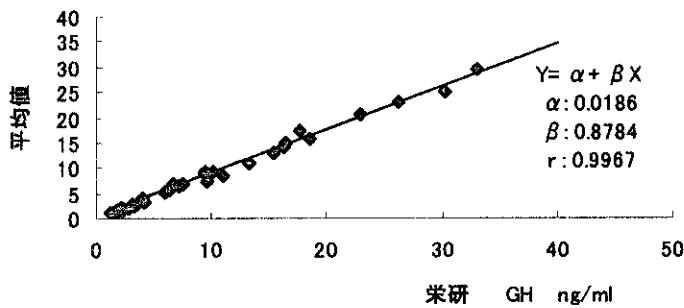


図4. 平均値 VS 第一

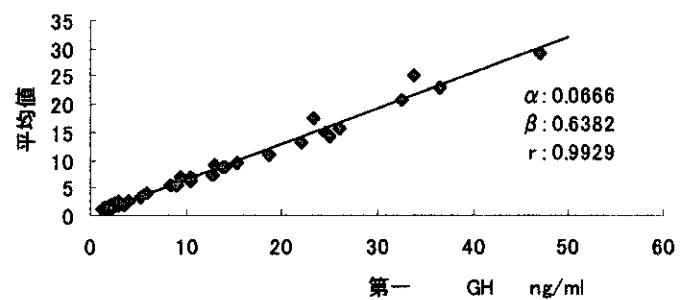


図5. 平均値 VS 東ソー

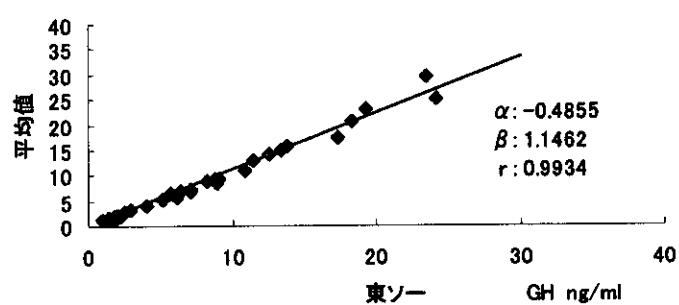


図6. 平均値 VS 日立

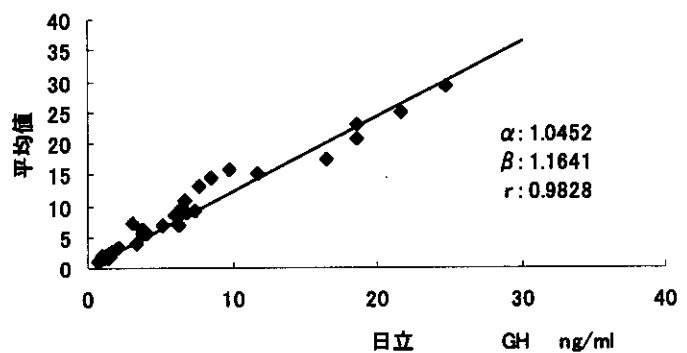


図7. 平均値 VS ヤトロン

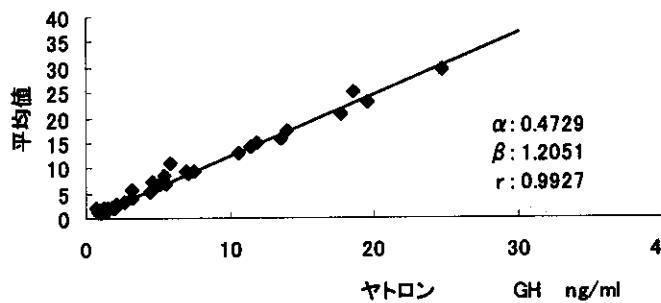


図8. 平均値 VS 協和

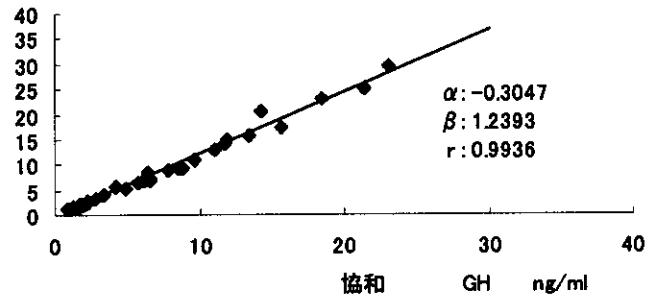


表1. 線形関係式結果 付属標準

検査法	β	SE	α	SE
栄研	0.8784	0.0811	0.0186	0.1025
第一	0.6382	0.0708	0.0666	0.1500
東ソ	1.1462	0.0744	-0.4855	0.1447
日立	1.1641	0.0759	1.0452	0.2331
ヤトロン	1.2051	0.0715	0.4729	0.1518
協和	1.2393	0.0692	-0.3047	0.1427

図9. JCR標準平均値 VS 栄研

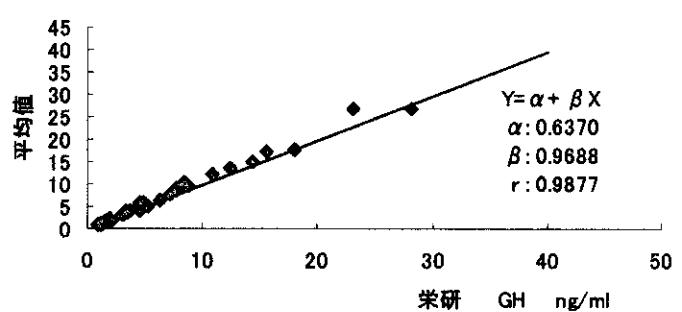


図10. JCR標準平均値 VS 第一

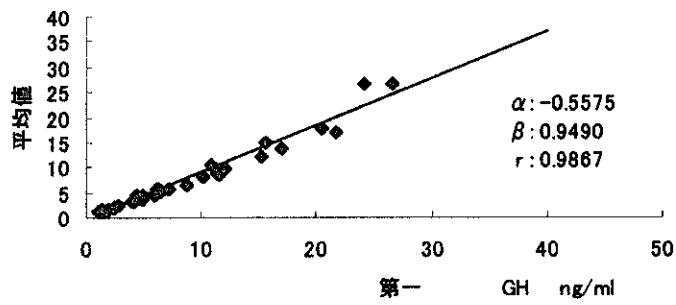


図11. JCR標準平均値 VS 東ソー

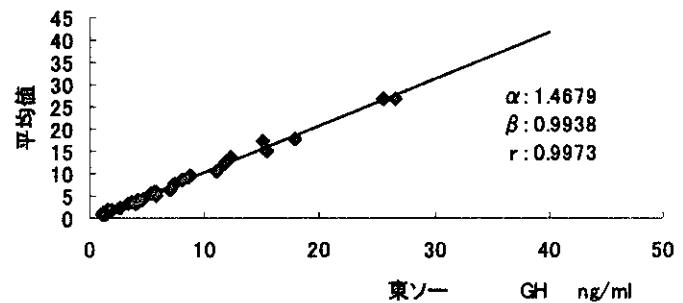


図12. JCR標準平均値 VS 日立

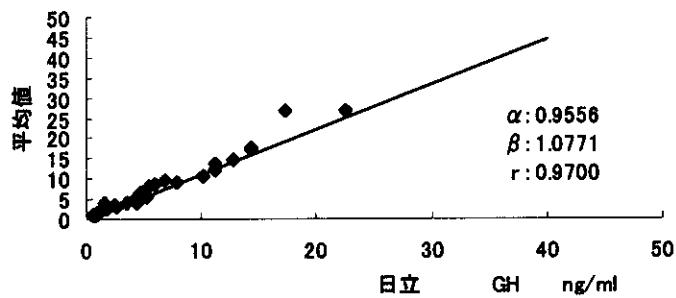


図13. JCR標準平均値 VS ヤトロン

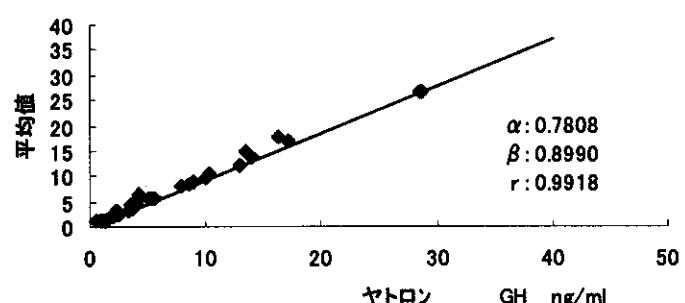


図14. JCR標準平均値 VS 協和

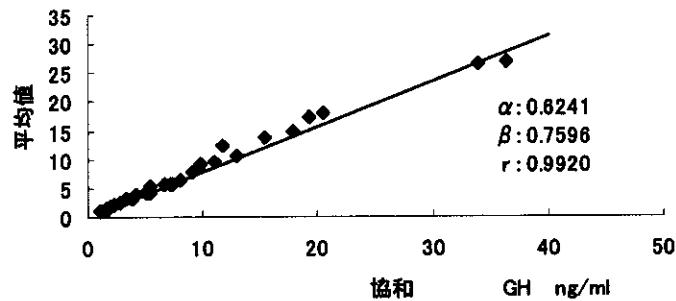


表2. 線形関係式結果 JCR標準

検査法	β	α	r
栄研	0.9688	0.6370	0.9877
第一	0.9490	-0.5575	0.9867
東ソ	0.9938	1.4679	0.9973
日立	1.0771	0.9556	0.9700
ヤトロン	0.8990	0.7808	0.9918
協和	0.7596	0.6251	0.9920

図15. 付属標準とJCR標準
測定換算式の傾きの比較

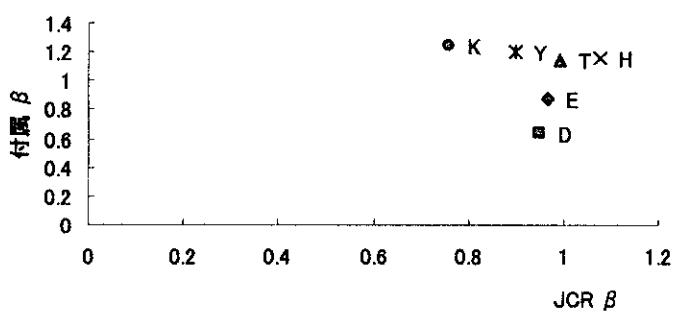


図16. 付属標準とJCR標準
測定換算式の切片の比較

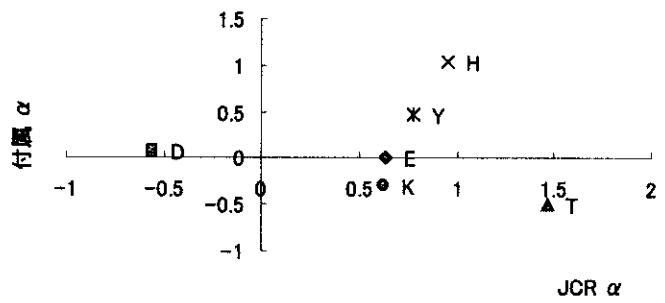


図17. 付属標準とJCR標準
測定換算式の相関の比較

